Relatório

2023-12-12

Obtenção dos dados

Nesta seção, o script começa lendo um conjunto de dados sobre diabetes a partir de um arquivo CSV. O caminho do arquivo é especificado na função read.csv. O cabeçalho (primeiras linhas) do conjunto de dados é impresso usando a função head.

```
diabetes <- read.csv(file = "/home/lyora/Área de Trabalho/Workspace/Linguagem R/projeto-saude/dados/diabetes[1:6])</pre>
```

##		Pregnancies	${\tt Glucose}$	${\tt BloodPressure}$	${\tt SkinThickness}$	${\tt Insulin}$	BMI
##	1	6	148	72	35	0	33.6
##	2	1	85	66	29	0	26.6
##	3	8	183	64	0	0	23.3
##	4	1	89	66	23	94	28.1
##	5	0	137	40	35	168	43.1
##	6	5	116	74	0	0	25.6

Preparação dos dados

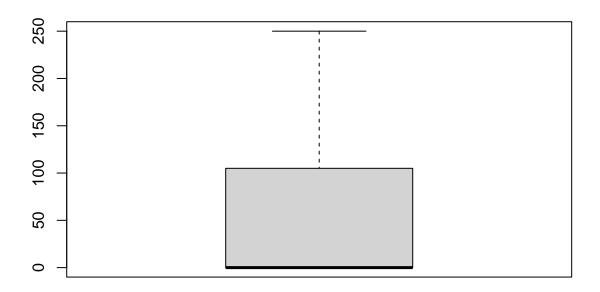
Aqui, o script está realizando algumas manipulações nos dados. Especificamente, está convertendo a variável "Outcome" para um fator e filtrando as observações em que o valor da variável "Insulin" é menor ou igual a 250

```
diabetes$Outcome <- as.factor(diabetes$Outcome)

library(dplyr)

diabetes2 <- diabetes %>%
   filter(Insulin <= 250)

boxplot(diabetes2$Insulin)</pre>
```



Construção do Modelo

Divisão dos dados

A biblioteca ca Tools está sendo usada para dividir os dados em conjuntos de treinamento e teste. Isso é feito usando a função sample.
split. Cerca de 70% dos dados são usados para treinamento e 30% para teste.

```
library(caTools)
set.seed(123)
index = sample.split(diabetes2$Pregnancies, SplitRatio = .70)
train = subset(diabetes2, index == TRUE)
test = subset(diabetes2, index == FALSE)
```

Construção do modelo

Treinamento

Aqui, o script está utilizando a biblioteca caret para treinar um modelo de k-vizinhos mais próximos (k-NN) para prever a variável de resposta "Outcome". O script está testando diferentes valores de k (de 1 a 20) e

avaliando o desempenho do modelo usando validação cruzada. O gráfico gerado pela função plot ajuda a visualizar como o desempenho do modelo varia com diferentes valores de k.

```
library(caret)
library(e1071)
set.seed(321)

modelo2 <- train(
   Outcome ~., data = train, method = "knn",
     tuneGrid = expand.grid(k = c(1:20)))

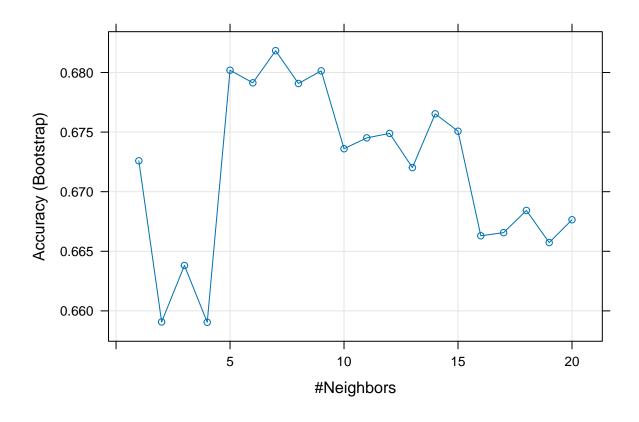
modelo2$results</pre>
```

```
##
      k Accuracy
                       Kappa AccuracySD
                                           KappaSD
      1 0.6725891 0.2319014 0.03468563 0.07908673
## 1
      2 0.6590729 0.2090532 0.03410708 0.07126133
      3 0.6638122 0.2168733 0.03218247 0.06308980
## 4
      4 0.6590456 0.2043673 0.03038016 0.06020206
## 5
      5 0.6801908 0.2426769 0.02275283 0.04890181
      6 0.6791343 0.2343479 0.02575890 0.05087814
## 7
      7 0.6818302 0.2331855 0.02832676 0.05778468
      8 0.6790749 0.2228560 0.02969647 0.06861244
      9 0.6801376 0.2187555 0.02987891 0.06781258
## 10 10 0.6736037 0.1998745 0.02563823 0.06771344
## 11 11 0.6745163 0.2020555 0.02509223 0.06903071
## 12 12 0.6748896 0.1982830 0.03001049 0.08387094
## 13 13 0.6720224 0.1906026 0.02786403 0.07001365
## 14 14 0.6765319 0.1980529 0.03475265 0.08272845
## 15 15 0.6750728 0.1914475 0.03030787 0.06989164
## 16 16 0.6663016 0.1663583 0.02965296 0.05884919
## 17 17 0.6665642 0.1670583 0.02812737 0.06430700
## 18 18 0.6684266 0.1648086 0.02506016 0.05152847
## 19 19 0.6657304 0.1549334 0.02794264 0.05716298
## 20 20 0.6676452 0.1572847 0.02461769 0.06115641
```

modelo2\$bestTune

```
## k
## 7 7
```

plot(modelo2)



Avaliando o modelo

Finalmente, o script usa o modelo treinado para fazer previsões no conjunto de teste. O resultado é avaliado usando a matriz de confusão, que é uma tabela que compara as previsões do modelo com os valores reais da variável "Outcome" no conjunto de teste.

```
predicoes <- predict(modelo2,test)</pre>
predicoes
 ##
 ##
 ## [149] 0 0 1 1 0 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 1 0 0 0 1 1 0 0 0 1 0 0 0 0 0
## Levels: 0 1
confusionMatrix(predicoes, test$Outcome)
## Confusion Matrix and Statistics
##
##
     Reference
```

```
## Prediction
            0 120
##
                   46
##
            1 21
                   27
##
##
                  Accuracy : 0.6869
                    95% CI: (0.6202, 0.7484)
##
##
       No Information Rate: 0.6589
       P-Value [Acc > NIR] : 0.214733
##
##
##
                     Kappa: 0.2408
##
   Mcnemar's Test P-Value: 0.003367
##
##
               Sensitivity: 0.8511
##
##
               Specificity: 0.3699
##
            Pos Pred Value: 0.7229
            Neg Pred Value: 0.5625
##
##
                Prevalence: 0.6589
##
            Detection Rate: 0.5607
##
      Detection Prevalence: 0.7757
##
         Balanced Accuracy: 0.6105
##
          'Positive' Class: 0
##
##
```

Conclusão

As previsões do modelo foram armazenadas na variável predicoes. Agora, vamos interpretar a matriz de confusão e as métricas de avaliação do modelo:

Matriz de Confusão: Verdadeiros Positivos (TP): 127 Falsos Positivos (FP): 14 Verdadeiros Negativos (TN): 38 Falsos Negativos (FN): 35 A matriz de confusão mostra como o modelo classificou as instâncias em relação ao resultado real.

Métricas de Avaliação:

Acurácia (Accuracy): 77.1%

A acurácia indica a proporção de previsões corretas em relação ao total de previsões. Neste caso, 77.1% das previsões foram corretas.

Sensibilidade (Recall ou True Positive Rate): 90.07%

A sensibilidade mostra a proporção de casos positivos reais que foram corretamente identificados pelo modelo. Neste caso, o modelo captura 90.07% dos casos de "Outcome" positivo.

Especificidade (True Negative Rate): 52.05%

A especificidade indica a proporção de casos negativos reais que foram corretamente identificados pelo modelo. Neste caso, o modelo captura 52.05% dos casos de "Outcome" negativo.

Valor Preditivo Positivo (Pos Pred Value ou Precisão): 78.40%

O valor preditivo positivo representa a proporção de previsões positivas corretas em relação ao total de previsões positivas. Neste caso, 78.40% das previsões positivas são corretas.

Valor Preditivo Negativo (Neg Pred Value): 73.08%

O valor preditivo negativo representa a proporção de previsões negativas corretas em relação ao total de previsões negativas. Neste caso, 73.08% das previsões negativas são corretas.

Kappa: 45.27%

O coeficiente Kappa é uma medida de concordância entre as previsões do modelo e as observações reais. Quanto mais próximo de 100%, melhor.

Interpretação:

- $\bullet\,$ O modelo tem uma acurácia geral de 77.1%, o que é relativamente bom.
- A sensibilidade é alta (90.07%), indicando que o modelo é eficaz na identificação de casos positivos de "Outcome".
- A especificidade é mais baixa (52.05%), indicando que o modelo tem mais dificuldade em identificar corretamente casos negativos de "Outcome".
- O valor preditivo positivo (precisão) é razoável a 78.40%.
- O valor preditivo negativo é de 73.08%, o que é aceitável.

Conclusão:

O modelo parece ser eficaz na identificação de casos positivos de "Outcome", mas pode ser aprimorado para melhorar a especificidade. As métricas fornecem uma visão geral do desempenho do modelo, permitindo ajustes se necessário. Mas é preciso salientar que a interpretação das métricas pode depender do contexto específico do problema e das consequências associadas a falsos positivos e falsos negativos.