# 11<mark>장</mark> 클러스터링

# 11장 클러스터링

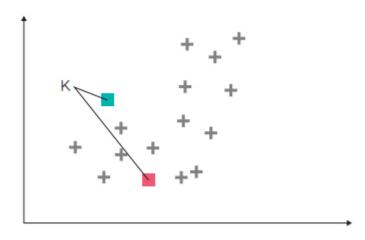
- 11.1 클러스터링이란
- 11.2 클러스터링 알고리즘 유형

# 11.1 클러스터링이란

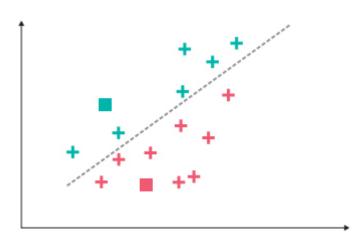
### • 클러스터링이란

- 클러스터링은 어떤 데이터들이 주어졌을 때 특성이 비슷한 데이터끼리 묶어 주는 머신 러닝 기법
- 머신 러닝 알고리즘에 딥러닝을 적용한다면 성능이 더 향상될 수 있음
- 이 장에서는 그 방법을 배워 보자

- K-평균 군집화
  - K-평균 군집화 알고리즘 원리
  - K-평균 군집화 알고리즘의 학습 원리는 다음과 같음
  - 1. 클러스터 중심인 중심점을 구하기 위해 임의의 점 K(여기에서 K=2)를 선택
- ▼ 그림 11-1 임의의 점 K 선택



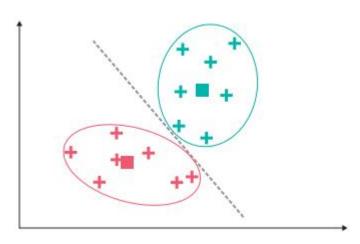
- K-평균 군집화
  - 2. 각 중심에 대한 거리를 계산하여 각 데이터를 가장 가까운 클러스터에 할당
  - ▼ 그림 11-2 클러스터에 할당



- K-평균 군집화
  - 3. 할당된 데이터 평균을 계산하여 새로운 클러스터 중심을 결정
- ▼ 그림 11-3 새로운 중심 결정



- K-평균 군집화
  - 4. 클러스터 할당이 변경되지 않을 때까지 2~3을 반복
  - ▼ 그림 11-4 최종 클러스터 구성



### ● K-평균 군집화

- K-평균 군집화를 대략적으로 살펴보았으므로 이제 파이토치에서 사용하는 방법을 예제로 확인해 보자
- 미리 말해 두지만 파이토치는 딥러닝을 위한 프레임워크이기 때문에 머신 러닝 기법들을 간편하게 사용할 수 있는 방법들을 제공하지 않음
- 파이토치에서는 머신 러닝 알고리즘이 수행해야 할 일들을 개발자가 일일이 함수로 구현해 주어야 함
- 이러한 과정이 번거롭다면 간편하게 사이킷런(scikit-learn) 라이브러리를 사용해야 함
- 파이토치에서 머신 러닝 기법에 대한 사용 방법을 알아보는 이유는 여러분이 인터넷이나 논문을 통해 파이토치로 구현된 머신 러닝 알고리즘을 마주했을 때 부담 없이 코드를 받아들일 수 있도록 돕기 위해서임

● K-평균 군집화

### 파이토치로 K-평균 군집화 예제 구현하기

- 파이토치에서 K-평균 군집화 알고리즘을 사용하여 데이터를 분류하는 방법을 살펴보자
- 먼저 K-평균 군집화를 사용하기 위한 라이브러리를 설치해야 함
- 아나콘다 프롬프트에서 다음 명령을 실행
   > pip install kmeans\_pytorch
- kmeans\_pytorch 라이브러리는 파이토치에서 K-평균 군집화를 손쉽게 구현할 수 있도록 제공
- 파이토치에서 모든 유형의 머신 러닝을 사용할 수 있는 라이브러리가 있는 것은 아님

#### [] #클러스터링

!pip install kmeans\_pytorch

Looking in indexes: <a href="https://pypi.org/simple">https://us-python.pkg.dev/colab-wheels/public/simple/</a> Collecting kmeans\_pytorch

Downloading kmeans\_pytorch-0.3-py3-none-any.whl (4.4 kB)

Installing collected packages: kmeans-pytorch

Successfully installed kmeans-pytorch-0.3

● import pandas as pd from sklearn.model\_selection import train\_test\_split # import torch from kmeans\_pytorch import kmeans, kmeans\_predict # k 평균 군집화 import matplotlib.pyplot as plt [ ] from google.colab import files file\_uploaded=files.upload()

파일선택 선택된 파일 없음 Upload widget is only available when the cell has been executed in the current browser session. Please rerun this cell to enable.
Saving iris.csv to iris.csv

df=pd.read\_csv('iris.csv')
print(df)

$\Box$		ld	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm	₩
	0	1	5.1	3.5	1.4	0.2	
	1	2	4.9	3.0	1.4	0.2	
	2	3	4.7	3.2	1.3	0.2	
	3	4	4.6	3.1	1.5	0.2	
	4	5	5.0	3.6	1.4	0.2	
			1.1.1	3.64	10.0	3 1 1	
	145	146	6.7	3.0	5.2	2.3	
	146	147	6.3	2.5	5.0	1.9	
	147	148	6.5	3.0	5.2	2.0	
	148	149	6.2	3.4	5.4	2.3	
	149	150	5.9	3.0	5.1	1.8	

0 1 2	Species Iris-setosa Iris-setosa Iris-setosa
3	Iris-setosa
4	Iris-setosa
145	lris-virginica
146	lris-virginica
147	lris-virginica
148	lris-virginica
149	lris-virginica
[150	rows x 6 columns]

### ● K-평균 군집화

- 예제에서 사용하는 데이터는 아이리스 데이터셋
- 다음 URL에서 데이터셋을 내려받을 수 있음
   https://www.kaggle.com/saurabh00007/iriscsv?select=Iris.csv

#### 코드 11-2 데이터셋 불러오기

```
      df = pd.read_csv('../chap11/data/iris.csv')

      df.info() ----- 데이터셋에 대한 전반적인 정보를 출력

      print('-----')

      print(df) ----- 아이리스 데이터셋의 데이터 출력
```

- df.info()를 통해 확인하고 싶은 내용은 데이터 타입
- 데이터 타입이 'object'라면 'float64'로 바꾸어야 하기 때문에 사전 확인이 필요함

### ● K-평균 군집화

• 다음은 불러온 데이터셋에 대한 정보

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 150 entries, 0 to 149
Data columns (total 6 columns):
    Column
                   Non-Null Count Dtype
                  150 non-null
    Id
                                  int64
 0
     SepalLengthCm 150 non-null
                                  float64
     SepalWidthCm 150 non-null
                                  float64
     PetalLengthCm 150 non-null
                                   float64
    PetalWidthCm 150 non-null
                                  float64
```

150 non-null

object

Species

● K-평균 군집화

아이리스(붓꽃) 데이터셋

- 아이리스(붓꽃) 데이터셋은 꽃잎의 너비와 길이 등을 측정한 데이터이며 150개의 레코드로 구성
- 아이리스 꽃은 다음 그림과 같으며 프랑스의 국화로도 알려져 있음
- ▼ 그림 11-7 아이리스 꽃(출처:

https://www.kaggle.com/alexisbcook/distributions)



### ● K-평균 군집화

- 'object'라는 데이터 타입을 갖는 Species 칼럼은 숫자가 아닌 단어로 구성
- 단어는 꽃잎의 너비와 길이에 따라 아이리스(붓꽃)의 세 가지 범주를 나타냄
- 이와 같이 단어를 숫자로 바꾸어 주는 것을 워드 임베딩이라고 하며, 이를 위한 다양한 방법이 있지만 여기에서는 get\_dummies()를 사용

#### 코드 11-3 워드 임베딩

```
data = pd.get_dummies(df, columns=['Species'])
data
```

0 1 2 3	Species Iris-setosa Iris-setosa Iris-setosa Iris-setosa
4	Iris-setosa
145 146 147 148 149	
[150	rows x 6 columns]

[] data=pd.get\_dummies(df,columns=['Species']) # dummies()
 data

	l d	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm	Species_Iris- setosa	Species_Iris- versicolor	Species_Iris- virginica
0	1	5.1	3.5	1.4	0.2	i	0	0
1	2	4.9	3.0	1.4	0.2	1	0	0
2	3	4.7	3.2	1.3	0.2	1	0	0
3	4	4.6	3.1	1.5	0.2	1	0	0
4	5	5.0	3.6	1.4	0.2	1	0	0
			mc.		;	310		1000
145	146	6.7	3.0	5.2	2.3	0	0	1
146	147	6.3	2.5	5.0	1.9	0	0	1
147	148	6.5	3.0	5.2	2.0	0	0	1
148	149	6.2	3.4	5.4	2.3	0	0	1
149	150	5.9	3.0	5.1	1.8	0	0	1
150 rc	ws ×	8 columns						

- K-평균 군집화
  - 다음은 워드 임베딩이 적용된 데이터셋 결과

	ld	SepalLengthCm	SepalWidthCm	PetalLengthCm	PetalWidthCm	Species_Iris-setosa	Species_Iris-versicolor	Species_Iris-virginica
0	1	5.1	3.5	1.4	0.2	1	0	0
1	2	4.9	3.0	1.4	0.2	1	0	-0
2	3	4.7	3.2	1.3	0.2	1	0	0
3	4	4.6	3.1	1.5	0.2	1	0	0
4	5	5:0	3.6	1.4	0.2	1	0	0
***	+++	144	344	***	110	444	1444	100
145	146	6.7	3.0	5.2	2.3	0	0	1
146	147	6.3	2.5	5.0	1.9	0	0	1
147	148	6.5	3.0	5.2	2.0	0	0	1
148	149	6.2	3.4	5.4	2.3	0	0	1
149	150	5.9	3.0	5.1	1.8	0	0	1

### ● K-평균 군집화

- 이제 훈련과 테스트 용도로 데이터셋을 분리할 텐데 예제에서는 사이킷런을 사용
- 데이터 분리는 사이킷런뿐만 아니라 파이토치의 random\_split()을 사용할 수도 있음
- random\_split()을 사용할 경우 데이터셋의 인덱스를 텐서 형태로 반환하기 때문에 인덱스가 아닌 데이터를 이용해야 하는 이번 예제와 맞지 않아 사이킷런을 사용

#### 코드 11-4 데이터셋 분리

from sklearn.model\_selection import train\_test\_split

x, y = train\_test\_split(data, test\_size=0.2, random\_state=123)

```
[] from sklearn.model_selection import train_test_split
   x,y=train_test_split(data, test_size=0.2, random_state=123)
[] if torch.cuda.is_available():
       device = torch.device('cuda:0')
   else:
       device = torch.device('cpu')
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
   scaler=StandardScaler()
   x_scaled=scaler.fit(data).transform(x)
   y_scaled=scaler.fit(y).transform(y)
```

### Parameter

- arrays : 분할시킬 데이터를 입력
- test\_size : 테스트 데이터셋의 비율(float)이나 갯수(int)
- train\_size : 학습 데이터셋의 비율(float)이나 갯수(int)
- random\_state : 데이터 분할시 셔플이 이루어지는데 이를 위한 시드값 (int나 RandomState로 입력)
- shuffle : 셔플여부설정 (default = True)
- stratify : 지정한 Data의 비율을 유지.

from sklearn.model\_selection import train\_test\_split

train\_test\_split(arrays, test\_size, train\_size, random\_state, shuffle, stratify

### ● K-평균 군집화

- 워드 임베딩이 적용된 데이터셋의 결과를 보면 데이터 값이 다양함(SepalLengthCm, SepalWidthCm, PetalLengthCm, PetalWidthCm 칼럼은 1~6의 값을 가지며, Species는 0~1의 값을 갖음)
- 이러한 값의 범위가 평균은 0, 분산은 1이 되도록 조정
- 이러한 것을 특성 스케일링(feature scaling)이라고 하며, 대표적인 방법으로는 표준화(standardization)와 정규화(normalization)가 있음
- 이번 예제에서는 표준화를 사용

#### 코드 11-6 특성 스케일링

from sklearn.preprocessing import StandardScaler

```
scaler = StandardScaler()

X_scaled = scaler.fit(data).transform(x) ----- ①
y_scaled = scaler.fit(y).transform(y)
```

```
[] # 텐서로 변경하기
    x=torch.from_numpy(x_scaled)
    y=torch.from_numpy(y_scaled)
   print(x.size())
    print(y.size())
    print(x)
torch.Size([120, 8])
    torch.Size([30, 8])
    tensor([[ 1.2817e+00, 1.8862e+00, -5.8776e-01, 1.3314e+00, 9.2206e-01,
            -7.0711e-01, -7.0711e-01, 1.4142e+00],
            [ 1.0277e+00, 1.8983e-01, -1.9762e+00, 7.0589e-01, 3.9617e-01,
            -7.0711e-01, -7.0711e-01, 1.4142e+00],
            [-1.0508e+00, -1.3854e+00, 3.3785e-01, -1.2275e+00, -1.3130e+00,
             1.4142e+00, -7.0711e-01, -7.0711e-01],
            [-1.7205e+00, -9.0068e-01, 1.0321e+00, -1.3413e+00, -1.3130e+00,
```

1.4142e+00, -7.0711e-01, -7.0711e-01],

- K-평균 군집화
  - ① StandardScaler()는 각 특성의 평균을 0, 분산을 1로 변경하여 특성의 스케일을 변경

```
X_{scaled} = scaler.\underline{fit(data)}.\underline{transform(x)}

(a)
```

- a fit: 평균과 표준편차를 계산
- ⓑ transform: 계산된 <mark>평균과 표준편차를</mark> 적용

### ● K-평균 군집화

- 데이터셋에 대한 전처리가 완료되었기 때문에 훈련과 테스트 데이터셋에 대한 크기를 확인해 보자
- 결과를 보면 훈련 데이터셋은 120개, 테스트 데이터셋은 30개로 분리
- 또한, from\_numpy()가 적용되었기 때문에 훈련과 테스트 데이터셋은 텐서로 변경된 상태

#### 코드 11-8 훈련과 테스트 데이터셋 크기

```
      print(x.size())
      ------ 훈련 데이터셋에 대한 크기

      print(y.size())
      ------ 테스트 데이터셋에 대한 크기

      print(x)
      ------ 텐서로 변경된 훈련 데이터셋의 데이터 확인
```

### ● K-평균 군집화

• 다음은 훈련과 테스트 데이터셋의 크기에 대한 결과

- K-평균 군집화
  - 이제 K-평균 군집화를 적용

### 코드 11-9 K-평균 군집화 적용

```
num_clusters = 3 ----- 아이리스(붓꽃) 유형이 세 개라서 3으로 지정
cluster_ids_x, cluster_centers = kmeans(
    X=x, num_clusters=num_clusters, distance='euclidean', device=device
) ----- ①
```

### ● K-평균 군집화

● ① K-평균 군집화 알고리즘에 대한 훈련은 kmeans()를 이용하며, 이때 사용되는 파라미터는 다음과 같음

- a 첫 번째 파라미터: 훈련 데이터셋
- ⓑ num\_clusters: 클러스터 개수
- ⓒ distance: 클러스터를 구성하기 위해 데이터 간의 거리를 계산하는 방법

- K-평균 군집화
  - 학습 결과는 다음과 같은 의미를 갖음

(a)

center\_shift=0.000000, iteration=4, tol=0.000100

ⓐ center\_shift: 유클리드 거리 계산을 이용하여 반복적으로 클러스터 중심을 변경이 과정은 더 이상 클러스터 중심을 옮길 필요가 없을 때까지 반복되며 'iteration' 파라미터에 의해 최종 반복 횟수가 출력

(C)

ⓑ iteration: 중지할 기준(tol)을 만족하면 학습을 멈추고 반복 횟수를 출력

**(b)** 

ⓒ tol: tolerance의 약자로 학습을 중지할 기준이 되는 값

- K-평균 군집화
  - 이제 테스트 데이터셋을 이용하여 예측해 보자

#### 코드 11-11 K-평균 군집화 예측

```
cluster_ids_y = kmeans_predict(
    y, cluster_centers, 'euclidean', device=device
) ----- 예측을 위해서는 kmeans_predict()를 사용
```

- 다음은 K-평균 군집화에 대한 예측 결과 predicting on cpu..
- 별다른 결과 없이 어떤 장치(GPU/CPU)를 사용하는지에 대해서만 출력

### ● K-평균 군집화

 예측 결과를 그래프로 알아보기 전에 테스트 데이터셋에 대한 클러스터 ID 값을 먼저 살펴보자

#### 코드 11-12 테스트 데이터셋에 대한 클러스터 ID

print(cluster\_ids\_y)

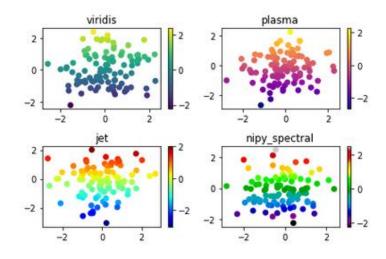
- 다음은 테스트 데이터셋에 대한 클러스터 ID 값
   tensor([0, 2, 2, 0, 1, 2, 0, 1, 1, 0, 2, 1, 0, 2, 2, 2, 1, 1, 0, 1, 1, 2, 1, 2, 1, 1, 1, 2, 1])
- ID 값은 훈련 데이터셋과 마찬가지로 0, 1, 2의 범주 값(앞에서 클러스터를 3으로 설정)으로 구성되어 있음

- K-평균 군집화
  - 이제 마지막으로 예측 결과를 그래프로 살펴보자

#### 코드 11-13 예측 결과 그래프로 확인

```
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize=(4, 3), dpi=160)
plt.scatter(y[:, 0], y[:, 1], c=cluster_ids_y, cmap='viridis', marker='x') -----;
                                                 테스트 데이터셋에 적용된 클러스터 결과 출력
plt.scatter(
    cluster centers[:, 0], cluster centers[:, 1],
    c='white',
    alpha=0.6,
    edgecolors='black',
    linewidths=2
plt.tight_layout() ----- ①
plt.show()
```

```
plt.figure(figsize=(4, 3), dpi=160)
plt.scatter(y[:, 0], y[:, 1],c=cluster_ids_y, cmap='viridis', marker='x')
plt.scatter(
    cluster_centers[:, 0], cluster_centers[:, 1],
    c='white',
    alpha=0.6,
    edgecolors='black',
    linewidths=2
plt.tight_layout()
plt.show()
```



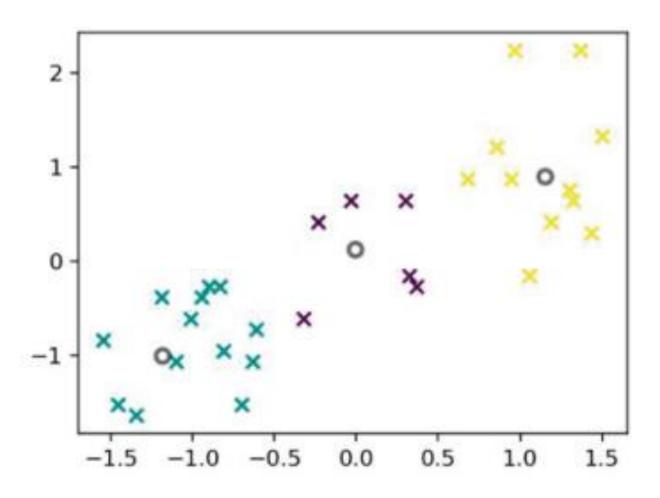
### ● K-평균 군집화

- ① subplot을 사용하면 하나의 그래프가 다른 레이아웃에 넘어가는 경우가 종종 발생하는데, 이때 tight\_layout()을 사용하면 그래프가 레이아웃에 자동으로 맞추어서 출력
- 다음은 K-평균 군집화에 대한 예측을 그래프로 출력한 결과

```
[running kmeans]: 4it [00:03, 1.06it/s, center_shift=0.000000, iteration=4, tol=0.000100]
```

>>> 주어진 데이터에 대해 k-means 알고리즘이 4번의 반복을 수행하였고, 중심점의 이동이 거의 없어서 알고리즘이 수행되었습니다. 이는 클러스터링 결과가 안정화되었음을 의미함.

▼ 그림 11-9 K-평균 군집화 결과



### ● K-평균 군집화

- 데이터들을 하나의 클러스터로 묶기 위한 중심이 형성된 것을 확인할 수 있음
- 이번 예제의 중요한 단점이 하나 있었음
- 더 좋은 결과를 얻을 수 있는 하이퍼파라미터 변경이 매우 제한적이라는 것
- 더 많은 하이퍼파라미터를 수정하여 성능을 향상하고 싶다면 kmeans\_pytorch 라이브러리를 이용하는 것이 아닌, 클러스터를 형성하고 거리를 계산하는 부분들을 모두 개발자가 직접 함수로 구현해야 함
- 매우 번거롭고 귀찮은 작업
- 이와 같이 파이토치는 딥러닝을 위한 프레임워크
- 머신 러닝 알고리즘을 적용하고 싶다면 파이토치가 아닌 사이킷런 같은 라이브러리를 사용하는 것이 편리함