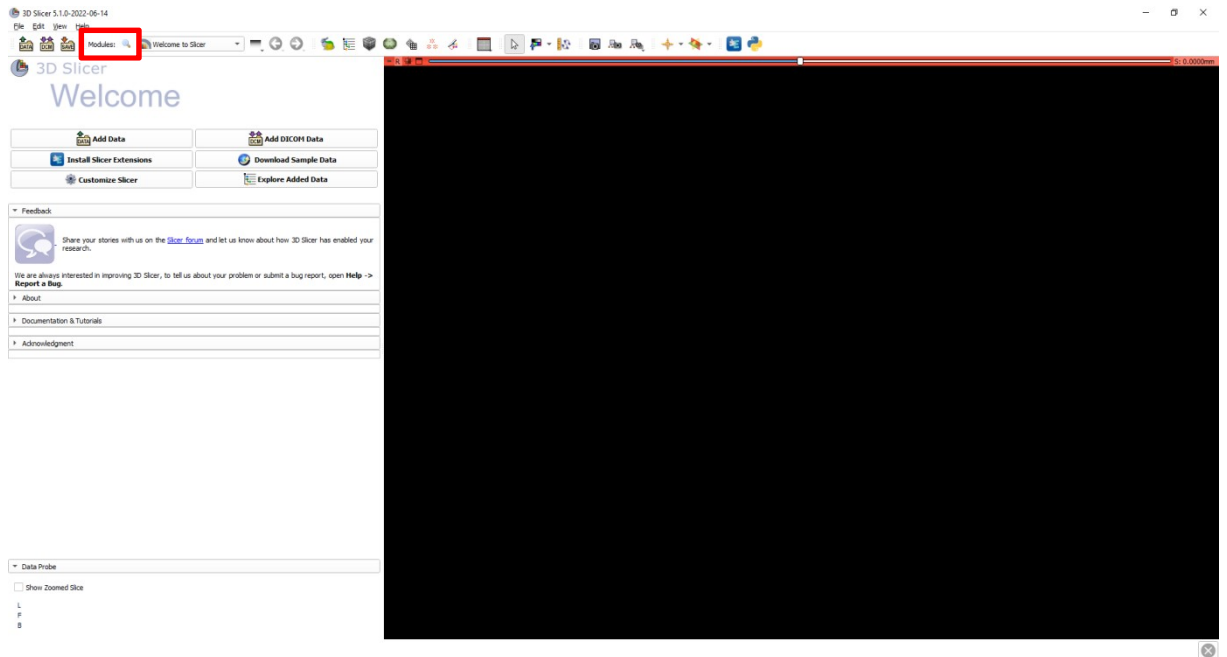


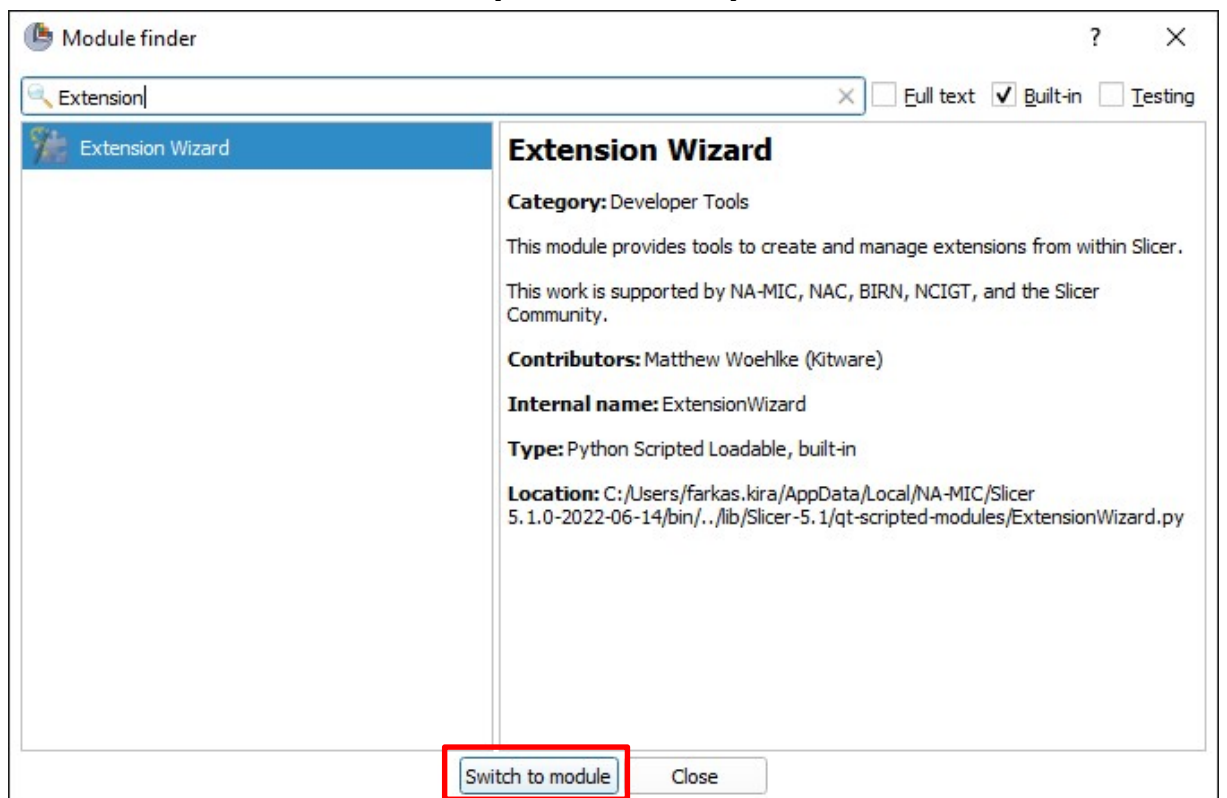
JackalCraniometry

Telepítés

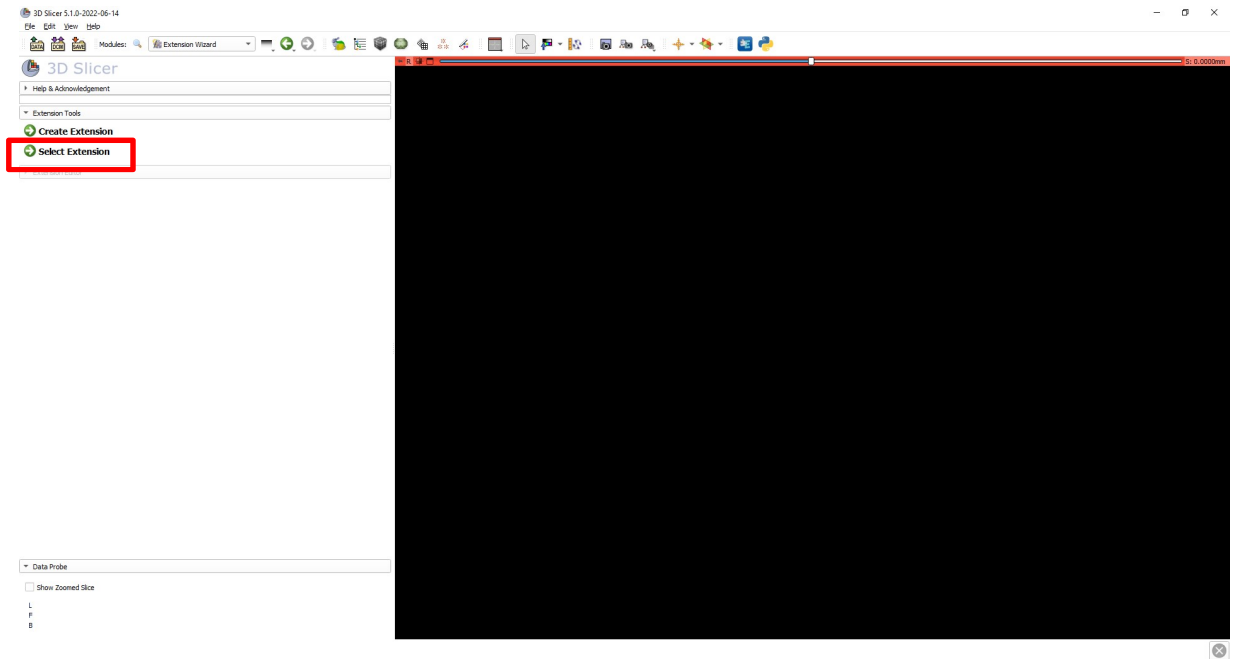
1. Kapott fájlok helyének meghatározása – pl: 'D:\Jackal' – továbbiakban [ROOT]
2. 3D Slicer indítása



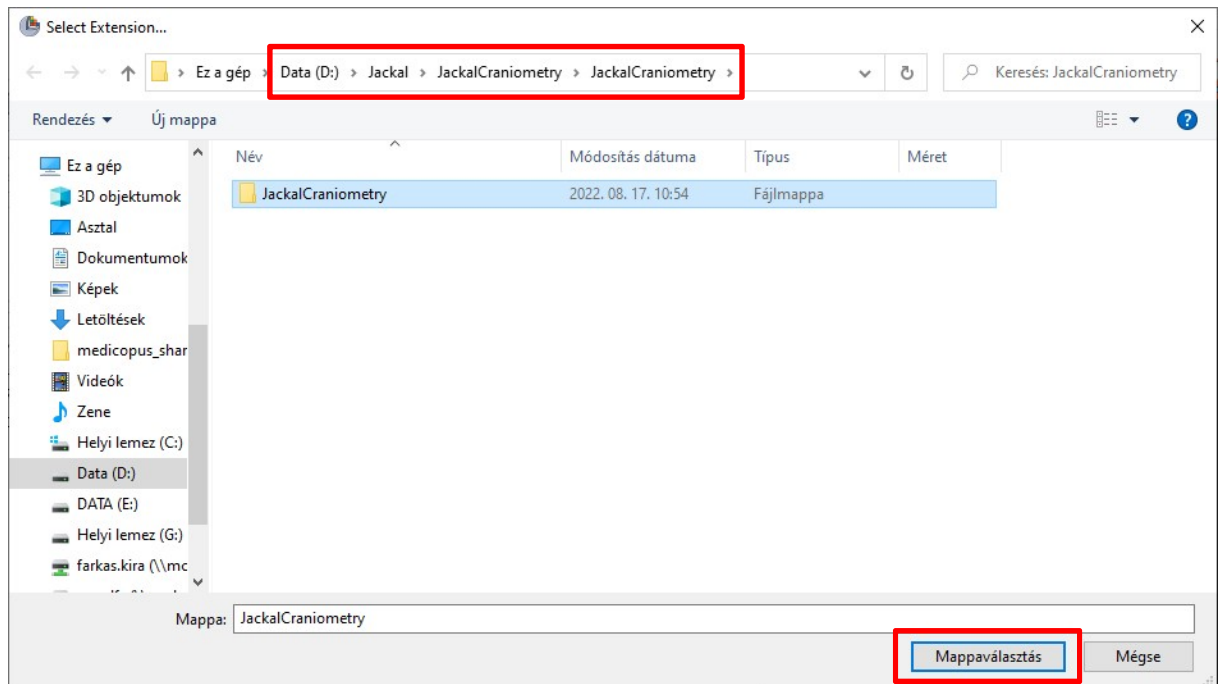
3. 'Extension Wizard' modul indítása → [Switch to module]



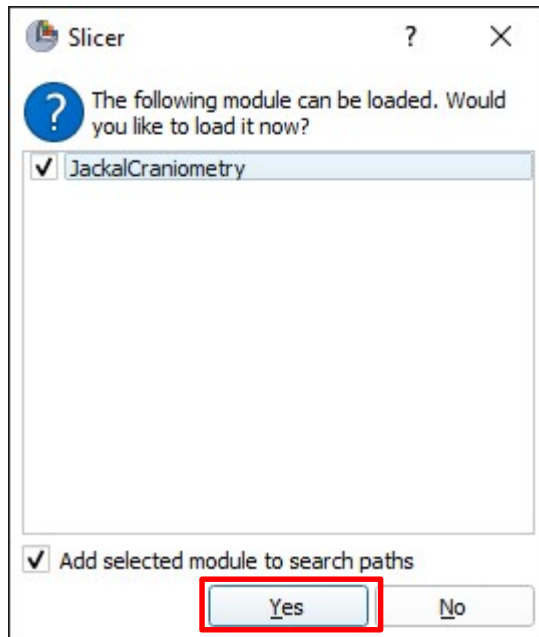
4. [Select Extension]



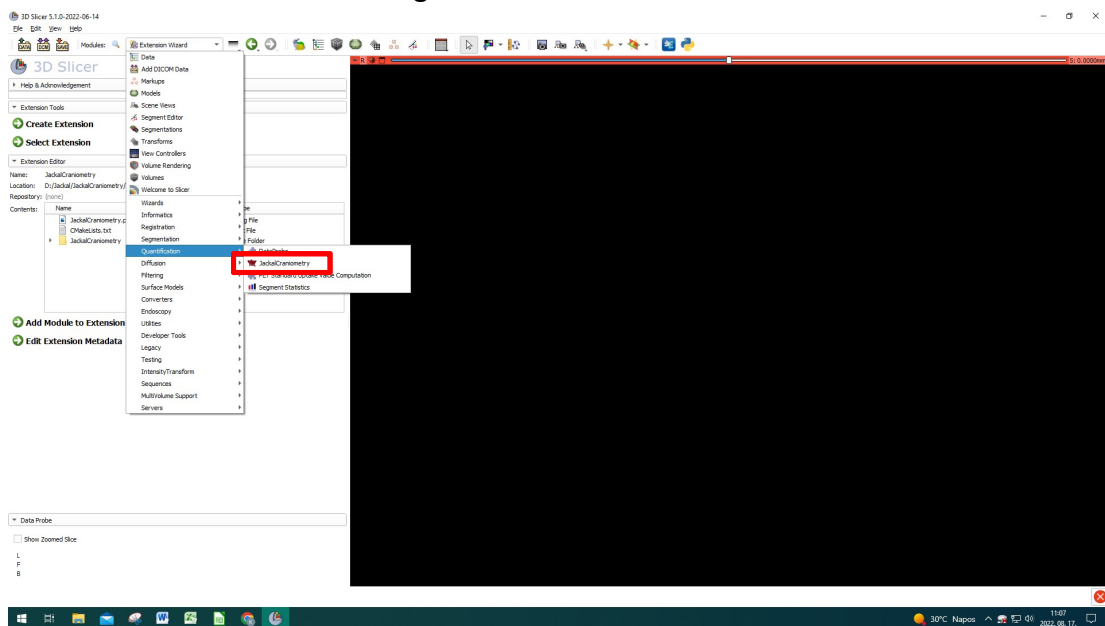
5. Kapott fájlok helyének tallózása, azon belül a 'JackalCraniometry\JackalCraniometry' mappa kiválasztása



6. [Yes]

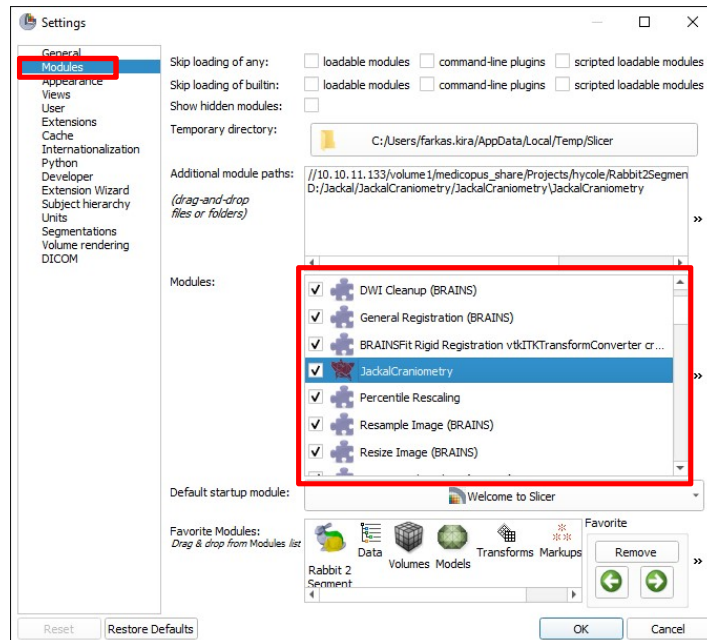


7. A modul a 'Quantification' kategória alatt érhető el

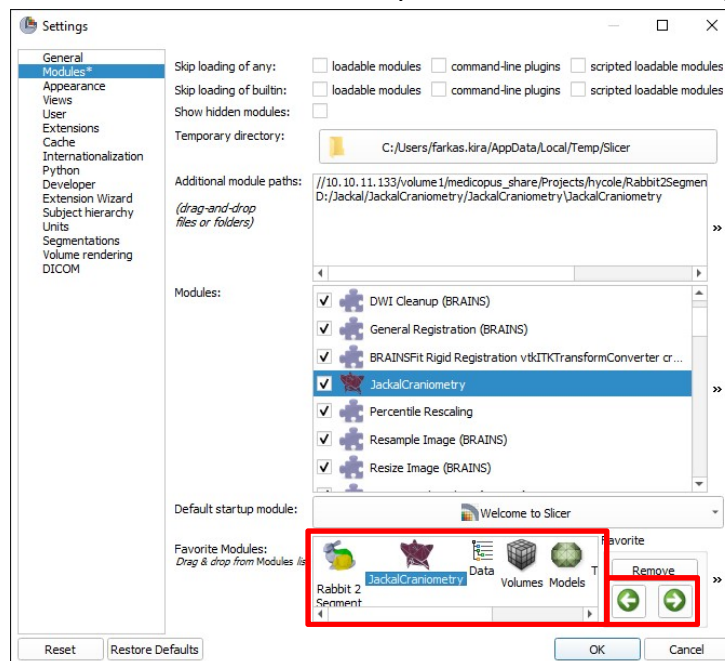


8. (Opcionális) Ikon hozzáadásához:

- Edit > Application Settings
- Modules (bal oldalt)
- Modules listából 'JackalCranioimetry' keresése



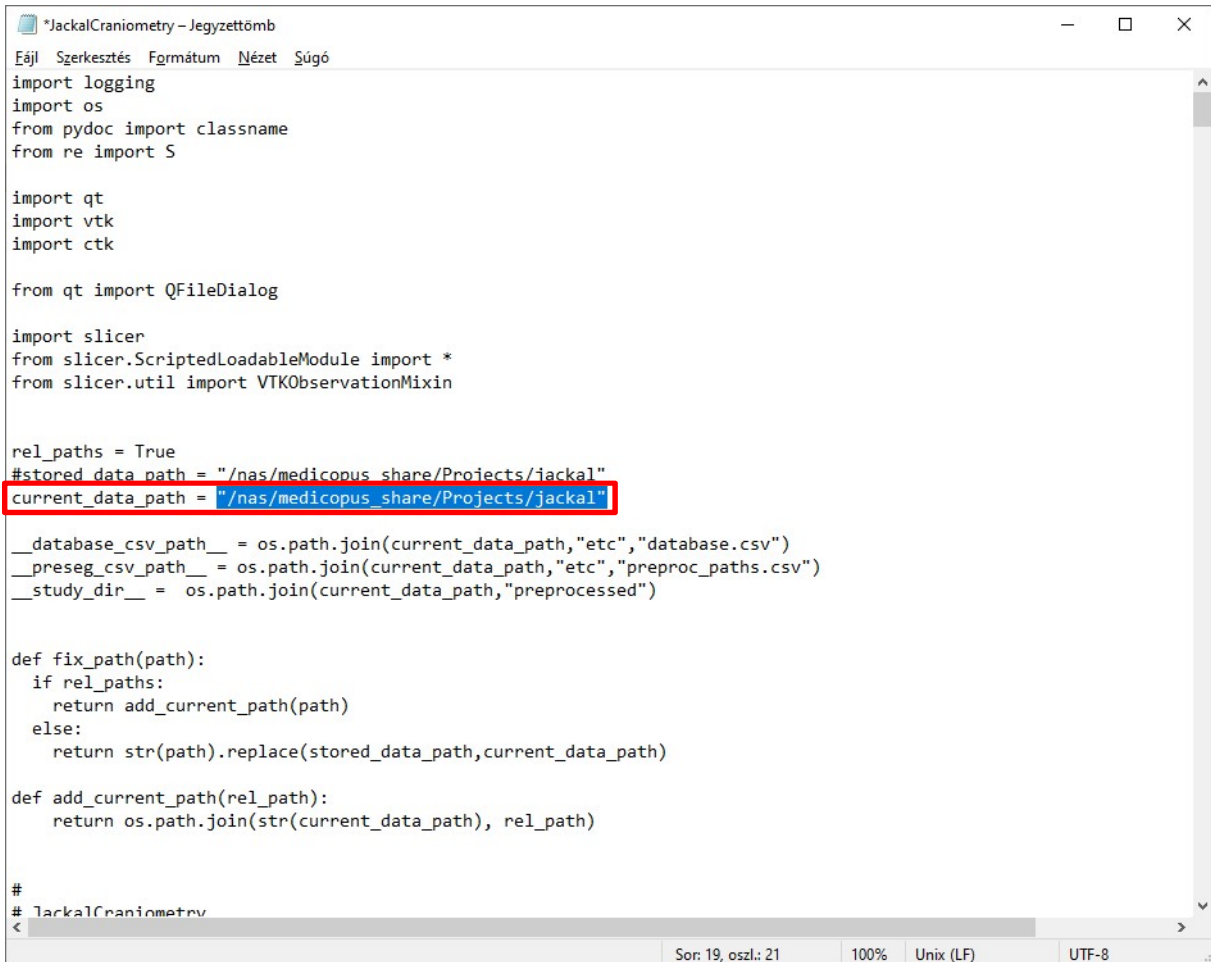
- Ikont *drag-and-drop* lehúzni a Favorite Modules listába, majd - a modul kiválasztása után - nyíllal a kívánt pozícióba mozgatni.



- 3D Slicer újraindítása

Telepítés utáni konfiguráció

1. 3D Slicer bezárása.
2. Szövegszerkesztőben a
„[\[ROOT\]\JackalCraniometry\JackalCraniometry\JackalCraniometry\JackalCraniometry.py](#)” fájl szerkesztése
3. 19. sorban a `[ROOT]` útvonal beillesztése



```
*JackalCraniometry - Jegyzettömb
Fájl Szerkesztés Formátum Nézet Súgó

import logging
import os
from pydoc import classname
from re import S

import qt
import vtk
import ctk

from qt import QFileDialog

import slicer
from slicer.ScriptedLoadableModule import *
from slicer.util import VTKObservationMixin

rel_paths = True
#stored_data_path = "/nas/medicopus_share/Projects/jackal"
current_data_path = "/nas/medicopus_share/Projects/jackal"

__database_csv_path__ = os.path.join(current_data_path,"etc","database.csv")
__preseg_csv_path__ = os.path.join(current_data_path,"etc","preproc_paths.csv")
__study_dir__ = os.path.join(current_data_path,"preprocessed")

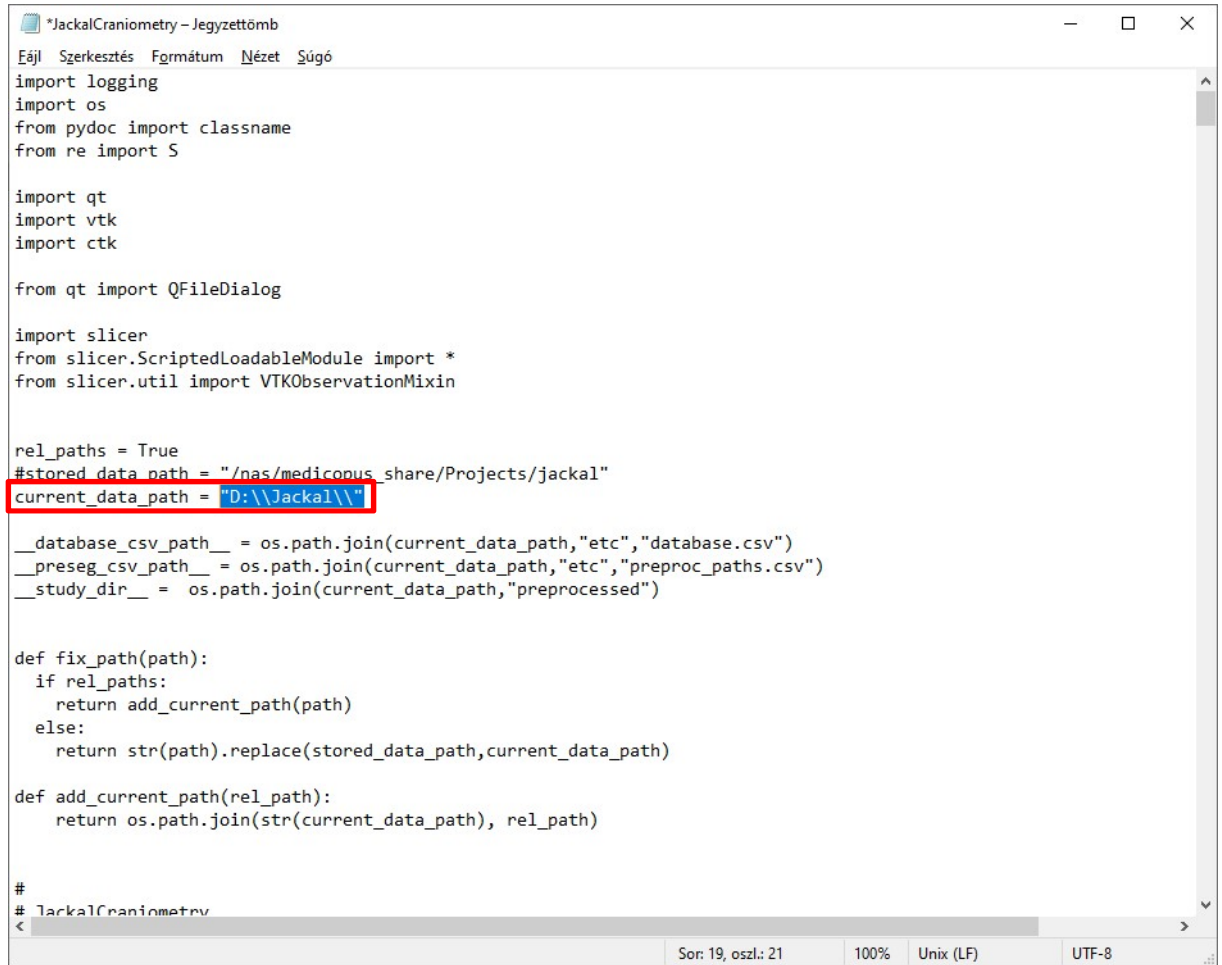
def fix_path(path):
    if rel_paths:
        return add_current_path(path)
    else:
        return str(path).replace(stored_data_path,current_data_path)

def add_current_path(rel_path):
    return os.path.join(str(current_data_path), rel_path)

#
# JackalCraniometry
<
```

Sor: 19, oszl.: 21 100% Unix (LF) UTF-8

4. **FIGYELEM** Az útvonalat idézőjelek között kell beilleszteni, a „\” karaktert pedig dupla „\” jellel (azaz „\\”) kell helyettesíteni



```
*JackalCraniometry - Jegyzettömb
Fájl Szerkesztés Formátum Nézet Súgó

import logging
import os
from pydoc import classname
from re import S

import qt
import vtk
import ctk

from qt import QFileDialog

import slicer
from slicer.ScriptedLoadableModule import *
from slicer.util import VTKObservationMixin

rel_paths = True
#stored_data_path = "/nas/mediconus_share/Projects/jackal"
current_data_path = "D:\\Jackal\\"

__database_csv_path__ = os.path.join(current_data_path,"etc","database.csv")
__preseg_csv_path__ = os.path.join(current_data_path,"etc","preproc_paths.csv")
__study_dir__ = os.path.join(current_data_path,"preprocessed")

def fix_path(path):
    if rel_paths:
        return add_current_path(path)
    else:
        return str(path).replace(stored_data_path,current_data_path)

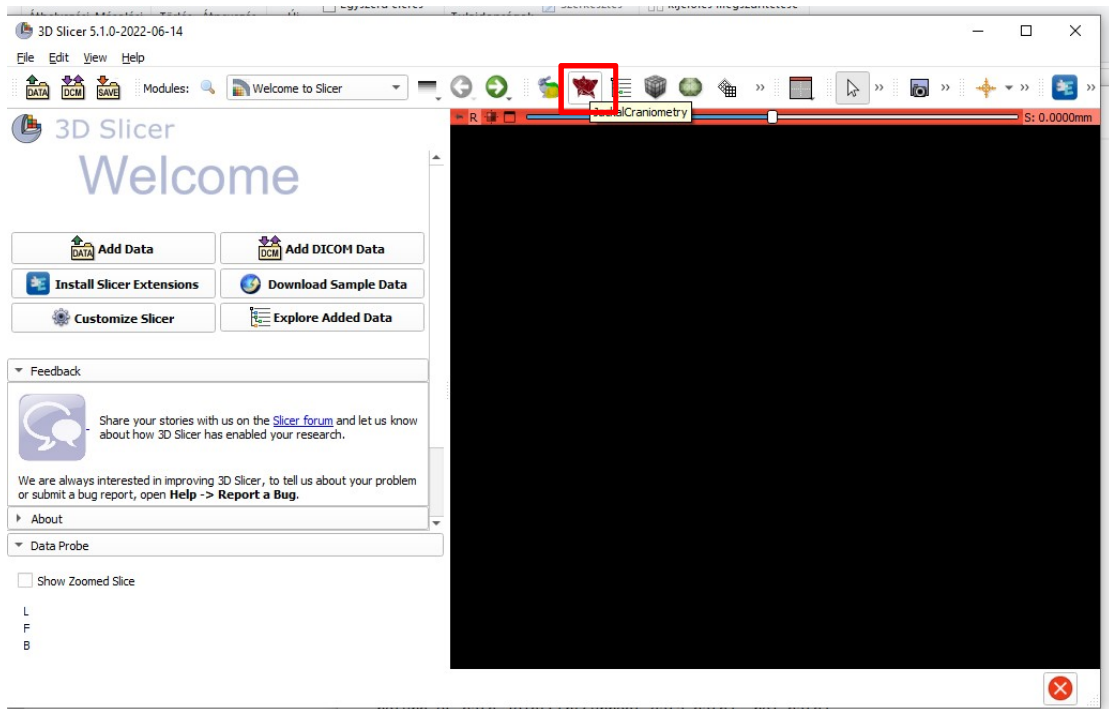
def add_current_path(rel_path):
    return os.path.join(str(current_data_path), rel_path)

#
# JackalCraniometry
<
```

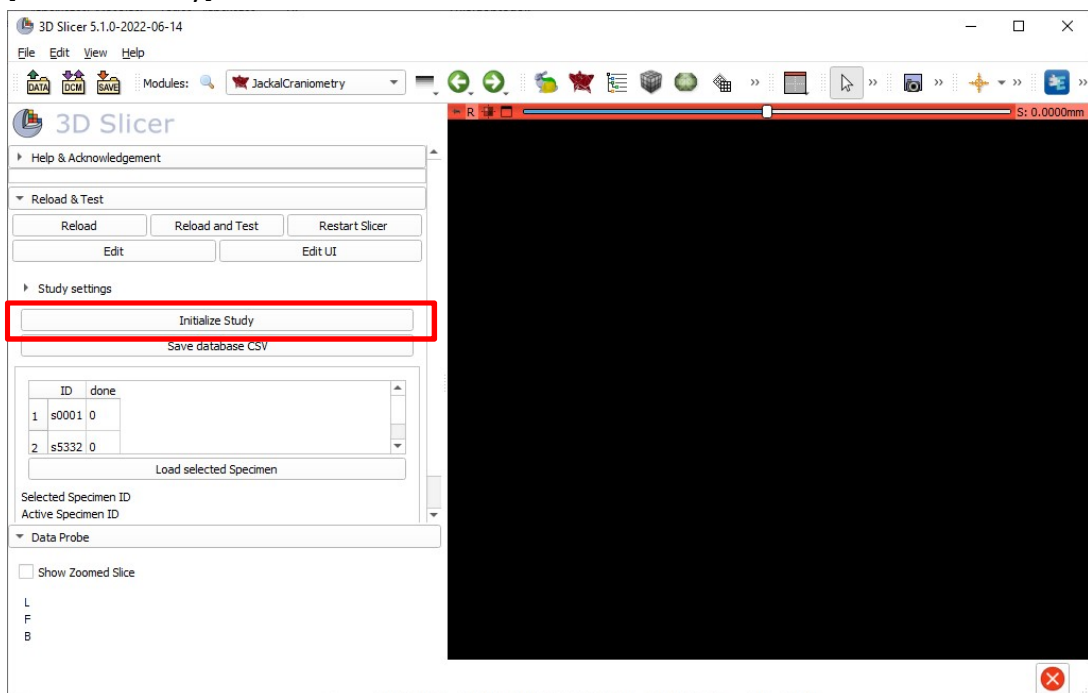
Sor: 19, oszl.: 21 100% Unix (LF) UTF-8

Modul használata

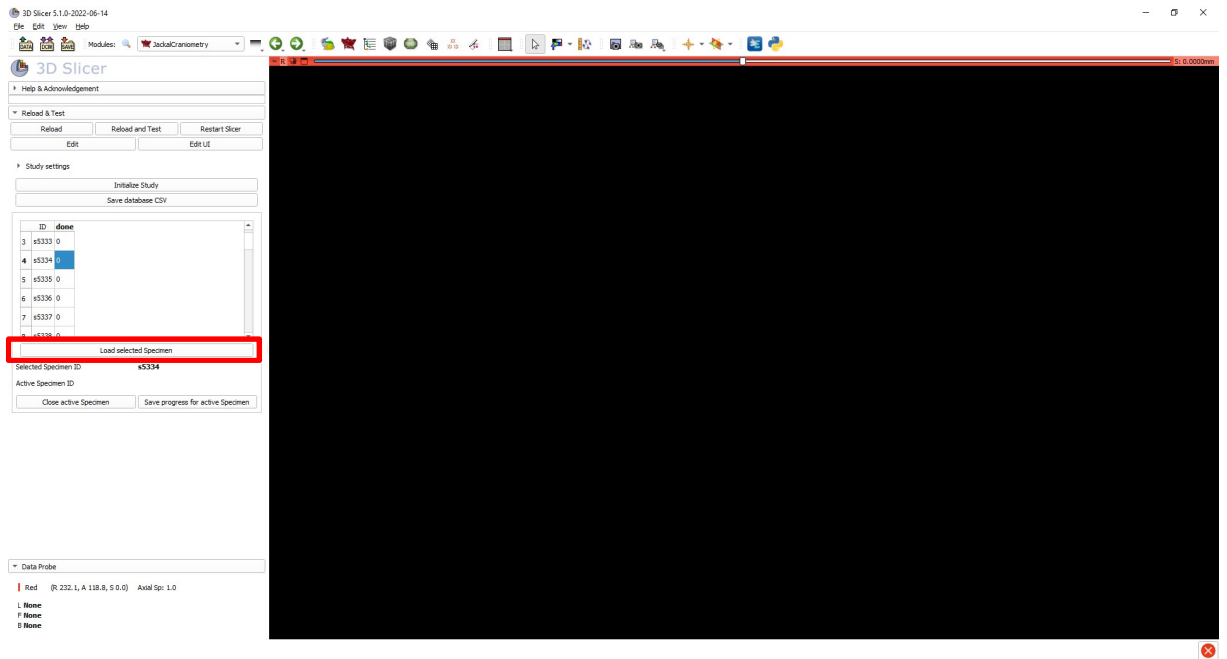
1. 3D Slicer indítása
2. JackalCraniometry modul indítása ikonról (vagy lásd. telepítés 7. pont)



3. [Initialize study]

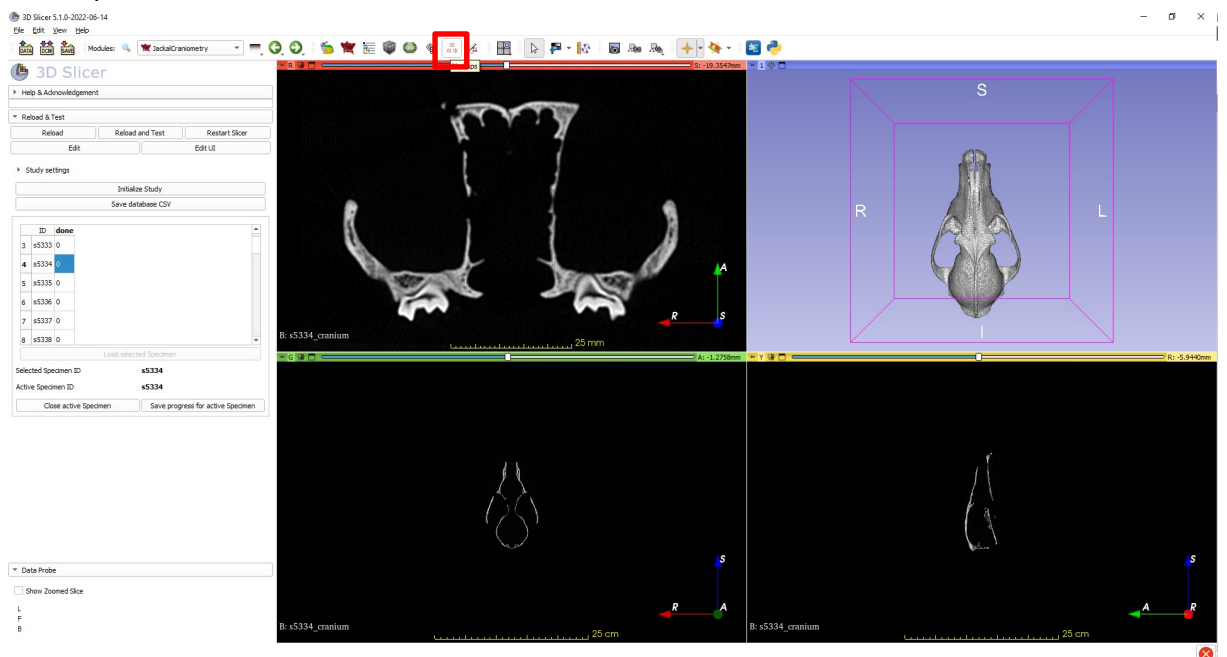


4. Kívánt egyed kiválasztása a listából > [Load selected Specimen]

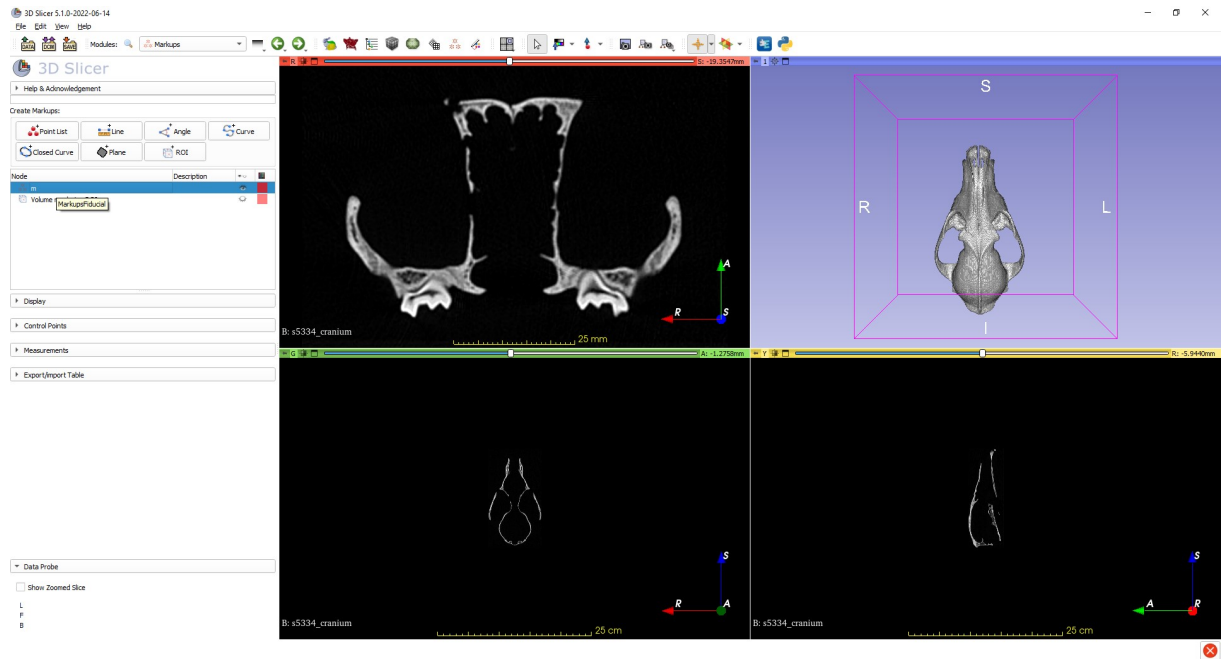


5. A kiválasztott egyed betöltődik. A kapott képet **NEM SZABAD** reformat-olni, resampling-elni, stb.

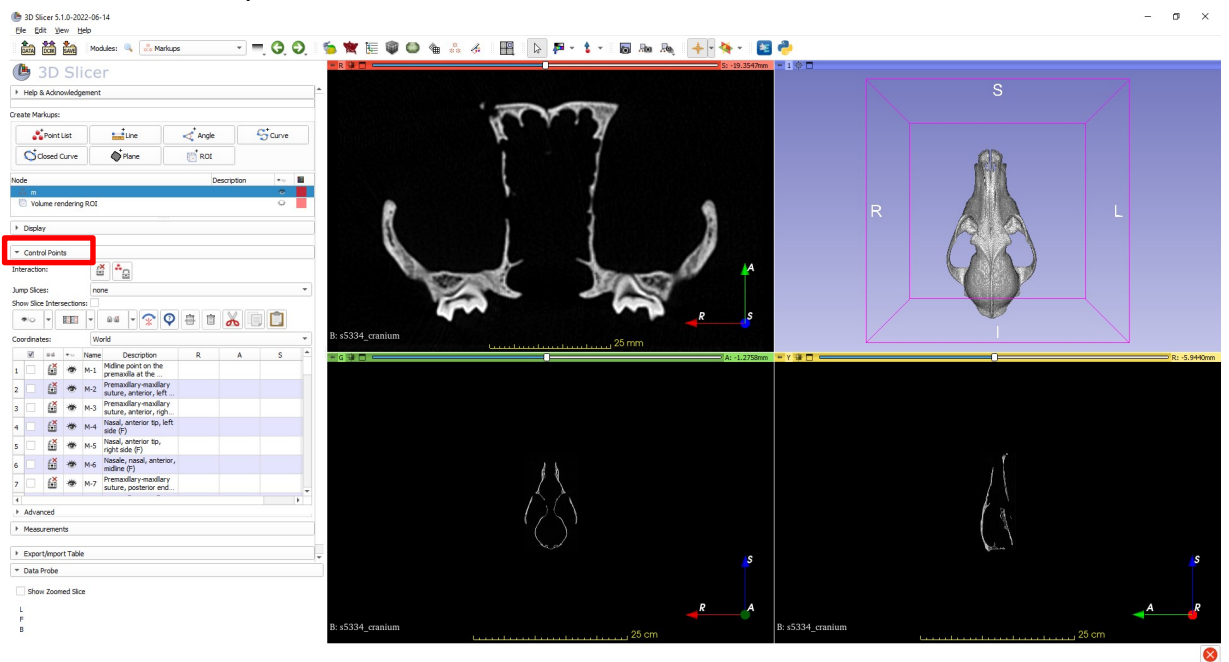
6. Markups modul elindítása



7. „m” fiducial kiválasztása

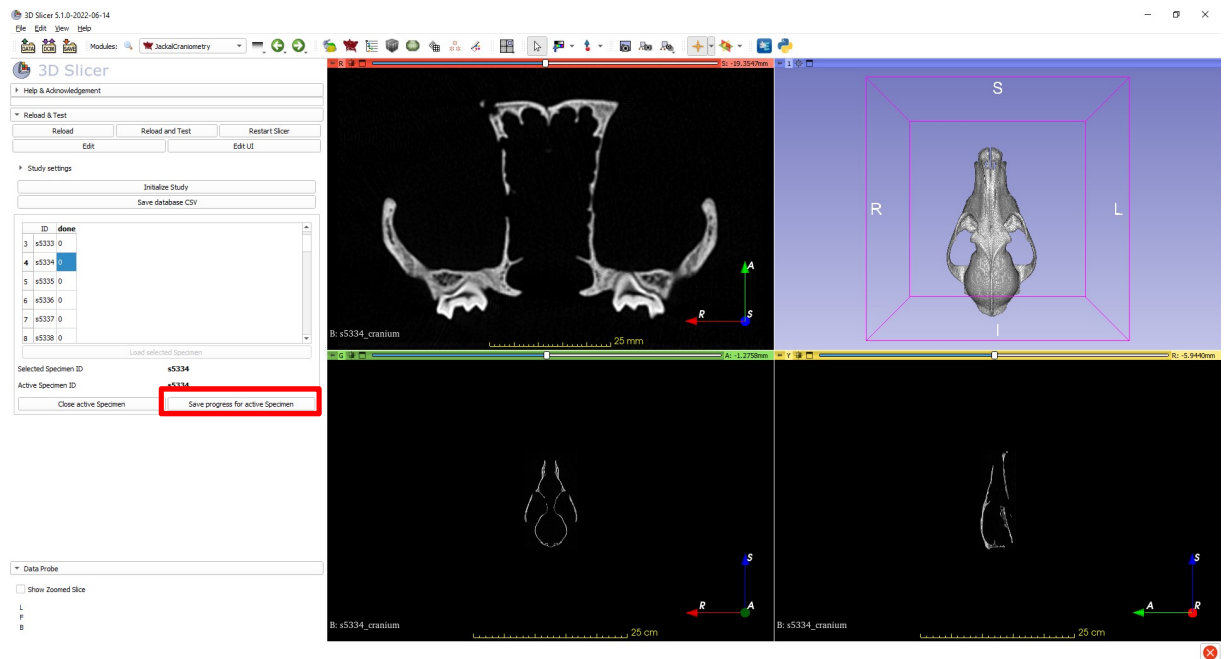


8. Control Points lenyitása

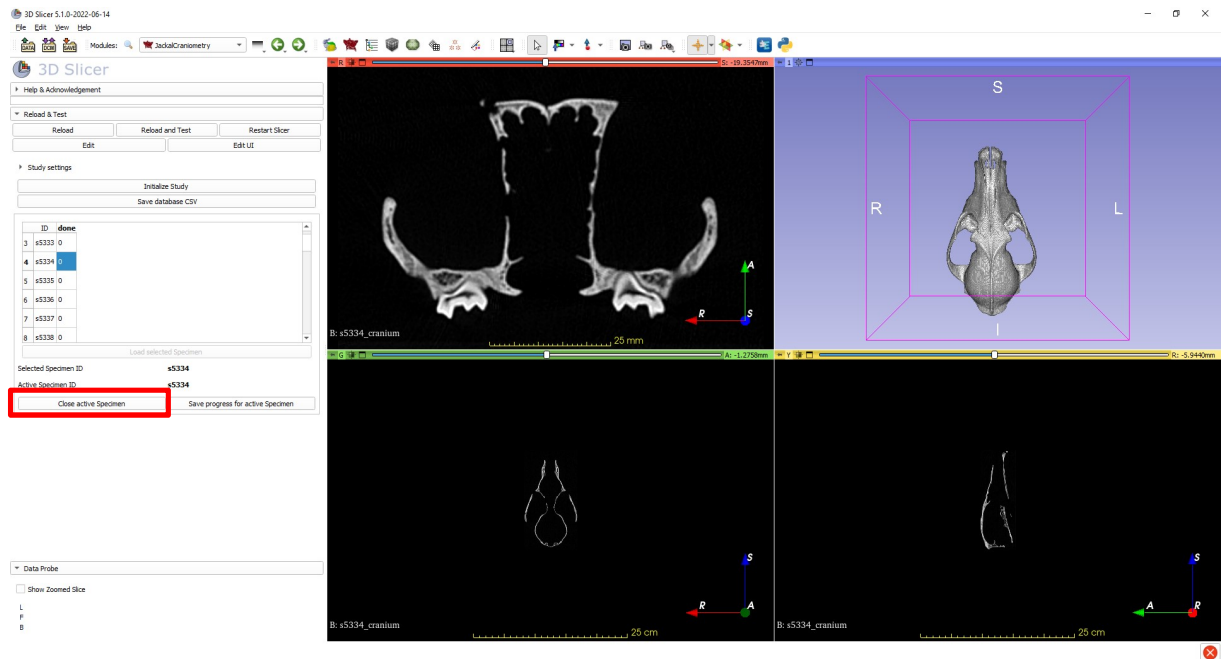


9. Előre definiált markerek felpakolása. Eközben célszerű néha menteni . lásd következő pont. A kapott képet **NEM SZABAD** reformat-olni, resampling-elni, stb.

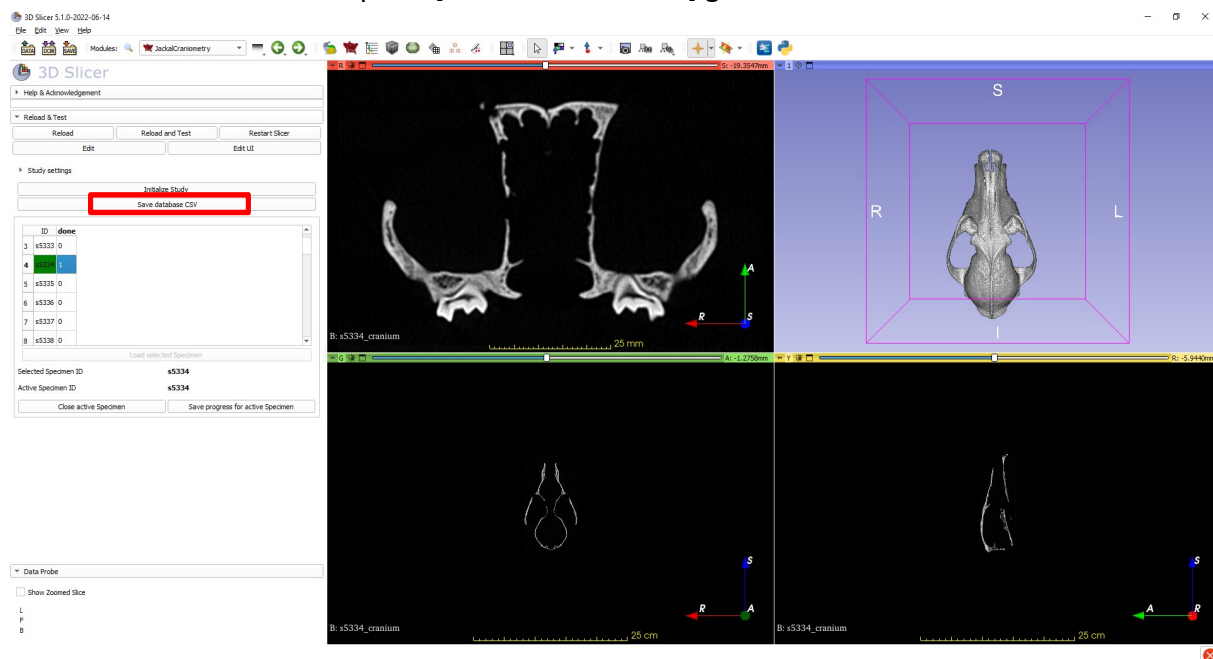
10. Mentéshez a JackalCranioemetry modul [Save progress for active Specimen] gombja használható



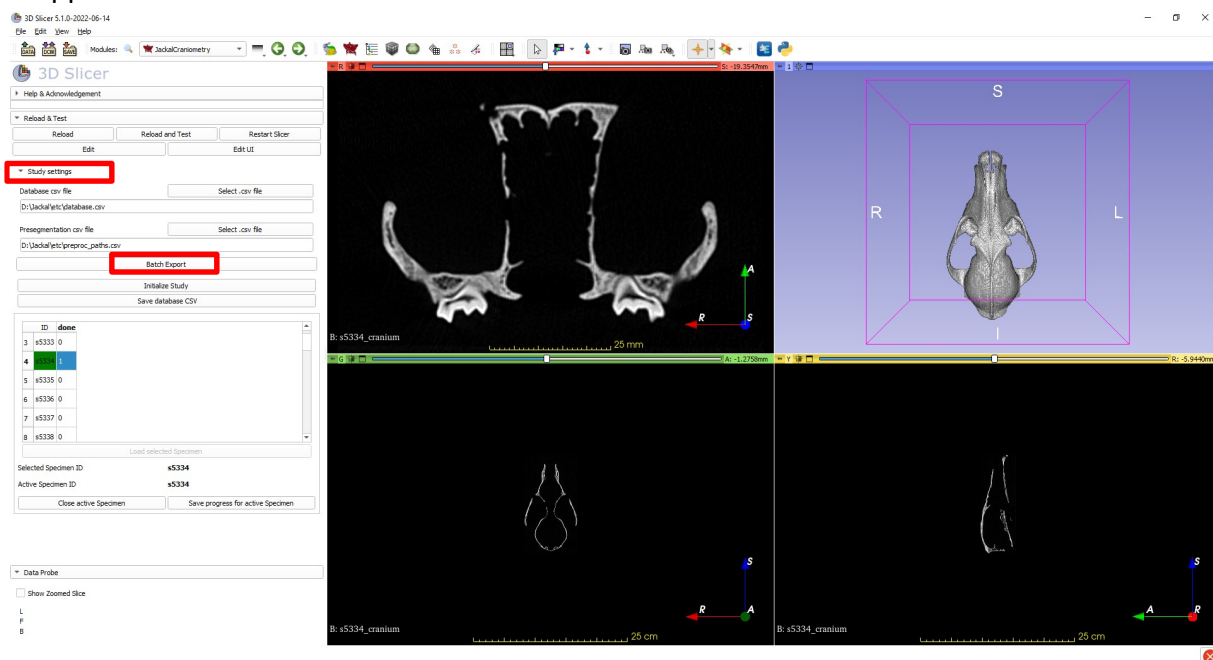
11. A betöltött egyed bezárásához a [Close active Specimen] gomb használható



12. Feladat állapotának követéséhez, amennyiben egy egyed kész (azaz minden markerhez a megfelelő pozíció lett rendelve) a hozzá tartozó sor „done” oszlopába '1' értéket írhatunk. Az állapotot a [Save database CSV] gombbal menthetők.



13. Eredmények megosztásához a „Study settings” lenyitása majd a [Batch Export] gomb megnyomása. (Előtte az esetlegesen nyitott egyed mentése, majd bezárása szükséges). Az eredmények a „[ROOT]\results” mappába kerülnek. Ennek a mappának a tartalmát kell továbbítani.



14. A modul használatát követően néha tapasztalható pár hibaüzenet Windows rendszereken, ezekkel nem kell foglalkozni, csak bezárni...