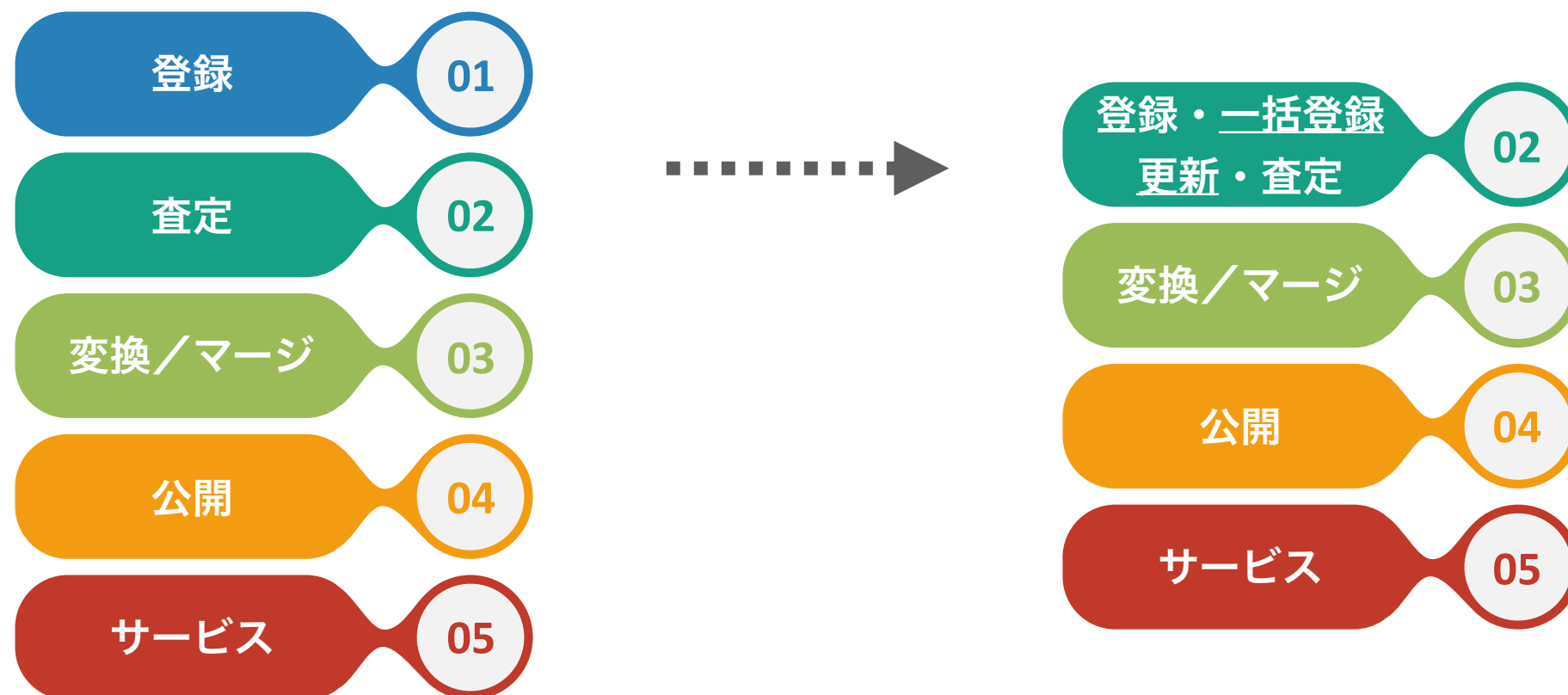


DDBJ: Submission API

2019.04.12 藤澤貴智

開発の目的

- 連携サービスとのインターフェース
 - MetaboBank入力メタデータのBioSample/BioProjectエントリー化（7月）
 - DFASTによるTrad.（ゲノム）登録
- 登録・更新・査定アプリケーションの統合化、自動化



DDBJ登録・更新・査定システム

- ユーザ
 - ログイン
 - ユーザー情報の入力・編集・管理
 - メタデータ入力（BioProject, BioSample, DRA, Tradメタデータ）
 - 配列リードデータのアップロード
 - 配列データのアップロード
 - 配列アノテーションの入力
- DDBJ
 - バリデーション（自動、手動） = API実装により、ほぼ統合（GEA、JGAは未統合）
 - キュレーターによる承認 = DDBJ管理ロールで実現可能
 - ユーザに返却・登録プロセス = 登録プロセスの仕様要確認
 - Accessionの発行 = API化
 - 履歴管理 = 仕様要検討
 - 更新時のデータリストアと差分比較 = 非公開・公開データ取得API化

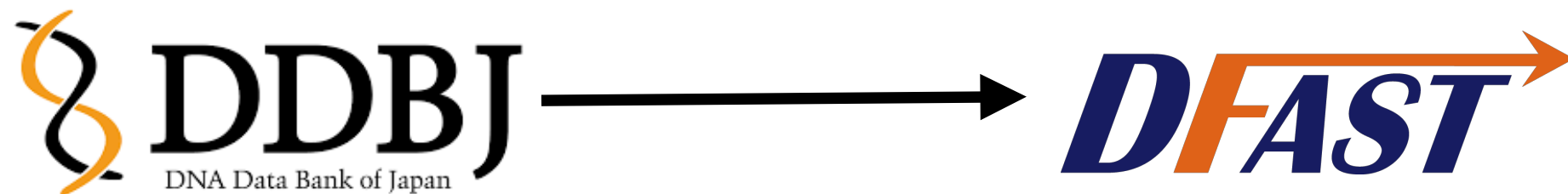
実現するために各コンポーネント化、API化

Submission API開発（案）

- DDBJバリデーター／キュレーター（自動／手動査定）→ ユーザ（論理登録）→ DDBJキュレーター（登録）
- DDBJバリデーター／キュレーター（自動／手動査定）→ ユーザ（論理更新）→ DDBJキュレーター（更新）
- DDBJバリデーター／キュレーター（自動／手動査定）→ ユーザ（論理削除）→ DDBJキュレーター（削除）
 - 更新、削除時のバリデーションは公開／非公開、DB間の依存関係の確認する必要がある
- Submission APIは、DDBJバリデーターによる自動査定を対象として**Submission ID/Accession IDをダイレクトに発行するもの**
- Validation APIで登録のインタフェースはすでにあるので、Submission APIに拡張、認証機能が足りてない
- 実装コードは現状 ruby/sinatra、開発フェーズ＋ユーザ限定なのでこのまま拡張して、別途APIサーバ/CUI部分のみJAVAによるあとも可能
- 下流の公開までのフローを短期（～7月）、中期的（1-2年）の視点で考える必要がある
 - バックエンドに必要なものは、**Submission DB**で、DDBJキュレーターによる登録、更新、削除
 - 運用開始時はユーザ側の極力対応（当面の実ユーザはMetaboBank, DFAST）、必要に応じてキュレーターによるDBを直接編集
 - 当面、MetaboBankのBioSample/BioProjectの受け皿と公開までのフローをどうするか

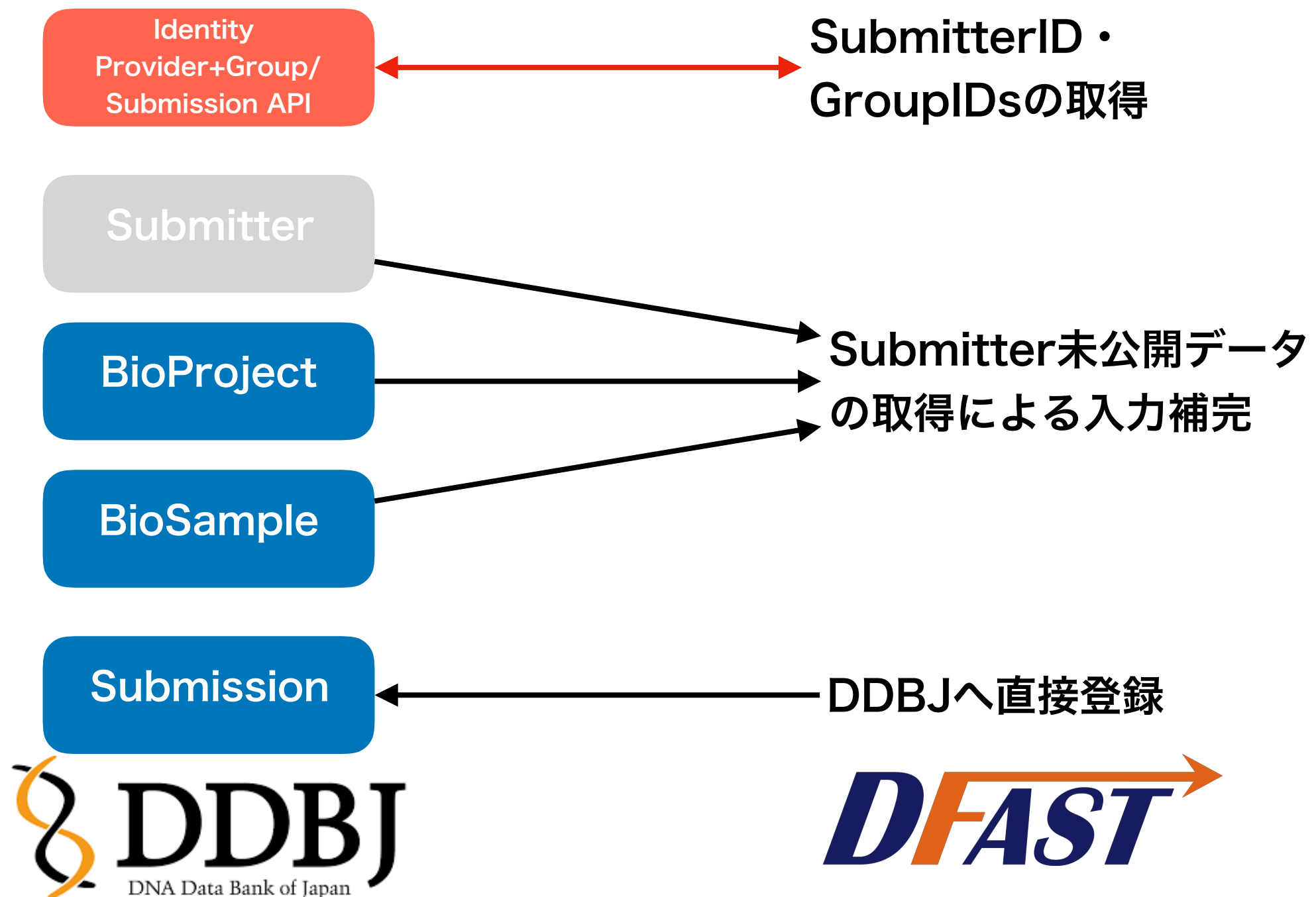
DDBJ-DFAST連携（案１）

- ウェブサービス間（SP→SP）連携
 - SSOが前提
 - D-WayウェブサービスのBioProject、BioSample登録からDFASTウェブサービスへの遷移
 - リンク+α
 - IDトークンの引継ぎなど



DDBJ-DFAST連携（案2）

- DFASTウェブサービスのDDBJユーザ認証クライアント化



DDBJ-DFAST連携（案3）

- DDBJ Submission API開発



Submission API

DFAST API

成功の場合：
Accession No発行

Validation API

Job実行

ステータス取得

結果取得リクエスト

結果の通知

バリデーション実行

DFAST coreを用いたLocalで実行も可能

DDBJ-DFAST連携（案4）

- DFAST Submissionコンテナ開発



- DFAST実行
- Trad Validation実行
- DDBJ SubmissionへPOST
- Submission API（案2）の基盤や太田CWLシステムへの組み込みに展開

DDBJシステム開発の方向性

	Trad.	BioProject	BioSample	DRA	GEA	JGA	Assembly
登録・更新・ 査定	DFAST・MetaboBank連携						
変換／マージ							
公開							
サービス							

中期的に登録・更新・査定をSubmission API開発を起点に統合