Covariates and MaxQuant Comparison –– |Pearson's rho| correlation values
mmul_gene_post–normalizaton

	Region	Group	SeqBatch	X260.280	X260.230	MIA	MG_seqPC1	MG_seqPC2	MG_seqPC3	MG_seqPC4	MG_SeqDepth	NP_seqPC1	NP_seqPC2	NP_seqPC3	NP_seqPC4	NP_seqPC5	PC1	PC2	PC3	PC4	PC5
Region		0.00	0.61	0.11	---	0.00	0.09	0.78	0.17	0.17	0.52	0.78	---	0.15	0.22	0.14	0.72	0.51	0.08	0.17	0.13
Group			---	0.087	0.15	0.85	0.12	---	---	---	0.096	0.12	0.11	0.078	---	0.14	---	0.10	---	0.22	0.13
SeqBatch				0.26	0.14	0.085	0.49	0.82	0.14	---	---	0.78	0.49	0.15	0.087	0.23	---	0.95	---	0.20	0.085
X260.280					0.32	0.25	---	0.19	0.29	0.16	---	0.36	0.16	0.25	---	0.23	0.14	---	0.28		
X260.230						0.34	0.36	---	---	0.18	0.30	0.10	---	0.18	0.31	0.20	0.11	---	---	0.21	0.17
MIA							0.17	0.075	0.081	0.077	0.11	0.17	0.079	---	0.13	0.13	0.098	0.11	---	0.27	
MG_seqPC1								0.86	0.25	0.24	0.47	0.77	0.19	0.29	0.12	0.31					0.35
MG_seqPC2									0.47	0.85	0.32	0.17	0.29	0.16	0.89	0.13	0.098	0.098			
MG_seqPC3										0.16	0.41	0.73	0.20	0.19	0.20	0.17	0.69	0.12	0.32		
MG_seqPC4											0.11	0.11	0.21	0.35	---	0.52	---	0.45	0.15	0.16	
MG_SeqDepth												0.26	0.20	0.46	0.76	0.18	0.15	0.34	0.19	0.10	0.34
NP_seqPC1													---	---	0.79	0.47	0.20	0.16	---		
NP_seqPC2														---	0.49	0.51	0.11	0.17	0.11		
NP_seqPC3															---	---	0.27	0.34	0.35		
NP_seqPC4																0.11	---	0.13	0.13	0.27	
NP_seqPC5																	0.21	0.63	---	0.10	
PC1																					
PC2																					
PC3																					
PC4																					
PC5																					