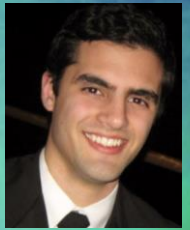


Perfil Profissional

EMANUEL OLIVEIRA

Data Scientist



Informação Pessoal

Nome Completo	:	Emanuel Lima Oliveira
Data de Nascimento	:	17 de Julho de 1991
Naturalidade	:	Porto, Portugal
Local de Residência	:	Alfena
Passatempos	:	Música, Cinema, Desporto
Carta de Condução	:	B/B1
Estado Civil	:	Solteiro
IEFP	:	Elegível p/ Estágio Profissional

Apresentação

Entusiasta pelas ciências e novas tecnologias.

A junção entre as áreas de investigação biomédica e bioinformática permitiram fortalecer as minhas competências no entendimento de Big Data e AI. Foi a partir do meu Erasmus+ em Oxford, que descobri o mundo inovador de *deep learning*.

Assim, fascinado em prosseguir uma via mais tecnológica e aliada a um pensamento *out of the box* e com facilidade em aumentar o meu conhecimento, darei resposta a diferentes desafios enquanto jovem profissional.

Formação e Certificações (TOP 3)

Universidade do Minho 2015 – Presente

Mestrado em Bioinformática – Especialização em Tecnologias de Informação

Universidade de Coimbra 2010 – 2013

Mestrado em Investigação Biomédica - Especialização em Neurobiologia

UTAD 2010-2013

Licenciatura em Genética and Biotecnologia

Línguas

IDIOMA	Compreender	Falar	Escrever
PORTUGUÊS	:	Native	
INGLÊS	:	C2	C2
IELTS - OXFORD	:	Overall Score 7.0	

• A1/A2 – Utilizador Básico • B1/B2 – Utilizador Independente • C1/C2 – Utilizador Avançado

Principais Competências

Desenvolvimento

- Python
- R
- MATLAB
- HTML
- CSS
- SQL

Bases de Dados

- SQL

Ferramentas

- Eclipse
- RStudio
- Git
- MATLAB

Big Data

- Hadoop
- Deep Learning
- Tableau

MOOCS - Coursera & Udacity

- Data Visualization in Tableau
- Intro to Hadoop and MapReduce
- Neural Networks and Deep Learning
- Improving Deep Neural Networks: Hyperparameter tuning, Regularization and Optimization
- A/B Testing

Formação Académica

Instituição	:	UM - Universidade do Minho
Curso	:	Mestrado em Bioinformática – Especialização em Tecnologias de Informação
Ano	:	2015-Presente
Média	:	-
Tese	:	<u>Universidade do Minho</u> - Desenvolvimento de uma metanetwork para comunidades sintroficas entre bactérias anaeróbicas e <i>archaea</i>
Instituição	:	UC - Universidade de Coimbra
Curso	:	Mestrado em Investigação Biomédica – Especialização em Neurobiologia
Ano	:	2013-2015
Média	:	17
Tese	:	<u>University of Oxford</u> - Plasticidade de circuito durante estados UP em Barrel Cortex de ratinho
Instituição	:	UTAD - Universidade de Trás-os-Montes e Alto Douro
Curso	:	Licenciatura em Genética and Biotecnologia
Ano	:	2010 - 2013
Média	:	14
Tese	:	<u>Faculdade de Medicina da Universidade do Porto</u> - Estudo de locais de fosforilação em LMX1B, um fator de transcrição essencial no desenvolvimento de sistema nociceptivo

Referências (Profissionais | Académicas | Pessoais)

LinkedIn	:	linkedin.com/in/elimaoliv/
GitHub	:	https://github.com/deepneuro

Histórico de Projetos (cronologia ascendente)

09/2016 Presente	Escola de Engenharia, Universidade do Minho	Bioinformatics
<p>DESCRIÇÃO DOS PROJETOS RESPONSABILIDADES</p> <p>Desenvolvimento de uma metanetwork para comunidades sintroficas entre bactérias <i>anaeróbicas</i> e <i>archaea</i>.</p> <p>TECNOLOGIAS FERRAMENTAS METODOLOGIAS</p> <p>SQL, Python, <i>merlin</i></p>		
11/2016 01/2017	Escola de Engenharia, Universidade do Minho	Data Scientist
<p>DESCRIÇÃO DOS PROJETOS RESPONSABILIDADES</p> <p>Modelo de previsão deep learning (CNN - convolutional neural nets) para classificação de tipos de folhas.</p> <p><u>Leaderboard</u>: Top 24% -> 375 de 1598</p> <p>TECNOLOGIAS FERRAMENTAS METODOLOGIAS</p> <p>Python, Scikit-learn, Keras, Matplotlib, Jupyter Notebook, Deep Learning</p>		
04/2016 06/2016	Escola de Engenharia, Universidade do Minho	Data Scientist
<p>DESCRIÇÃO DOS PROJETOS RESPONSABILIDADES</p> <p>Análise de Dataset: Coinfecção de HIV e tuberculose – células mononucleares de sangue periférico.</p> <p>TECNOLOGIAS FERRAMENTAS METODOLOGIAS</p> <p>R, Jupyter Notebook, Markdown</p>		
09/2015 01/2016	Escola de Engenharia, Universidade do Minho	Python Developer
<p>DESCRIÇÃO DOS PROJETOS RESPONSABILIDADES</p> <p>Deteção de assinaturas moleculares em <i>Treponema pallidum</i> usando ferramentas bioinformáticas.</p> <p>TECNOLOGIAS FERRAMENTAS METODOLOGIAS</p> <p>HTML, CSS, Python</p>		