Tarea del módulo: Modelos Sparse y Regresión Penalizada

Master in Data Science & Bussines Analytics with R

Daniel Silva Gomes de Araújo.

30/03/2023

Conjunto de datos de trabajo

Los datos a utilizar corresponden al dataset **Boston** del paquete *ISLR2*. El dataset contiene datos sobre la tasa de criminalidad per cápita de 506 barrios de Boston, junto con 12 variables explicativas:

- crim: Tasa de criminalidad per cápita en cada barrio.
- zn: proporción de suelo residencial dividio en lotes de más de 25,000 pies cuadrados.
- indus: proporción de acres comerciales no minoristas por barrio.
- chas: Variable categórica, (= 1 si el barrio limita con el río Charles; 0 en caso contrario).
- nox: concentración de óxido de nitrógeno (partes por 10 millones).
- rm: número medio de habitaciones por vivienda.
- age: proporción de viviendas ocupadas por sus propietarios construidas antes de 1940.
- dis: media ponderada de las distancias a cinco centros de empleo de Boston
- rad: índice de accesibilidad a carreteras radiales
- tax: tasa de impuesto a la propiedad de valor total por 10,000\$
- ptratio: ratio alumno/profesor
- medv: Valor mediano de viviendas ocupadas por sus propietarios (en miles de dólares)

El objetivo es predecir ta tasa de criminalidad (variable respuesta) a partir de las otras variables predictoras (usa solo las variables predictoras continuas). Para ello, lo primero que hay que hacer es dividir los datos en una muestra de entrenamiento y otra de testeo, para ello utiliza este código para seleccionar las filas del conjunto de datos que formarán parte de la muestra de entrenamiento y testeo.

```
library(ISLR2)
```

```
## Warning: package 'ISLR2' was built under R version 4.2.3
```

library(tidymodels)

```
## Warning: package 'tidymodels' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'dials' was built under R version 4.2.2
```

Warning: package 'dplyr' was built under R version 4.2.2

Warning: package 'ggplot2' was built under R version 4.2.2

```
## Warning: package 'infer' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'modeldata' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'parsnip' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'recipes' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'rsample' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'tune' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'workflows' was built under R version 4.2.2
\mbox{\tt \#\#} Warning: package 'workflowsets' was built under R version 4.2.2
## Warning: package 'yardstick' was built under R version 4.2.2
data(Boston, package = "ISLR2")
str(Boston)
## 'data.frame':
                   506 obs. of 13 variables:
## $ crim : num 0.00632 0.02731 0.02729 0.03237 0.06905 ...
            : num 18 0 0 0 0 0 12.5 12.5 12.5 12.5 ...
## $ zn
## $ indus : num 2.31 7.07 7.07 2.18 2.18 2.18 7.87 7.87 7.87 7.87 ...
## $ chas : int 0000000000...
## $ nox
            : num 0.538 0.469 0.469 0.458 0.458 0.458 0.524 0.524 0.524 0.524 ...
## $ rm
            : num 6.58 6.42 7.18 7 7.15 ...
## $ age
          : num 65.2 78.9 61.1 45.8 54.2 58.7 66.6 96.1 100 85.9 ...
## $ dis
            : num 4.09 4.97 4.97 6.06 6.06 ...
            : int 1223335555...
## $ rad
            : num 296 242 242 222 222 222 311 311 311 311 ...
## $ tax
## $ ptratio: num 15.3 17.8 17.8 18.7 18.7 15.2 15.2 15.2 15.2 15.2 ...
## $ lstat : num 4.98 9.14 4.03 2.94 5.33 ...
           : num 24 21.6 34.7 33.4 36.2 28.7 22.9 27.1 16.5 18.9 ...
## $ medv
# formula = crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv
# División estratificada de datos entre 70% training y 30% test
set.seed(123456)
split <- initial_split(Boston, prop = 0.7, strata = crim)</pre>
Boston_train <- training(split)</pre>
Boston_test <- testing(split)</pre>
```

Ajusta un modelo de mínimos cuadrados con todas las variables a la muestra de entrenamiento e indica cual es el error de predicción en la muestra de testeo

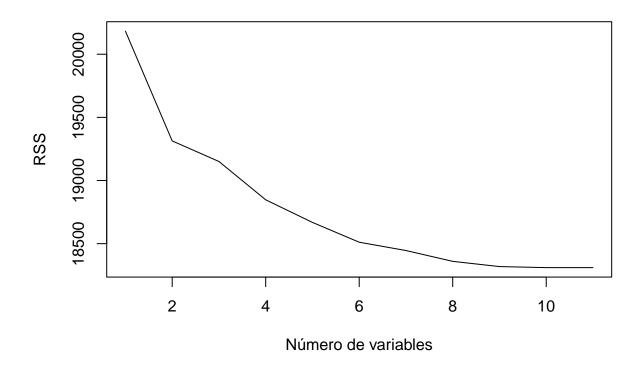
```
library(ISLR2)
library(tidymodels)
data(Boston, package = "ISLR2")
str(Boston)
## 'data.frame':
                   506 obs. of 13 variables:
## $ crim : num 0.00632 0.02731 0.02729 0.03237 0.06905 ...
            : num 18 0 0 0 0 0 12.5 12.5 12.5 12.5 ...
## $ indus : num 2.31 7.07 7.07 2.18 2.18 2.18 7.87 7.87 7.87 7.87 ...
## $ chas : int 0000000000...
## $ nox
            : num 0.538 0.469 0.469 0.458 0.458 0.458 0.524 0.524 0.524 0.524 ...
## $ rm
           : num 6.58 6.42 7.18 7 7.15 ...
          : num 65.2 78.9 61.1 45.8 54.2 58.7 66.6 96.1 100 85.9 ...
## $ age
## $ dis
          : num 4.09 4.97 4.97 6.06 6.06 ...
## $ rad
            : int 1 2 2 3 3 3 5 5 5 5 ...
## $ tax
            : num 296 242 242 222 222 222 311 311 311 311 ...
## $ ptratio: num 15.3 17.8 17.8 18.7 18.7 15.2 15.2 15.2 15.2 15.2 ...
## $ lstat : num 4.98 9.14 4.03 2.94 5.33 ...
           : num 24 21.6 34.7 33.4 36.2 28.7 22.9 27.1 16.5 18.9 ...
# División estratificada de datos entre 70% training y 30% test
set.seed(123456)
split <- initial_split(Boston, prop = 0.7, strata = crim)</pre>
Boston_train <- training(split)</pre>
Boston_test <- testing(split)</pre>
# Residual Sum of Squares - muestra de entrenamiento
model_train <- lm(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv, data =
deviance(model_train)
## [1] 18310.27
\# Residual Sum of Squares - muestra de testeo
model_test <- lm(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv, data = 1
deviance(model_test)
## [1] 2053.741
```

Utiliza el método del mejor subconjunto para elegir el mejor modelo desde el punto de vista del R^2 ajustado en la muestra de entrenamiento e indica cual es el error de predicción (con el modelo elegido) en la muestra de testeo.

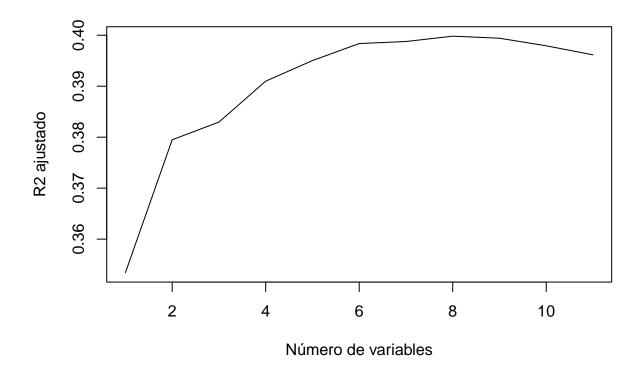
```
library(leaps)
```

```
## Warning: package 'leaps' was built under R version 4.2.2
```

```
regfit.full <- regsubsets(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + 1stat + medv
summary(regfit.full)
## Subset selection object
## Call: regsubsets.formula(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis +
      rad + tax + ptratio + lstat + medv, Boston)
## 11 Variables (and intercept)
##
          Forced in Forced out
             FALSE
                       FALSE
## zn
             FALSE
                       FALSE
## indus
             FALSE
                       FALSE
## nox
             FALSE
                       FALSE
## rm
## age
             FALSE
                       FALSE
             FALSE
                       FALSE
## dis
## rad
             FALSE
                       FALSE
## tax
             FALSE
                      FALSE
             FALSE
                      FALSE
## ptratio
## lstat
             FALSE
                       FALSE
## medv
             FALSE
                       FALSE
## 1 subsets of each size up to 8
## Selection Algorithm: exhaustive
##
           zn indus nox rm age dis rad tax ptratio lstat medv
## 1 ( 1 ) " " " "
                    ## 2 (1)""""
                    11 11
## 3 (1)""
                    "*"
                                                      "*"
    (1)"*"""
                    "*"
## 5 (1) "*" "*"
                                                      "*"
                    "*" " " " " "*" "*" " " "*"
                                                      "*"
## 7 (1) "*" "
                    "*"
                                                      "*"
## 8 (1) "*" "*"
                    "*" " " " " "*" "*" " "*"
                                                 11 * 11
                                                      "*"
regfit.full <- regsubsets(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + 1stat + medv
   nvmax = 11)
reg.summary <- summary(regfit.full)</pre>
names(reg.summary)
## [1] "which" "rsq"
                       "rss"
                               "adjr2" "cp"
                                               "bic"
                                                       "outmat" "obj"
reg.summary$adjr2
  [1] 0.3534298 0.3794905 0.3829634 0.3909843 0.3950269 0.3983701 0.3987699
  [8] 0.3998168 0.3994152 0.3979281 0.3961576
plot(reg.summary$rss, xlab = "Número de variables",
  ylab = "RSS", type = "1")
```



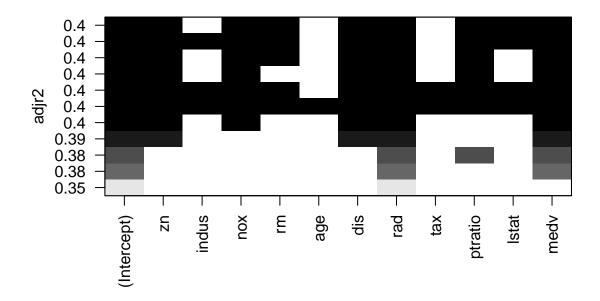
```
plot(reg.summary$adjr2, xlab = "Número de variables",
    ylab = "R2 ajustado", type = "l")
```



```
which.max(reg.summary$adjr2)
```

```
## [1] 8
```

```
# El mejor modelo es con 9 variables.
plot(regfit.full, scale = "adjr2")
```



```
coef(regfit.full, 9)
```

```
##
    (Intercept)
                           zn
                                      indus
                                                     nox
                                                                    rm
                                                                                 dis
##
    15.88439221
                  0.05212496
                               -0.08985772 -12.76344616
                                                            1.00174553 -1.13370688
##
            rad
                      ptratio
                                      lstat
##
     0.57572221
                 -0.38418186
                                0.12992041
                                            -0.29674037
```

Utiliza el método stepwise forward y backward para elegir el mejor modelo desde el punto de vista del R^2 ajustado en la muestra de entrenamiento. Son los dos modelos iguales?. Indica cual es el error de predicción (con el modelo elegido) en la muestra de testeo.

```
## Subset selection object
## Call: regsubsets.formula(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis +
## rad + tax + ptratio + lstat + medv, data = Boston_test, nvmax = 9,
## method = "forward")
## 11 Variables (and intercept)
## Forced in Forced out
## zn FALSE FALSE
```

```
## indus
            FALSE
                     FALSE
## nox
            FALSE
                     FALSE
## rm
            FALSE
                     FALSE
                     FALSE
            FALSE
## age
## dis
            FALSE
                     FALSE
            FALSE
                     FALSE
## rad
            FALSE
                     FALSE
## tax
## ptratio
            FALSE
                     FALSE
## lstat
            FALSE
                     FALSE
            FALSE
                     FALSE
## medv
## 1 subsets of each size up to 9
## Selection Algorithm: forward
         zn indus nox rm age dis rad tax ptratio lstat medv
    (1)""""
                  (1)""""
                                                  11 11
                  (1)"*"""
                  11 🕌 11
## 3
    (1)"*"
                     11 11 11
    (1)"*"""
                  "*"
    (1)"*"""
                  " " " " " " *" "*" "*"
## 6
                                                  "*"
    (1)"*"""
                     "*"
                                                  "*"
## 7
                                                  "*"
                  "*" " " " " "*" "*" "*"
## 8 (1)"*"""
                                             "*"
                  "*" " "*" "*" "*" "*" "*"
    (1)"*"""
                                             11 * 11
                                                  11 * 11
regfit.bwd <- regsubsets(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv,
   nvmax = 9, method = "backward")
summary(regfit.bwd)
## Subset selection object
## Call: regsubsets.formula(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis +
     rad + tax + ptratio + 1stat + medv, data = Boston_test, nvmax = 9,
     method = "backward")
##
## 11 Variables (and intercept)
##
         Forced in Forced out
## zn
            FALSE
                     FALSE
## indus
            FALSE
                     FALSE
## nox
            FALSE
                     FALSE
## rm
            FALSE
                     FALSE
            FALSE
## age
                     FALSE
            FALSE
                     FALSE
## dis
## rad
            FALSE
                     FALSE
## tax
            FALSE
                     FALSE
## ptratio
            FALSE
                     FALSE
            FALSE
                     FALSE
## lstat
## medv
            FALSE
                     FALSE
## 1 subsets of each size up to 9
## Selection Algorithm: backward
##
         zn indus nox rm age dis rad tax ptratio lstat medv
    (1)""""
                  ## 1
    (1)""""
                  "*"
    (1)"*"""
                  "*"
    (1)"*"""
                  ## 4
                                             11 * 11
                  ## 5 (1)"*"
                                             "*"
                  ## 6 (1) "*" "
                                             "*"
                                                  "*"
## 7 (1)"*"""
                  "*" " " " "*" "*" "*"
                                             "*"
                                                  "*"
```

```
"*" " " " " "*" "*" "*" "*"
## 8 (1)"*""
                                                       "*"
                                                             "*"
## 9 (1) "*" "
                     "*" " " "*" "*" "*" "*" "*"
coef(regfit.full, 2)
## (Intercept)
                       rad
                                  medv
    2.6836517
                 0.5636857 -0.1949976
coef(regfit.fwd, 2)
## (Intercept)
                                 lstat
                       rad
## -3.7804169
                 0.4747058
                             0.2012060
coef(regfit.bwd, 2)
## (Intercept)
                                 lstat
                       rad
## -3.7804169
                 0.4747058
                             0.2012060
which.max(summary(regfit.fwd)$adjr2)
## [1] 6
which.max(summary(regfit.bwd)$adjr2)
## [1] 6
# Los dos modelos no son iguales.
# Forward: el mejor modelo es el que tiene 7 variables
# Backward: el mejor modelo es el que tiene 6 variables
set.seed(1)
entreno <- sample(c(TRUE, FALSE), nrow(Boston_test),</pre>
   replace = TRUE)
test <- (!entreno)</pre>
regfit.best <- regsubsets(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + 1stat + medv
   data = Boston_test[entreno, ], nvmax = 9)
test.mat <- model.matrix(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv,
val.errors <- rep(NA, 9)</pre>
for (i in 1:9) {
coefi <- coef(regfit.best, id = i)</pre>
pred <- test.mat[, names(coefi)] %*% coefi</pre>
val.errors[i] <- mean((Boston_test$crim[test] - pred)^2)</pre>
val.errors
## [1] 11.55365 11.40441 11.17448 10.28247 11.77649 11.35610 11.31413 11.20303
## [9] 11.19878
```

```
which.min(val.errors)

## [1] 4

coef(regfit.best, 5)

## (Intercept) zn rm dis rad medv
## -1.38890744 0.03359331 1.11370974 -0.60412184 0.46918880 -0.21280018
```

plot(cv.out)

Ajusta un modelo de regresión ridge en la muestra de entrenamiento, con λ elegido mediante validación cruzada. Calcula el error de predicción en la muestra de testeo.

```
library(glmnet)

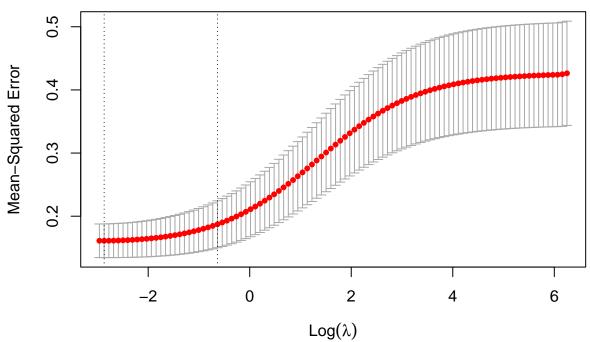
## Warning: package 'glmnet' was built under R version 4.2.3

x <- model.matrix(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv, Boston y <- Boston$crim
y.test <- y[test]

## entreno/test
set.seed(1)
entreno <- sample(1:nrow(Boston_train), nrow(Boston_train) / 2)
test <- (-entreno)

## mejor lambda
set.seed(1)
cv.out <- cv.glmnet(x[entreno, ], y[entreno], alpha = 0)</pre>
```





```
mejorlam <- cv.out$lambda.min
mejorlam</pre>
```

[1] 0.0568365

```
## modelo de regresión ridge
x <- model.matrix(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv, Boston
y <- Boston_train$crim
ridge.mod <- glmnet(x, y, alpha = 0, lambda = mejorlam)</pre>
```

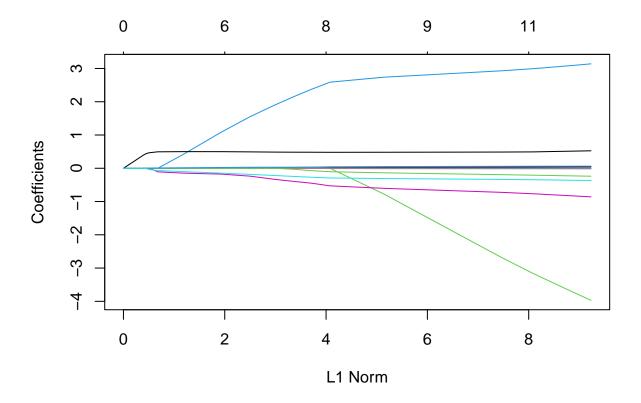
Pregunta 5

Ajusta un modelo de regresión lasso en la muestra de entrenamiento, con λ elegido mediante validación cruzada. Calcula el error de predicción en la muestra de testeo. ¿Cuántos coeficientes se han hecho cero?

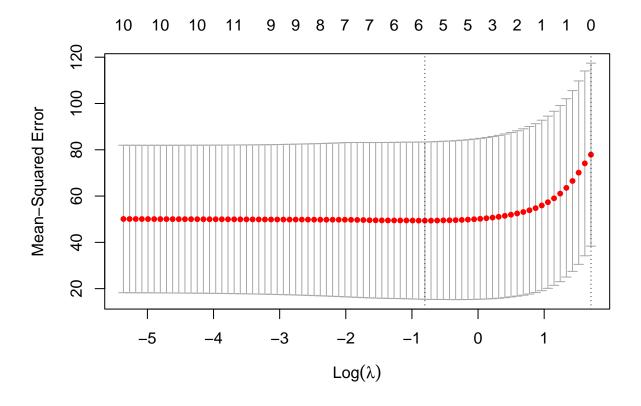
```
library(glmnet)
grid <- 10^seq(10, -2, length = 100)
x <- model.matrix(crim ~ zn + indus + nox + rm + age + dis + rad + tax + ptratio + lstat + medv, Boston
y <- Boston_train$crim

## entreno/test
set.seed(1)
entreno <- sample(1:nrow(Boston_train), nrow(Boston_train) / 2)
test <- (-entreno)</pre>
```

```
## Warning in regularize.values(x, y, ties, missing(ties), na.rm = na.rm):
## colapsando para valores de 'x' únicos
```



```
set.seed(1)
cv.out <- cv.glmnet(x[entreno, ], y[entreno], alpha = 1)
plot(cv.out)</pre>
```



Ajusta un modelo elastic-net en la muestra de entrenamiento, con λ y α elegidos mediante validación cruzada. Calcula el error de predicción en la muestra de testeo. ¿Cuántos coeficientes se han echo cero?

Pregunta 7

¿Qué método da lugar a un menor error de predicción?. ¿Cón qué método te quedarías?,¿por qué?

Fin

Este es el final de la tarea.

Sube el archivo .Rmd y el informe (en .pdf) generado a la "tarea" de moodle. Recuerde que el profesor comprobará la reproducibilidad del fichero .Rmd.