Clasificación

Mathieu Kessler

Departamento de Matemática Aplicada y Estadística Universidad Politécnica de Cartagena

Cartagena

 Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: $x_0, x_1, ..., x_k$; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.

Kessler

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: $x_0, x_1, ..., x_k$; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.
- Ejemplos:

Kessler Clasificación

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: $x_0, x_1, ..., x_k$; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.
- Ejemplos:
 - 1 Queremos clasificar los emails en SPAM o NO SPAM.

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: x_0, x_1, \dots, x_k ; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.
- Ejemplos:
 - Queremos clasificar los emails en SPAM o NO SPAM.
 - 2 Queremos clasificar operaciones de compra online en FRAUDULENTA o NO FRAUDULENTA.

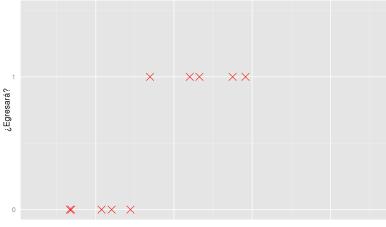
- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: x_0, x_1, \dots, x_k ; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.
- Ejemplos:
 - Queremos clasificar los emails en SPAM o NO SPAM.
 - Queremos clasificar operaciones de compra online en FRAUDULENTA o NO FRAUDULENTA.
 - 3 Queremos clasificar tumores en BENIGNO o MALIGNO.

- Basándonose en el valor de características, queremos clasificar cada individuo en una determinada categoría.
- Empezaremos con la clasificación en dos categorías posibles.
- Las características: x_0, x_1, \dots, x_k ; consideraremos la variable "respuesta" y dicotómica: toma valores 0 ó 1.
- Ejemplos:
 - Queremos clasificar los emails en SPAM o NO SPAM.
 - Queremos clasificar operaciones de compra online en FRAUDULENTA o NO FRAUDULENTA.
 - 3 Queremos clasificar tumores en BENIGNO o MALIGNO.
 - 4 Queremos clasificar alumnos de nuevo ingreso en "EGRESARÁ" o "ABANDONARÁ".

Queremos predecir el abandono de un alumno en función de su nota de PAU al ingresar.

Codificamos: $y = 1 \leftrightarrow$ "Egresará", $y = 0 \leftrightarrow$ "Abandonará".

Codificamos: $y = 1 \leftrightarrow$ "Egresará", $y = 0 \leftrightarrow$ "Abandonará".



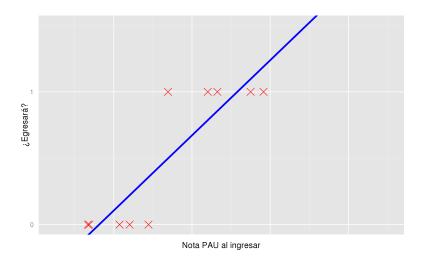
Nota PAU al ingresar

Si usamos regresión lineal, la recta ajustada $y = h_{\theta}(x)$ es

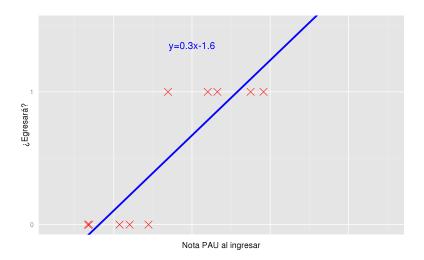


Nota PAU al ingresar

Si usamos regresión lineal, la recta ajustada $y=h_{ heta}(x)$ es



Si usamos regresión lineal, la recta ajustada $y = h_{\theta}(x)$ es



¿ Podemos usar esta recta ajustada y=0.3x-1.6 para hacer predicción ante un nuevo alumno que ingresa? ¡Sí! Podemos aprovecharla para definir una regla de decisión:

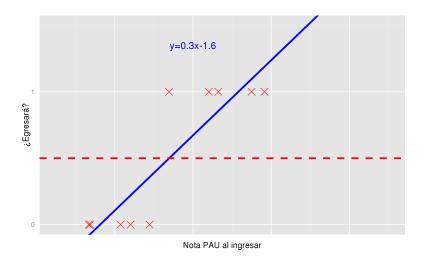
- ¿ Podemos usar esta recta ajustada y = 0.3x 1.6 para hacer predicción ante un nuevo alumno que ingresa? ¡Sí! Podemos aprovecharla para definir una regla de decisión:
 - I Sustituimos la nota PAU de ingreso del nuevo alumno en la ecuación ajustada. Obtenemos $\Rightarrow \hat{y}$.

Kessler

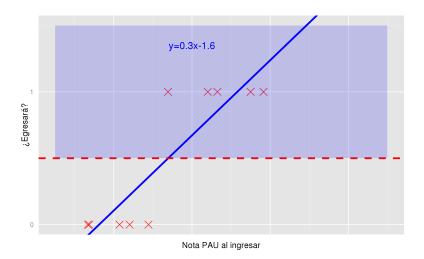
- ¿ Podemos usar esta recta ajustada y=0.3x-1.6 para hacer predicción ante un nuevo alumno que ingresa?
- ¡Sí! Podemos aprovecharla para definir una regla de decisión:
 - I Sustituimos la nota PAU de ingreso del nuevo alumno en la ecuación ajustada. Obtenemos $\Rightarrow \hat{y}$.
 - **2** Si $\hat{y} > 0.5$, predecimos que egresará.

- ξ Podemos usar esta recta ajustada y=0.3x-1.6 para hacer predicción ante un nuevo alumno que ingresa?
- ¡Sí! Podemos aprovecharla para definir una regla de decisión:
 - II Sustituimos la nota PAU de ingreso del nuevo alumno en la ecuación ajustada. Obtenemos $\Rightarrow \hat{y}$.
 - **2** Si $\hat{y} > 0.5$, predecimos que egresará.
 - **3** Si $\hat{y} < 0.5$, predecimos que abandonará.

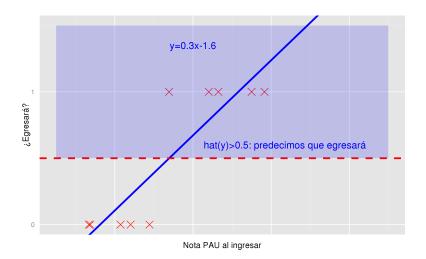
Gráficamente, nuestro criterio de decisión sobre \hat{y} :



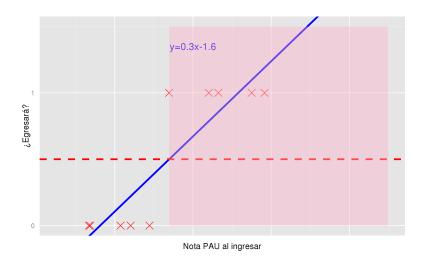
Gráficamente, nuestro criterio de decisión sobre \hat{y} :



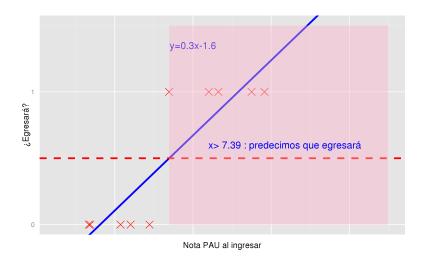
Gráficamente, nuestro criterio de decisión sobre \hat{y} :



Lo traducimos en términos de x, :



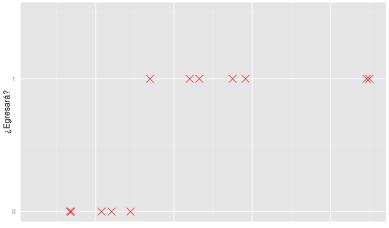
Decir $\hat{y} = 0.3x - 1.6 > 0.5$ es equivalente a x > 7.39,



Pero nuestro criterio de decisión es sensible a datos atípicos:

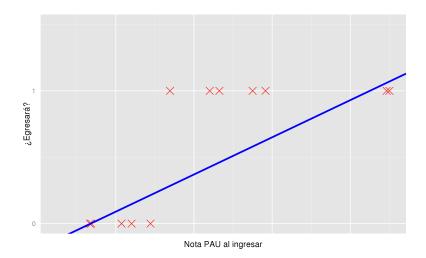
Supongamos que tenemos estos puntos adicionales

Supongamos que tenemos estos puntos adicionales

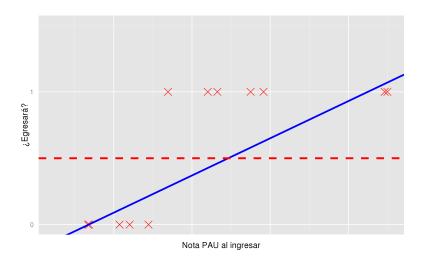


Nota PAU al ingresar

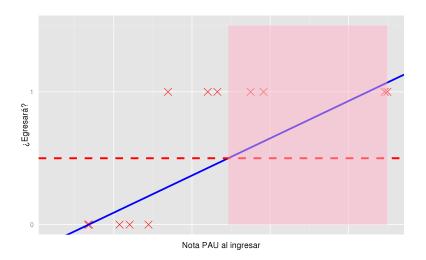
El ajuste cambia bastante



Y nuestro criterio de decisión es inadecuado



Y nuestro criterio de decisión es inadecuado



Además al ajustar una recta a nuestros datos binarios, el modelo $h_{\theta}(x)$ puede tomar valores superiores a 1, o negativos...

Además al ajustar una recta a nuestros datos binarios, el modelo $h_{\theta}(x)$ puede tomar valores superiores a 1, o negativos...

Pasamos a una función no lineal para ajustar estos datos binarios:

Usaremos como base la función logística:

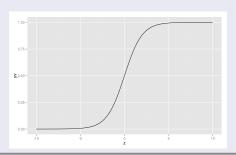
$$g(z)=\frac{1}{1+e^{-z}}.$$

Además al ajustar una recta a nuestros datos binarios, el modelo $h_{\theta}(x)$ puede tomar valores superiores a 1, o negativos...

Pasamos a una función no lineal para ajustar estos datos binarios:

Usaremos como base la función logística:

$$g(z)=\frac{1}{1+e^{-z}}.$$



Ajustaremos a los datos binarios la hipótesis:

$$h_{\theta}(x) = g(x^{T}\theta)$$

Ajustaremos a los datos binarios la hipótesis:

$$h_{\theta}(x) = g(x^T \theta)$$

1 Si tenemos una única característica x_1 :

$$h_{\theta}(x) = g(x^{T}\theta) = \frac{1}{1 + e^{-(\theta_{0} + \theta_{1}x_{1})}},$$

Ajustaremos a los datos binarios la hipótesis:

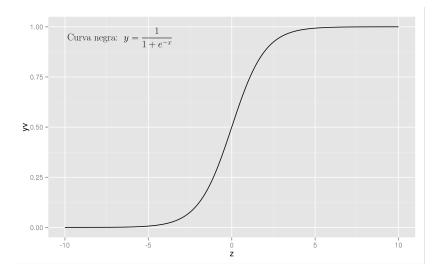
$$h_{\theta}(x) = g(x^{T}\theta)$$

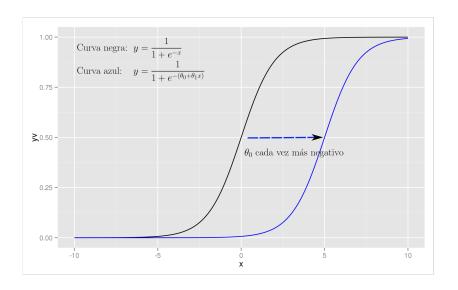
1 Si tenemos una única característica x_1 :

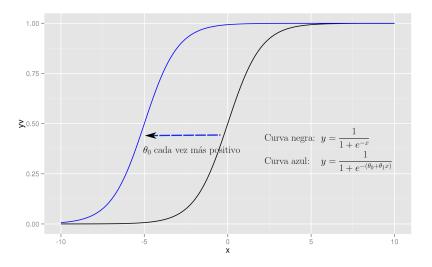
$$h_{\theta}(x) = g(x^{T}\theta) = \frac{1}{1 + e^{-(\theta_{0} + \theta_{1}x_{1})}},$$

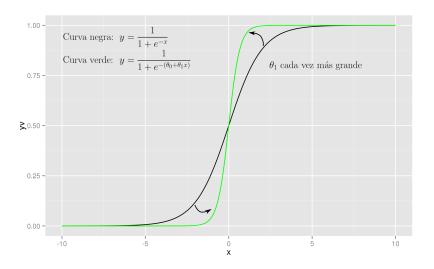
2 si tenemos k características x_1, x_2, \ldots, x_k .

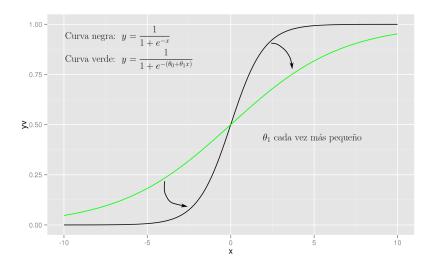
$$h_{\theta}(x) = g(x^{T}\theta) = \frac{1}{1 + e^{-(\theta_{0} + \theta_{1}x_{1} + ... + \theta_{k}x_{k})}},$$











Interpretación de $h_{\theta}(x)$.

Interpretación

El valor de $h_{\theta}(x)$ es la probabilidad de que y tome el valor 1, para ese vector de características x, si los parámetros del ajuste son θ . Es

$$h_{\theta}(x) = \mathbb{P}(y = 1|x; \theta),$$

es decir la probabilidad de que y = 1 condicionado a x y θ .

Kessler

Interpretación de $h_{\theta}(x)$.

Interpretación

El valor de $h_{\theta}(x)$ es la probabilidad de que y tome el valor 1, para ese vector de características x, si los parámetros del ajuste son θ . Es

$$h_{\theta}(x) = \mathbb{P}(y = 1|x; \theta),$$

es decir la probabilidad de que y = 1 condicionado a $x y \theta$.

Si, dado una nota media PAU, encontramos $h_{\theta}(x) = 0.7$, le diremos al alumno que tiene 70% de probabilidad de acabar egresando...

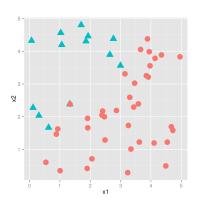
• Una vez entrenada nuestra regresión logística, tendremos el modelo ajustado $h_{\hat{\theta}}(x)$.

- Una vez entrenada nuestra regresión logística, tendremos el modelo ajustado $h_{\hat{\theta}}(x)$.
- Recordad que hemos decidido usar para clasificar la regla de decisión:
 - Si $h_{\theta}(x) \ge 0.5$, clasificamos \hat{y} como 1.
 - Si $h_{\theta}(x) < 0.5$, clasificamos \hat{y} como 0.

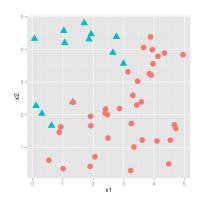
- Una vez entrenada nuestra regresión logística, tendremos el modelo ajustado $h_{\hat{\theta}}(x)$.
- Recordad que hemos decidido usar para clasificar la regla de decisión:
 - Si $h_{\theta}(x) \ge 0.5$, clasificamos \hat{y} como 1.
 - Si $h_{\theta}(x) < 0.5$, clasificamos \hat{y} como 0.
- Pero $h_{\theta}(x) = g(x^T \theta)$, por lo que
 - $h_{\theta}(x) \geq 0.5 \Leftrightarrow x^T \theta \geq 0$ y
 - $\bullet h_{\theta}(x) < 0.5 \Leftrightarrow x^T \theta < 0.$

- Una vez entrenada nuestra regresión logística, tendremos el modelo ajustado $h_{\hat{\theta}}(x)$.
- Recordad que hemos decidido usar para clasificar la regla de decisión:
 - Si $h_{\theta}(x) \ge 0.5$, clasificamos \hat{y} como 1.
 - Si $h_{\theta}(x) < 0.5$, clasificamos \hat{y} como 0.
- Pero $h_{\theta}(x) = g(x^T \theta)$, por lo que
 - $h_{\theta}(x) \geq 0.5 \Leftrightarrow x^T \theta \geq 0$ y
 - $\bullet h_{\theta}(x) < 0.5 \Leftrightarrow x^T \theta < 0.$
- Así que, en realidad, hemos especificado así una región de decisión cuya frontera es

$$x^T \theta = 0.$$



Dos características, x1 y x2 azul $\leftrightarrow y = 1$; rojo $\leftrightarrow y = 0$



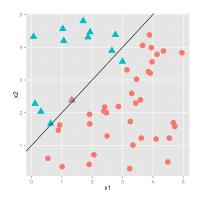
Dos características, x1 y x2 azul $\leftrightarrow y = 1$; rojo $\leftrightarrow y = 0$ Tenemos:

$$\theta = (\theta_0, \theta_1, \theta_2),$$

$$x = (1, x_1, x_2),$$

por lo que la frontera de la región es

$$\theta_0 + \theta_1 x_1 + \theta_2 x_2 = 0.$$



Dos características, x1 y x2 azul $\leftrightarrow y = 1$; rojo $\leftrightarrow y = 0$ Tenemos:

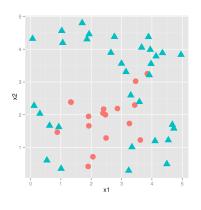
$$\theta = (\theta_0, \theta_1, \theta_2),$$

$$x = (1, x_1, x_2),$$

por lo que la frontera de la región es

$$\theta_0 + \theta_1 x_1 + \theta_2 x_2 = 0.$$

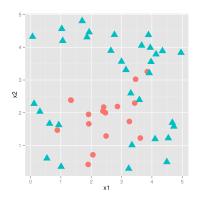
Es una recta.



Si introducimos potencias de grado superior de x_1 y x_2 , podemos obtener fronteras no lineales...

$$\bullet = (\theta_0, \theta_1, \theta_2, \theta_3, \theta_4, \theta_5),$$

$$= (1, x_1, x_2, x_1^2, x_1x_2, x_2^2),$$

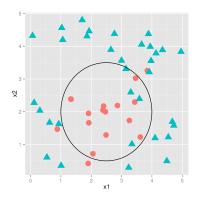


Si introducimos potencias de grado superior de x_1 y x_2 , podemos obtener fronteras no lineales...

$$\bullet \theta = (\theta_0, \theta_1, \theta_2, \theta_3, \theta_4, \theta_5),$$

por lo que la frontera de la región es

$$\theta_0 + \theta_1 x_1 + \theta_2 x_2 + \theta_3 x_1^2 + \ldots = 0.$$



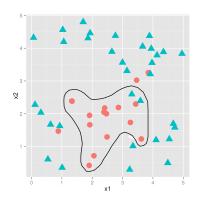
Si introducimos potencias de grado superior de x_1 y x_2 , podemos obtener fronteras no lineales...

$$\bullet \theta = (\theta_0, \theta_1, \theta_2, \theta_3, \theta_4, \theta_5),$$

por lo que la frontera de la región es

$$\theta_0 + \theta_1 x_1 + \theta_2 x_2 + \theta_3 x_1^2 + \ldots = 0.$$

Por ejemplo un círculo...



Y si introducimos potencias de grado aun superior x_1^3 y x_2^3 ..., x_1^5 etc.. podemos obtener fronteras más complejas...

Conjunto de entrenamiento: los datos que tendremos se presentarán en la forma siguiente:

Cada fila representa un individuo, cada columna una variable o característica para ese individuo.

Los valores y_1 , y_2 , etc... son valores binarios (0 ó 1).

Conjunto de entrenamiento: los datos que tendremos se presentarán en la forma siguiente:

$$Y$$
 X_1 X_2 \cdots X_k

$$y_1$$
 x_{11} x_{12} \cdots x_{1k}

$$\vdots$$

$$\vdots$$

$$\vdots$$

$$\vdots$$

$$y_n$$
 x_{n1} x_{n2} \cdots x_{nk}

Cada fila representa un individuo, cada columna una variable o característica para ese individuo.

Los valores y_1 , y_2 , etc... son valores binarios (0 ó 1). Usaremos la notación

$$x_{i\bullet} = (x_{i0}, x_{i1}, \dots, x_{ik})^T$$

para denotar el vector de características del individuo número i (hemos incluido $x_{i0}=1$.)

■ Buscamos entrenar un algoritmo de regresión logística, es decir encontrar el "mejor" vector de parámetros θ , aprendiendo de nuestro conjunto de entrenamiento.

Kessler

- Buscamos entrenar un algoritmo de regresión logística, es decir encontrar el "mejor" vector de parámetros θ , aprendiendo de nuestro conjunto de entrenamiento.
- Necesitamos una función de coste que mida la calidad del ajuste al conjunto de entrenamiento, pero que posea también buenas propiedades para la minimización (convexidad).

Kessler

- Buscamos entrenar un algoritmo de regresión logística, es decir encontrar el "mejor" vector de parámetros θ , aprendiendo de nuestro conjunto de entrenamiento.
- Necesitamos una función de coste que mida la calidad del ajuste al conjunto de entrenamiento, pero que posea también buenas propiedades para la minimización (convexidad).
- Por ello, introducimos la función de coste siguiente

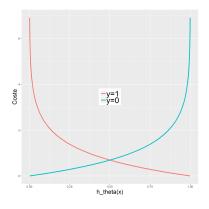
$$J(\theta) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} coste(h_{\theta}(x_{i\bullet}), y_{i})$$

- Buscamos entrenar un algoritmo de regresión logística, es decir encontrar el "mejor" vector de parámetros θ , aprendiendo de nuestro conjunto de entrenamiento.
- Necesitamos una función de coste que mida la calidad del ajuste al conjunto de entrenamiento, pero que posea también buenas propiedades para la minimización (convexidad).
- Por ello, introducimos la función de coste siguiente

$$J(\theta) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} coste(h_{\theta}(x_{i\bullet}), y_{i})$$

donde

$$coste(h_{ heta}(x),y) = \left\{ egin{array}{ll} -\log(h_{ heta}(x)) & ext{si } y=1, \ -\log(1-h_{ heta}(x)) & ext{si } y=0, \end{array}
ight.$$



Este es el perfil de la función de coste. Por lo tanto:

- Si y = 1, cuando $h_{\theta}(x) \rightarrow 0$, $coste(h_{\theta}(x), y) \rightarrow \infty$.
- Si y = 1, cuando $h_{\theta}(x) = 1$, $coste(h_{\theta}(x), y) = 0$.
- Si y = 0, cuando $h_{\theta}(x) \rightarrow 1$, $coste(h_{\theta}(x), y) \rightarrow \infty$.
- Si y = 0, cuando $h_{\theta}(x) = 0$, coste $(h_{\theta}(x), y) = 0$.

Nuestra función de coste será por lo tanto:

$$J(\theta) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} coste(h_{\theta}(x_{i\bullet}), y_{i})$$

donde

$$coste(h_{ heta}(x),y) = \left\{ egin{array}{ll} -\log(h_{ heta}(x)) & ext{si } y=1, \ -\log(1-h_{ heta}(x)) & ext{si } y=0, \end{array}
ight. ,$$

lo que podemos escribir de manera más rápida como

$$J(\theta) = -\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n} \left\{ y_i \log(h_{\theta}(x_{i\bullet})) + (1-y_i) \log(1-h_{\theta}(x_{i\bullet})) \right\}$$

Calculo del gradiente

Deducimos

$$\nabla_{\theta} J(\theta) = -\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left\{ y_{i} \nabla_{\theta} \log(h_{\theta}(x_{i\bullet})) + (1 - y_{i}) \nabla_{\theta} \log(1 - h_{\theta}(x_{i\bullet})) \right\}$$
$$= \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left\{ x_{i\bullet} \cdot (h_{\theta}(x_{i\bullet}) - y_{i}) \right\}.$$

Calculo del gradiente

Deducimos

$$\nabla_{\theta} J(\theta) = -\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left\{ y_{i} \nabla_{\theta} \log(h_{\theta}(x_{i\bullet})) + (1 - y_{i}) \nabla_{\theta} \log(1 - h_{\theta}(x_{i\bullet})) \right\}$$
$$= \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left\{ x_{i\bullet} \cdot (h_{\theta}(x_{i\bullet}) - y_{i}) \right\}.$$

Si usamos la matriz de diseño X, obtenemos en forma compacta:

$$abla_{ heta} J(heta) = rac{1}{n} \mathbf{X}^T \cdot (\mathbf{H}_{ heta} - \mathbf{y}),$$

donde H denota el vector columna:

$$\mathbf{H}_{ heta} = \left(egin{array}{c} h_{ heta}(\mathbf{x}_{1ullet}) \\ h_{ heta}(\mathbf{x}_{2ullet}) \\ dots \\ h_{ heta}(\mathbf{x}_{nullet}) \end{array}
ight)$$

Nota: comparación con la implementación para regresión múltiple

Recordad que, para la regresión múltiple, el gradiente era:

$$\nabla_{\theta} J(\theta) = \frac{1}{n} \mathbf{X}^T \cdot (\mathbf{X}\theta - y).$$

mientras que para la regresión logística, acabamos de establecer que el gradiente es:

$$\nabla_{\theta} J(\theta) = \frac{1}{n} \mathbf{X}^{T} \cdot (\mathbf{H}_{\theta} - y),$$

Es muy similar, si queremos programar el algoritmo del gradiente, sólo requiere una pequeña modificación de nuestro código...

Regresión logística en scikit-learn

Podemos aprovechar la clase LogisticRegression del submódulo linear_model si no queremos usar algoritmo del gradiente.

Kessler UPCT

Regresión logística en scikit-learn

Podemos aprovechar la clase LogisticRegression del submódulo linear_model si no queremos usar algoritmo del gradiente.

- Las ventajas:
 - lacktriangle No es necesario especificar lpha
 - Puede ser más rápido.

Regresión logística en scikit-learn

Podemos aprovechar la clase LogisticRegression del submódulo linear_model si no queremos usar algoritmo del gradiente.

- Las ventajas:
 - lacksquare No es necesario especificar lpha
 - Puede ser más rápido.
- Sin embargo, en el caso en que haya muchas características, puede ser más eficiente usar algoritmo del gradiente (scikit-learn también dispone de procedimientos para ello.)

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Kessler

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

■ Entrenamos una regresión logística para clasificar en "A" o "no A". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_A}(x)$.

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "A" o "no A". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_A}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "B" o "no B". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_D}(x)$.

Si queremos clasificar en más de dos categorías...

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "A" o "no A". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_A}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "B" o "no B". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_R}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "C" o "no C". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_C}(x)$.

Si queremos clasificar en más de dos categorías...

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "A" o "no A". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_A}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "B" o "no B". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_R}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "C" o "no C". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_C}(x)$.
- Dado un nuevo individuo, calculamos las tres probabilidades predichas $h_{\hat{\theta}_A}(x)$, $h_{\hat{\theta}_B}(x)$ y $h_{\hat{\theta}_C}(x)$.

Si queremos clasificar en más de dos categorías...

Si queremos clasificar cada individuo en más de dos categorias, usaremos la técnica del "One versus all".

Ejemplo con tres categorías A, B y C.

Supongamos que queremos clasificar cada individuo en A, B o C.

- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "A" o "no A". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_{A}}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "B" o "no B". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_R}(x)$.
- Entrenamos una regresión logística para clasificar en "C" o "no C". \Rightarrow obtenemos modelo ajustado $h_{\hat{\theta}_C}(x)$.
- Dado un nuevo individuo, calculamos las tres probabilidades predichas $h_{\hat{\theta}_A}(x)$, $h_{\hat{\theta}_B}(x)$ y $h_{\hat{\theta}_C}(x)$.
- Clasificamos el individuo en la categoría que tiene la probabilidad predicha más alta...

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

Ejemplo

Consideremos el problema de predecir si un tumor es benigno o maligno basándonos en unas imágenes medicales.

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

Ejemplo

Consideremos el problema de predecir si un tumor es benigno o maligno basándonos en unas imágenes medicales.

De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

Ejemplo

Consideremos el problema de predecir si un tumor es benigno o maligno basándonos en unas imágenes medicales.

De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

Tasa de acierto =
$$\frac{94}{100}$$
 = 94%.

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

Ejemplo

Consideremos el problema de predecir si un tumor es benigno o maligno basándonos en unas imágenes medicales.

De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

Tasa de acierto =
$$\frac{94}{100}$$
 = 94%.

Sin embargo, tiene sus limitaciones: si mi decisión hubiera sido sencillamente declarar todos como benignos, cuál habría sido mi tasa de acierto?

El primer indicador que podemos usar es la tasa de acierto, es decir el porcentaje de individuos clasificados correctamente.

Ejemplo

Consideremos el problema de predecir si un tumor es benigno o maligno basándonos en unas imágenes medicales.

De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

Tasa de acierto =
$$\frac{94}{100}$$
 = 94%.

Sin embargo, tiene sus limitaciones: si mi decisión hubiera sido sencillamente declarar todos como benignos, cuál habría sido mi tasa de acierto?

Tasa de acierto
$$=\frac{95}{100}=95\%$$
.

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Kessler

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Precisión

Es la proporción de aciertos (y=1) entre los que he clasificado como "positivos" $(\hat{y}=1)$.

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Precisión

Es la proporción de aciertos (y=1) entre los que he clasificado como "positivos" $(\hat{y}=1)$.

Sensibilidad "Recall"

Es la proporción de aciertos $(\hat{y} = 1)$ entre todos los que son positivos "positivos" (y = 1).

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Precisión

Es la proporción de aciertos (y=1) entre los que he clasificado como "positivos" $(\hat{y}=1)$.

Sensibilidad "Recall"

Es la proporción de aciertos $(\hat{y}=1)$ entre todos los que son positivos "positivos" (y=1).

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Precisión

Es la proporción de aciertos (y=1) entre los que he clasificado como "positivos" ($\hat{y}=1$).

Sensibilidad "Recall"

Es la proporción de aciertos $(\hat{y}=1)$ entre todos los que son positivos "positivos" (y=1).

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

$$precision = 4/9, recall = 4/5$$

Por ello, introducimos dos indicadores que debemos considerar conjuntamente:

Precisión

Es la proporción de aciertos (y=1) entre los que he clasificado como "positivos" ($\hat{y}=1$).

Sensibilidad "Recall"

Es la proporción de aciertos $(\hat{y}=1)$ entre todos los que son positivos "positivos" (y=1).

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

$$precision = 4/9, recall = 4/5$$

Si los declaro todos como benignos:

$$precision = no existe, recall = 0/5 = 0$$

Se suele presentar los resultados del algoritmo en forma de matriz, llamada matriz de confusión.

Se suele presentar los resultados del algoritmo en forma de matriz, llamada matriz de confusión.

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

Kessler

UPCT

Se suele presentar los resultados del algoritmo en forma de matriz, llamada matriz de confusión.

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

$y \backslash \hat{y}$	0	1
0	90	5
1	1	4

Se suele presentar los resultados del algoritmo en forma de matriz, llamada matriz de confusión.

Para el problema anterior: De un total de 100 tumores, de los cuáles 5 son malignos y 95 benignos, mi algoritmo se ha equivocado en 1 maligno y 5 benignos.

$$\begin{array}{c|ccccc}
y \setminus \hat{y} & 0 & 1 \\
\hline
0 & 90 & 5 \\
1 & 1 & 4
\end{array}$$

Matriz de confusión:

$$\left(\begin{array}{cc}
90 & 5 \\
1 & 4
\end{array}\right)$$

La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

Kessler

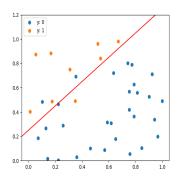
La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés. Se busca un equilibrio.

Clasificación

Kessler

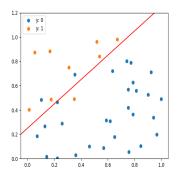
La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal:



La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

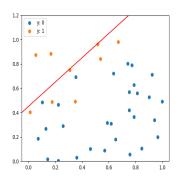
Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal:



Tenemos una precisión de 80% y una sensibilidad de 8/9, (89%).

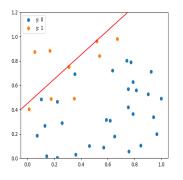
La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal. Si aumento la ordenada al origen de la frontera:



La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

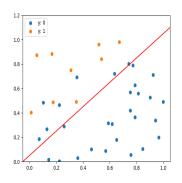
Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal. Si aumento la ordenada al origen de la frontera:



Tenemos una precisión de 100% y una sensibilidad de 2/9 (22%)

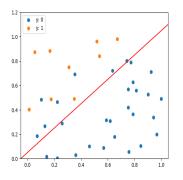
La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal. Si disminuyo la ordenada al origen de la frontera:



La precisión y la sensibilidad van en sentido contrario: si aumenta la precisión, baja la sensibilidad y al revés.

Se busca un equilibrio. Dos características y una frontera de decisión lineal. Si disminuyo la ordenada al origen de la frontera:



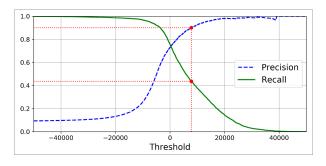
Tenemos una precisión de 64% y una sensibilidad de 100%

Una tipica situación:

UPCT

Kessler

Una tipica situación:



 $Fuente:\ https://jaehyeongan.github.io/2020/02/29/LSTM-Autoencoder-for-Anomaly-Detection/Particles (Control of the Control o$