Curso Básico R - parte1

Daniel Enriquez

2023-12-28

Directorio de Trabajo (wd, working directory)

- Dirección o ubicación (carpeta o folder) para importar/exportar/cargar/guardar archivos.
- ► Tip: Evitar espacios, tildes o carácteres en el nombre.
- Comandos útiles:
 - getwd(): Cuál es la dirección actual?
 - setwd(): Definir la dirección
 - dir(): Generar una lista de archivos y carpetas en el wd.
 - 1s(): Genera una lista de objetos abiertos en R.

Ejemplo N1

[1] "01RBasico.Rmd"

Los comentarios dentro del código son incluidos con #.

```
#Ejemplo en MacOS, en Windows "C:/Docum..")
setwd("/Users/denriquez/Documents/Rstats/RepoGit/R-estudian
#Comprobar el wd
getwd()
## [1] "/Users/denriquez/Documents/Rstats/RepoGit/R-estudian
#Lista de archivos en wd
dir()
```

"R-estudiantes.Rproj" "R-Gith

Objetos

Ojo: Cada Función trabaja con un tipo específico de Obj. getClassDef Tipos de Obj.:

- Vectores: números, carácteres, fórmulas.
- Matrices: varias columnas del mismo tipo y longitud.
- Arrays: como Matrices pero con más dimensiones.
- Data frames: clásica base de datos con columnas de diferentes tipos.
- Listas: lista de objetos de diferente tipo.
- **Factores:** Un vector con niveles.
- ▶ Obj. Avanzados: S3, S4 (Listas con información interconectada). Ejemplo: plots o información genética.

Operaciones básicas

Crear un vector (<- o =), concatenar (c()) y mostrar resultados. *para valores repetidos: rep

```
dev<-c(1,2,3,4,5,6,7,8,9,10)
dev
```

```
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

Características del objeto:

```
length(dev) #longitud
str(dev) #resumen o estructura
```

```
## [1] 10
## num [1:10] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

► Otros: class(), mode().

Operaciones básicas(II)

Manipular un vector.

```
dev[4] #Seleccionar el 4to elemento
dev[5:8] #Seleccionar del 5to al 8vo elemento.
dev2<-dev[-6] #Eliminar el 6to elemento
dev2 #Mostrar el resultado de la operación anterior</pre>
```

```
## [1] 4
## [1] 5 6 7 8
## [1] 1 2 3 4 5 7 8 9 10
```

Operaciones básicas(III)

Crear una matriz.

```
dev.m<-matrix(data=11:20, nrow=2, ncol=5) #2 filas y 5 col-
is.matrix(dev.m) # es dev.m una matriz?
dev.m #Mostrar la matriz
dim(dev.m) #dimensiones. (2 x 5)
dev.m[,3] #Mostrar la 3ra columna
dev.m[2,] #Mostrar la 2da fila
dev.m[2,3] #Mostrar un elemento con las coordenadas</pre>
```

```
## [1] TRUE

## [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]

## [1,] 11 13 15 17 19

## [2,] 12 14 16 18 20

## [1] 15 16

## [1] 12 14 16 18 20

## [1] 16
```

Operaciones básicas(IV)

Manipular una matriz.

```
dev.m[,2:4] #Mostrar valores de las columnas 2 a 4
dev1<-c(dev, dev.m[2,]) #concatenar el vector dev a la fila
dev1
dev1<-c(dev.m[1,]) #reemplazar vector por la fila 1
dev1
rm(dev1) #elimina dev1
dev1<-rep(x=10, each=5) #5 repeticiones del valor 10
dev1[dev1==10]<-"diez" #Operacion logica
dev1</pre>
```

```
## [,1] [,2] [,3]
## [1,] 13 15 17
## [2,] 14 16 18
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 12 14 16 18 20
## [1] 11 13 15 17 19
## [1] "diez" "diez" "diez" "diez" "diez"
```

Operaciones básicas(V)

summary(dev.m) #Estadísticas básicas

```
V1
                       V2.
                                      V3
##
##
   Min. :11.00
                        :13.00
                                Min. :15.00
                  Min.
                                               Min.
##
   1st Qu.:11.25
                  1st Qu.:13.25
                                1st Qu.:15.25
                                               1st Qu
##
   Median :11.50
                  Median :13.50
                                Median :15.50
                                               Median
##
   Mean :11.50
                  Mean :13.50
                                Mean :15.50
                                               Mean
##
   3rd Qu.:11.75
                  3rd Qu.:13.75
                                3rd Qu.:15.75
                                               3rd Qu
##
   Max. :12.00
                  Max.
                        :14.00
                                Max.
                                       :16.00
                                               Max.
##
       V5
##
   Min. :19.00
##
   1st Qu.:19.25
##
   Median :19.50
##
   Mean :19.50
   3rd Qu.:19.75
##
##
   Max. :20.00
```

Operaciones básicas(VI)

```
colnames(dev.m)<-c("A", "B", "C", "D", "E") #Renombrar coldev.m
dev.m[,c("C","E")] #Extraer dos columnas por su nombre
t(dev.m) #Transponer elementos</pre>
```

```
ABCDE
##
## [1,] 11 13 15 17 19
## [2.] 12 14 16 18 20
##
  C E
## [1,] 15 19
## [2,] 16 20
## [,1] [,2]
## A
    11 12
## B 13 14
## C 15 16
## D 17 18
## F.
   19
          20
```

Operaciones básicas(VII)

6

[6,]

6

6

```
dev.m2 < -matrix(rep(c(1:6)), nrow=6, ncol=6)
diag(dev.m2) #diagonal de la matrix
diag(dev.m2) \leftarrow rep(x=c(1,2), times=3)
dev.m2
## [1] 1 2 3 4 5 6
## [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]
## [1,]
## [2,] 2 2 2
## [3,] 3
## [4,] 4 4
## [5,] 5 5 5
                      5 1 5
```

6

6

Bases de Datos (DF, data frame)

```
#¿Qué tipo de variable tenemos?
dev.m2 < -matrix(rep(c(1:6)), nrow=6, ncol=6)
is.matrix(dev.m2)
class(dev.m2)
#Conversión a DF
dev.df<-as.data.frame(dev.m2)
class(dev.df)
dev.df[dev.df==6] <- "NA" #remplazar 6 por NA (not available
dev.df$V6 #Acceder a la variable o ex-columna 6
## [1] TRUE
## [1] "matrix" "array"
## [1] "data.frame"
## [1] "1" "2" "3" "4" "5" "NA"
rm(list=ls()) #limpiar todo el entorno
```

R incluye un DF de prueba: iris

Sepal.Length

Min.

Max.

:4.300

:7.900

Species

rm() #eliminar objetos

##

##

##

##

```
summary(iris) #estadísticas básicas
```

| ## | 1st Qu.:5.100 | 1st Qu.:2.800 | 1st Qu.:1.600 | 1st Qu |
|----|---------------|---------------|---------------|--------|
| ## | Median :5.800 | Median :3.000 | Median :4.350 | Median |
| ## | Mean :5.843 | Mean :3.057 | Mean :3.758 | Mean |
| ## | 3rd Qu.:6.400 | 3rd Qu.:3.300 | 3rd Qu.:5.100 | 3rd Qu |

Sepal.Width

:2.000

:4.400

Min.

Max.

Petal.Length

Min.

Max.

:1.000

:6.900

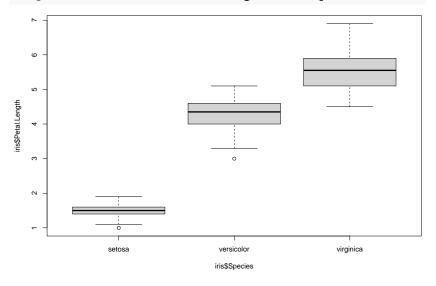
Petal

Min.

Max

Bases de Datos(III) (DF, data frame)

#un boxplot
boxplot(formula=iris\$Petal.Length~iris\$Species)



Bases de Datos(IV) (DF, data frame)

Estadísticas Básicas

```
#Extraer solo información de una especie
setosa<-iris[which(iris$Species=="setosa"),]</pre>
#Correlación entre 'length' y 'width'
cor.test(x=setosa$Sepal.Length, y=setosa$Sepal.Width)
##
    Pearson's product-moment correlation
##
##
## data: setosa$Sepal.Length and setosa$Sepal.Width
## t = 7.6807, df = 48, p-value = 6.71e-10
## alternative hypothesis: true correlation is not equal to
## 95 percent confidence interval:
## 0.5851391 0.8460314
## sample estimates:
##
         cor
## 0.7425467
```

Visualización de Datos (Plotting) #Plot correlación entre 'length' y 'width'

plot(x=setosa\$Sepal.Length, y=setosa\$Sepal.Width, main="Sép xlab="Longitud", ylab="Ancho", pch=16, cex=1, col="blue" abline(reg=lm(setosa\$Sepal.Width~setosa\$Sepal.Length), col:

Sépalos 0.4 Ancho

