

除非特殊说明，请勿删除或改动简历模板中蓝色字体的标题及相应说明文字

## 参与者 简历

张学红，大连医科大学，肿瘤干细胞研究院，实验员

教育经历（从大学本科开始，按时间倒序排序；请列出攻读研究生学位阶段导师姓名）：

2008/09-2011/06，哈尔滨医科大学，生物信息科学与技术学院，硕士，导师：张瑞杰

2003/09-2008/06，哈尔滨医科大学，生物技术系，本科

科研与学术工作经历（按时间倒序排序；如为在站博士后研究人员或曾进入博士后流动站（或工作站）从事研究，请列出合作导师姓名）：

无

曾使用其他证件信息（申请人应使用唯一身份证件申请项目，曾经使用其他身份证件作为申请人或主要参与者获得过项目资助的，应当在此列明）

无

主持或参加科研项目（课题）及人才计划项目情况（按时间倒序排序）：

无

代表性研究成果和学术奖励情况（每项均按时间倒序排序）

（请注意：①投稿阶段的论文不要列出；②对期刊论文：应按照论文发表时作者顺序列出全部作者姓名、论文题目、期刊名称、发表年代、卷（期）及起止页码（摘要论文请加以说明）；③对会议论文：应按照论文发表时作者顺序列出全部作者姓名、论文题目、会议名称（或会议论文集名称及起止页码）、会议地址、会议时间；④应在论文作者姓名后注明第一/通讯作者情况：所有共同第一作者均加注上标“#”字样，通讯作者及共同通讯作者均加注上标“\*”字样，唯一第一作者且非通讯作者无需加注；⑤所有代表性研究成果和学术奖励中本人姓名加粗显示。）

### 一、期刊论文（仅不列此项时可删除该标题）

请按如下顺序列出：

#### 1. 第一作者论文（仅不列此项时可删除该标题）

(1) **Xuehong Zhang**<sup>1,#,\*</sup>, Ruijie Zhang<sup>1,#,\*</sup>, Yongshuai Jiang<sup>1,†</sup>, Peng Sun<sup>1,†</sup>, Guoping Tang<sup>1</sup>, Xing Wang<sup>1</sup>, Hongchao Lv<sup>1</sup>, Xia Li<sup>1, 2,\*</sup>. The expanded human disease network combining protein-protein interaction information. Eur J Hum Genet.

2011 Jul;19(7):783-8.

(2) Ruijie Zhang<sup>1,#,\*</sup>, Lian Duan<sup>1,2,#</sup>, Yongshuai Jiang<sup>1,#</sup>, **Xuehong Zhang**<sup>1,#</sup>, Peng Sun<sup>1</sup>, Jin Li<sup>1</sup>, Mingming Zhang<sup>1</sup>, Guoping Tang<sup>1</sup>, Xing Wang<sup>1</sup>, Xia Li<sup>1,3,\*</sup>. Association between IL7R T244I polymorphism and multiple sclerosis: a meta-analysis. Mol Biol Rep. 2011 Nov; 38(8):5079-84.

**2. 既非第一作者又非通讯作者论文(仅不列此项时可删除该标题, 序号按实际情况编排)**

(1) Chen Huang<sup>1,\*</sup>, Ruijie Zhang<sup>1,#,\*</sup>, Zhiqiang Chen<sup>1</sup>, Yongshuai Jiang<sup>1</sup>, Zhenwei Shang<sup>1</sup>, Peng Sun<sup>1</sup>, **Xuehong Zhang**<sup>1</sup>, Xia Li<sup>1,2,\*</sup>. Predict potential drug targets from the ion channel proteins based on SVM. J Theor Biol. 2010 Feb 21; 262(4):750-6.

(2) Ruijie Zhang<sup>1,#,\*</sup>, Peng Sun<sup>1,#</sup>, Yongshuai Jiang<sup>1,#</sup>, Zhiqiang Chen<sup>1</sup>, Chen Huang<sup>1</sup>, **Xuehong Zhang**<sup>1</sup>, Ruimin Zhang<sup>1,2</sup>. Genome-wide haplotype association analysis and gene prioritization identify CCL3 as a risk locus for rheumatoid arthritis. Int J Immunogenet. 2010 Aug; 37(4):273-8.

(3) Yongshuai Jiang<sup>1,#</sup>, Ruijie Zhang<sup>1,#,\*</sup>, Peng Sun<sup>1,#</sup>, Guoping Tang<sup>1,#</sup>, **Xuehong Zhang**<sup>1</sup>, Xing Wang<sup>1</sup>, Xiaodan Guo<sup>1</sup>, Qiuyu Wang<sup>1</sup>, Xia Li<sup>1,#,\*</sup>. Identifying Highly Conserved and Highly Differentiated Gene Ontology Categories in Human Populations. PLoS ONE 6(11): e27871.

(4) Ruijie Zhang<sup>1,\*</sup>, Yongshuai Jiang<sup>1</sup>, Hongchao Lv<sup>1</sup>, **Xuehong Zhang**<sup>1</sup>, Peng Sun<sup>1</sup>, Yan Zhang<sup>1</sup>, Jin Li<sup>1</sup>, Mingming Zhang<sup>1</sup>, Zhenwei Shang<sup>1</sup>, Xia Li<sup>1</sup>. CDRH: A Database of Complex Disease-related Haplotypes in Human. Computational Molecular Biology, 2011, Vol.1, No.3.

**二、会议论文(仅不列此项时可删除该标题, 标题序号按实际情况编排)**

**请按如下顺序列出:**

**1. 既非第一作者又非通讯作者论文(仅不列此项时可删除该标题, 序号按实际情况编排)**

(1) Yongshuai Jiang, Ruijie Zhang, Guiyou Liu, Zhen Wang, Zhiqiang Chen, Peng Sun, **Xuehong Zhang**: Multifactor dimensionality reduction for detecting haplotype-haplotype interaction. 2009, tianjin ICNC '09-FSKD' 09.