



**Marcelo Colonno** Cientista de Dados Bayer Crop Science

Redução de Dimensionalidade

## AGENDA

- Bloco 1: Introdução
  - Abordagens: Data Preparation, Data Visualization, Clustering
- Bloco 2: Métodos de Redução de Dimensionalidade
  - Lineares (ex. PCA)
  - Não lineares (ex. t-SNE, UMAP)
    - + Intervalo 10 min
- Bloco 3: Aplicações Práticas Jupyter
- Dúvidas e reflexões finais
- Como foi?

# Introdução

#### Definições

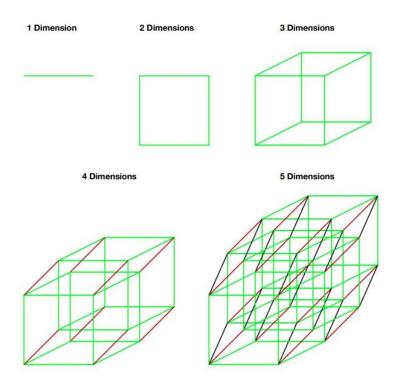
- Dimensionalidade: número de variáveis de entrada de um modelo, i.e., o número de colunas de um DataSet considerado como a quantidade de dimensões ou o número de graus de liberdade
- Redução de Dimensionalidade: técnicas que reduzem o número de dimensões de um DataSet visando atingir objetivos específicos
- Maldição da Dimensionalidade: quanto maior o número de variáveis de entrada, maior é o desafio de modelagem preditiva (*DataSets* muito extensos apresentam problemas, desde dificuldades na captura de padrões como tempo de processamento)
- Alta Dimensionalidade: pode ser centenas, milhares ou até milhões de variáveis de entrada

#### Benefícios

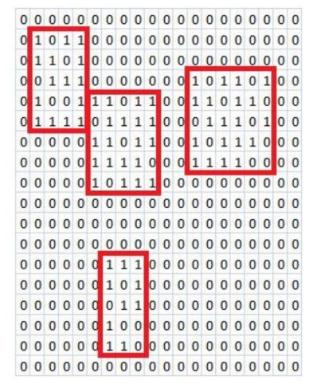
- Evitar o problema do overfitting: modelos mais complexos com muitos recursos de entrada tem a tendência de ter problemas com overfitting nos dados de treino
- Remove o ruído dos dados: eliminar os recursos redundantes melhora a performance do modelo
- Resolve o problema da multicolinearidade: combina variáveis independentes altamente correlacionadas entre si em um DataSet de variáveis não correlacionadas
- Muito útil para a visualização de dados: possibilidade de visualização dos dados em um gráfico 2D ou 3D
- Pode ser utilizado para compressão de imagens

#### Benefícios

Dificuldade de visualizar objetos com mais de 3 dimensões



One hot encoding: diminuir a complexidade dos dados



#### Benefícios

Aumento da capacidade de processamento (poder computacional)

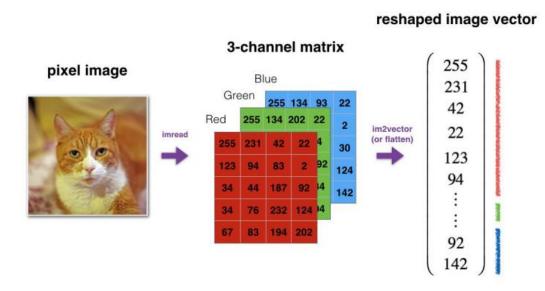


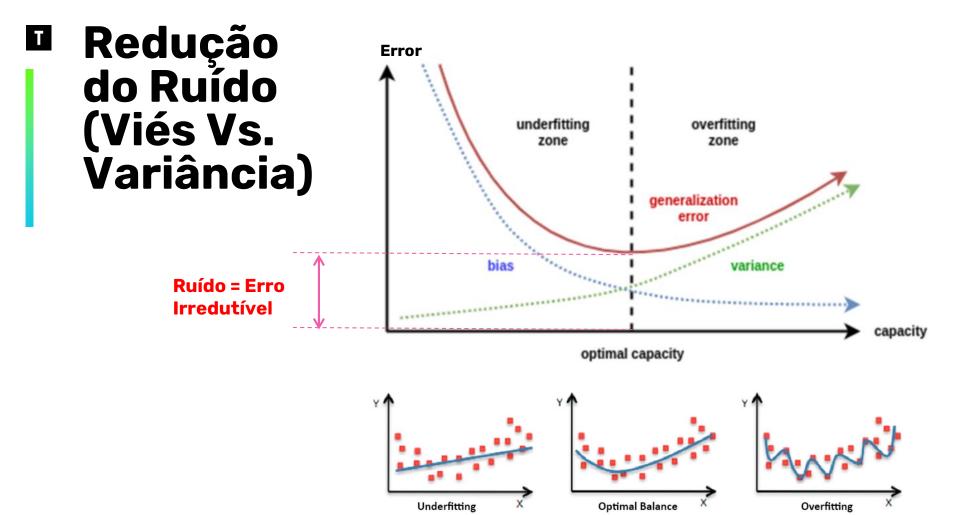
Imagem 100x100 pixels:

Red: 100x100=10.000 +

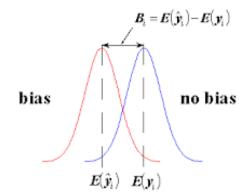
Green: 100x100=10.000 +

Blue: 100x100=10.000

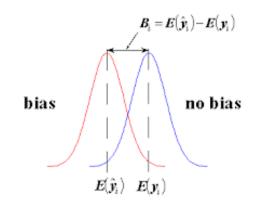
Total: 30.000 features

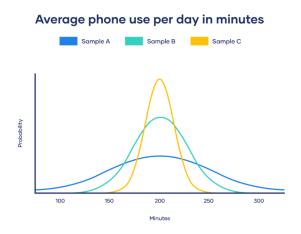


- Viés é a diferença entre a previsão média e o valor correto. Também é conhecido como erro de viés ou erro devido ao viés.
  - Modelos de Low-Bias: k-vizinhos mais próximos (k=1), árvores de decisão e SVM
  - Modelos de High-Bias: Regressão Linear e Regressão Logística.

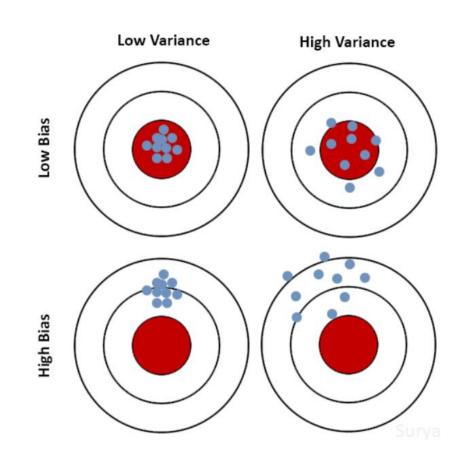


- Viés é a diferença entre a previsão média e o valor correto. Também é conhecido como erro de viés ou erro devido ao viés.
  - Modelos de Low-Bias: k-vizinhos mais próximos (k=1), árvores de decisão e SVM
  - Modelos de High-Bias: Regressão Linear e Regressão Logística.
- Variância é a quantidade que a previsão mudará se diferentes conjuntos de dados de treinamento forem usados (dados dispersos ou inconsistentes). Também é conhecido como Erro de Variância ou Erro devido à Variância.
  - Modelos de Baixa Variância: Regressão Linear e Regressão Logística.
  - Modelos de alta variância: k-vizinhos mais próximos (k=1), árvores de decisão e SVM





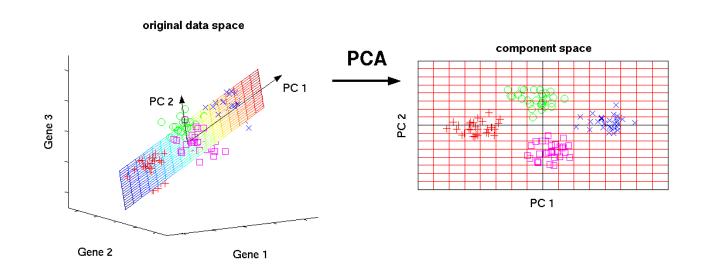
- Low Bias Low Variance: É um modelo ideal. Mas, não podemos conseguir isso.
- Low Bias High Variance (Overfitting): As previsões são inconsistentes e precisas em média. Isso pode acontecer quando o modelo usa um grande número de parâmetros.
- High Bias Low Variance (Underfitting): As previsões são consistentes, mas imprecisas em média. Isso pode acontecer quando o modelo usa poucos parâmetros.
- High Bias High Variance: As previsões são inconsistentes e imprecisas em média.



- Erro irredutível: não pode ser reduzido independentemente dos modelos. É uma medida da quantidade de ruído em nossos dados devido a variáveis desconhecidas.
- Como se relacionam viés, variância e erros irredutíveis?
- Erro = erro redutível + erro irredutível
- Erro redutível = viés² + variância
- Erro = Viés² + Variância + Erro Irredutível

### Abordagens

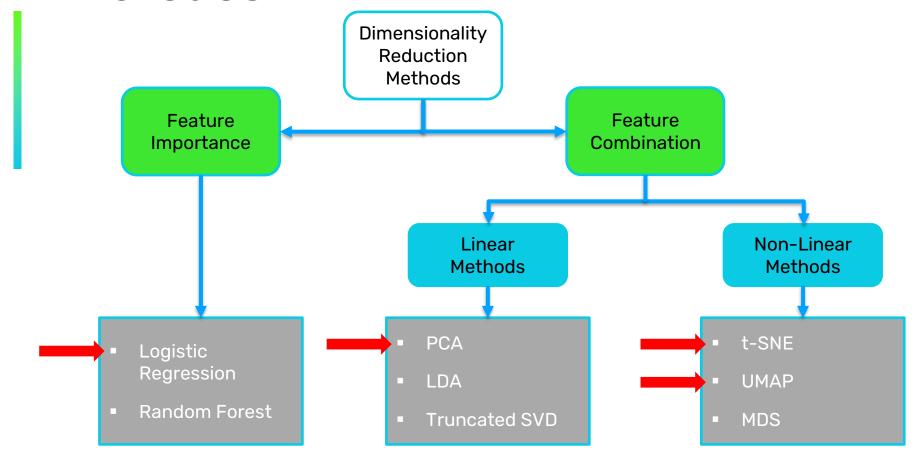
- Data Preparation: Redução dos Dados de Entrada/redução de ruído
- Data Visualization: 2D e 3D
- Cluster Analysis: agrupamento





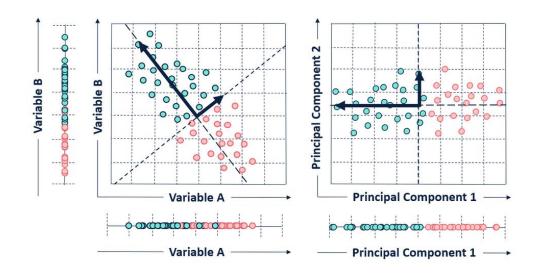
## Métodos de Redução de Dimensionalidade

#### Métodos



#### Métodos Lineares: PCA

**Principal Component Anlysis** (PCA): projeção linear de um conjunto de variáveis correlacionadas em um número menor de variáveis não correlacionadas chamadas componentes principais, mantendo o máximo possível da variância no conjunto de dados original



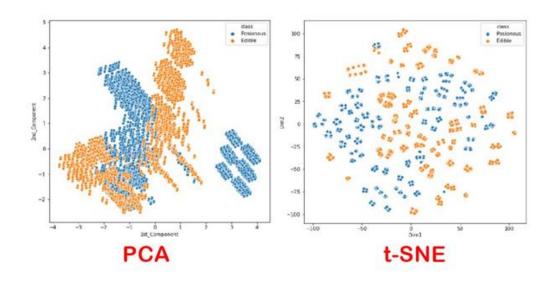


https://youtu.be/FgakZw6K1QQ

#### Métodos Não Lineares: t-SNE

t-SNE: t-distribution Stochastic Neighborhood Embedding

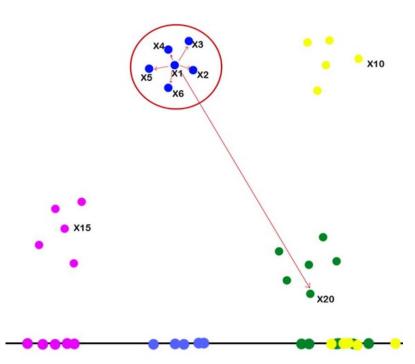
 a principal desvantagem do PCA é que ele não mantém as estruturas locais do conjunto de dados



#### Métodos Não Lineares: t-SNE

- O t-SNE cria uma distribuição de probabilidade escolhendo um ponto de dados aleatório e calculando a distância euclidiana com outros pontos de dados (|x<sub>i</sub> - x<sub>j</sub>|). Os pontos de dados próximos do ponto de dados selecionado terão mais valor de similaridade e os pontos de dados que estão longe do ponto de dados selecionado terão menos valor de similaridade.
- Em seguida, converte a distância de similaridade calculada em probabilidade conjunta de acordo com a distribuição Normal.

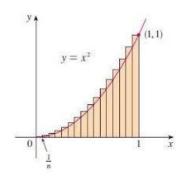
Representação visual de um dataset multidimensional



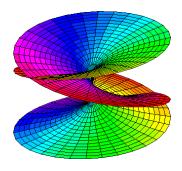
#### Métodos Não Lineares: UMAP

**UMAP:** Uniform Manifold Approximation and Projection

- A UMAP é construída a partir de um arcabouço teórico baseado na geometria de Riemann (obtenção de grandezas por integração diferencial) e na topologia algébrica.
- O resultado é um algoritmo escalável prático que se aplica a dados do mundo real.
- O algoritmo UMAP é competitivo com o t-SNE para qualidade de visualização e, sem dúvida, preserva mais da estrutura global com desempenho de tempo de execução superior.
- Além disso, UMAP não possui restrições computacionais na dimensão de incorporação, tornandoo viável como uma técnica de redução de dimensão de propósito geral para aprendizado de máquina.

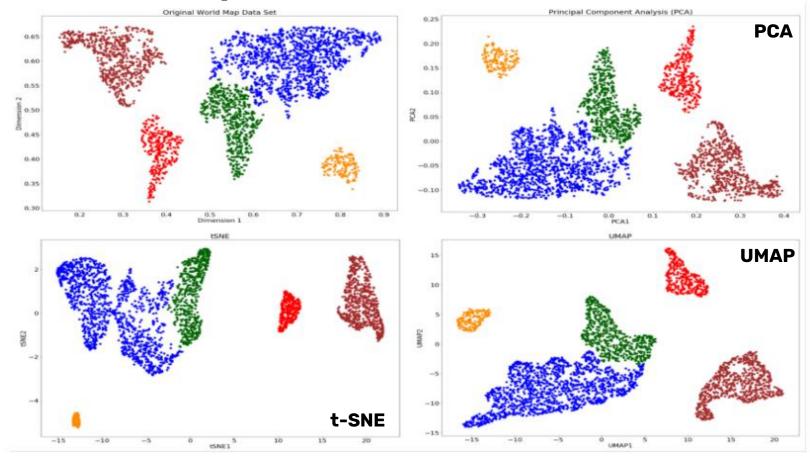


Somas de Riemann e Integração



Superfícies de Riemann

## Comparação entre Métodos



#### t-SNE Vs. UMAP

#### t-SNE

- sempre começa com uma inicialização randômica, o que causa resultados diferentes para um mesmo DataSet
- move cada ponto individualmente a cada interação de maneira reduzida

#### **UMAP**

- inicializa com Spectral Embedding, que garante sempre a mesma inicialização (índices de similaridade relativizando a posição dos pontos)
- move um ou um subconjunto de pontos por vez, que permite uma melhor escala para DataSets maiores



## ALGUMA DÚVIDA ATÉ AQUI?



## Aplicações Práticas: Jupyter

## INTERVALO 10 MIN



#### **APROVEITE PARA:**

- Fazer anotações do que viu até agora (aprendizados, insights, dúvidas)
- Levantar-se, esticar os braços e as pernas, relaxar por mais tempo
- Comer algo para voltar com energia renovada
- Ir ao toalete

# DÚVIDAS FINAIS

# COMO FOI?