	1.0 1.5 2.0 2.5 3.	0	2.04 2.08 2.12 2.16		1.0 1.2 1.4 1.6 1.8 2.0		mparison Spea		-0.4 -0.2 0.0 0.2		-0.1 0.1 0.3		-0.2 0.0 0.2 0.4	
Region	0.005	0.61	0.11	0.089	0.541	0.088	0.79	0.16	0.13	0.71	0.53	0.13	0.15	1.0 2.0 3.0 4.
1.0 1.5 2.0 2.5 3.0	Group	0.054	0.095	0.13	0.84	0.14	Q.G37	0.065	0.005	0.056	-	0.066	0.057	
		SeqBatch	0.26	0.13	0.073	0.50	0.82	0.15	0.077	0.95	-	0.20	0.074	- 0.
04 2.08 2.12 2.16			X260.280	0.32	0.25	-	0.19	0.29	0.16	0.23	0.12	0.30	G.ED	0.34
7				X260.230	0.32	0.37	-	0.537	0.15	0.095	0.14	0.076	0.20	0.18 - 2.0 - 2.2 - 2.2 - 2.2 - 2.4 - 2.0 - 2.5 -
0. 1.4 1.8				• ••••• •	MIA	0.19	0.571	0.088	-	0.076	-	0.087	0.246	0.16
						MG_seqPC1			-	0.29	0.066	0.31	0.32	0.18
-0.2 0.0 0.2			······································	.			MG_seqPC2		-	0.89	0.18	0.077	0.092	0.000
								MG_seqPC3		0.19	0.76	0.033	640	0.19
0.4 -0.1 0.1									MG_seqPC4	860.0	0.38	-	0.22	0.16
										PC1				-0.1 0.1 0.3
-0.1 0.1 0.3								·			PC2			
												PC3		0.4 -0.2 0.0 0.2
-0.2 0.2 0.4													PC4	
														PC2 - 6.0 -
1.0 2.0 3.0 4.0	•	1.0 1.2 1.4 1.6 1.8 2.0		1.8 2.0 2.2 2.4	•	-0.4 -0.2 0.0 0.2		-0.5 -0.3 -0.1 0.1		-0.1 0.0 0.1 0.2 0.3	.	-0.4 -0.2 0.0 0.2		-0.4 -0.2 0.0 0.2