# Analyse de données avec R

Ahmadou H. DICKO

Dakar R User Group

Janvier 2014

# Plan

- Intro
- Présentation de R
- Méthodes factorielles
- Méthodes de classification
- 5 Un exemple d'analyse non supervisé

## Introduction

- Avec la révolution numérique on vit un déluge de donnés (facebook, twitter, etc.)
- Les données à traiter sont de plus en plus volumineux et liés
- L'analyse exploratoire (EDA) est une étape nécessaire pour comprendre les données et leurs liaisons potentielles
- L'analyse factorielle des données et les méthodes de classification présente une cadre efficace d'exploration de telle données
- Cette analyse passe par des logiciels spécialisés de plus en plus en performant
- R est l'un des langage pour l'analyse de données les plus utilisés dans le monde

# Plan

- Intro
- Présentation de R
- Méthodes factorielles
- Méthodes de classification
- 5 Un exemple d'analyse non supervisé

# Historique

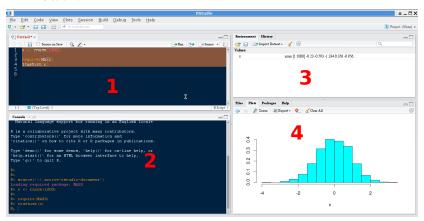
- R est un langage interpreté qui tirent ses racines de S, Lisp, schemes
- Quelques dates importantes :
  - 1990 : Ross Ihaka et Robert Gentleman développent R
  - ▶ 1996 : le projet devient open source
  - ▶ 2013 : R 3.0 est sorti et il y a plus de 5000 packages (add-ons)

# Concepts importants

- Un package R est en ensemble de fonctionnalité généralement organisé autour d'un thème (ou pas)
- Travailler sur R nécessite d'écrire des lignes de commandes (pas toujours)
- Rstudio est un environnement de travail pour R (mais y en d'autres...
   ESS)

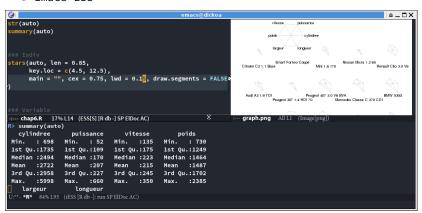
# Environnement de travail

#### Rstudio



### Environnement de travail

#### • Fmacs FSS



# Base du langage : R calculatrice?

0.00000 -0.69315

[1]

# Base du langage : Collection d'éléments (1/2)

c(1, 2, 10)	
	R output
[1] 1 2 10	·
c("Ali", "Modou", "Marie")	
	R output
[1] "Ali" "Modou" "Marie"	

# Base du langage : Collection d'éléments (2/2)

```
c(1, 2, "a")
                  _____ R output _____
[1] "1" "2" "a"
list("Ali", 10, "Marie")
                    _____ R output _____
[[1]]
[1] "Ali"
[[2]]
[1] 10
[[3]]
[1] "Marie"
```

# Base du langage : table (rectangulaire)

```
df <- data.frame(nom = c("Ali", "Modou", "Marie"),</pre>
 taille = c(170, 185, 165)
df$nom
                         _____ R output _____
[1] Ali Modou Marie
Levels: Ali Marie Modou
df[df$taille > 165, ]
                        _____ R output ____
   nom taille
  Ali 170
2 Modou
       185
```

# Analyse de données sous R

- R dispose de fonctions pour faire des analyses basiques :
  - prcomp, princomp, etc.
  - ▶ hclust, kmeans, etc.
- Il existe de nombreux packages mais les principaux sont :
  - ► FactoMineR
  - ▶ ade4
- Nous utiliserons principalement FactoMineR pour le reste des analyses

# Plan

- Intro
- Présentation de R
- Méthodes factorielles
- Méthodes de classification
- 5 Un exemple d'analyse non supervisé

# Analyse en composantes principales

# ACP: Objectif

- Analyse exploratoire des tables de variables quantitatives
- Positionner les individus par rapport à leurs proximités
- Positionner les variables par rapport à leurs corrélations
- Chercher un petit nombre de variables non corrélées qui résument l'information de la table originale

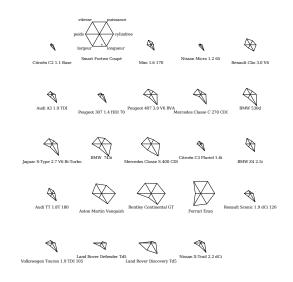
## Mise en oeuvre sous R

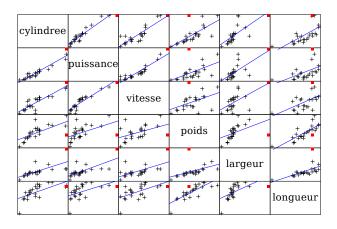
```
auto <- read.csv("data/auto.csv", row.names = 1)
summary(auto)</pre>
```

```
____ R output _____
 cylindree puissance vitesse poids
Min. : 698 Min. : 52 Min. :135 Min. : 730
1st Qu.:1735    1st Qu.:109    1st Qu.:175    1st Qu.:1249
Median :2494 Median :170 Median :223
                                    Median: 1464
Mean :2722 Mean :207 Mean :215
                                    Mean :1487
3rd Qu.:2958 3rd Qu.:227 3rd Qu.:245 3rd Qu.:1702
Max. :5998
            Max. :660 Max. :350
                                    Max. :2385
 largeur longueur
Min. :1515
            Min. :2500
1st Qu.:1742 1st Qu.:3921
Median: 1792 Median: 4325
Mean :1838 Mean :4278
3rd Qu.:1860 3rd Qu.:4701
Max. :2650
            Max. :5038
```

### head(auto)

		R out	put			
	cylindree	puissance	vitesse	poids	largeur	
Citroën C2 1.1 Base	1124	61	158	932	1659	
Smart Fortwo Coupé	698	52	135	730	1515	
Mini 1.6 170	1598	170	218	1215	1690	
Nissan Micra 1.2 65	1240	65	154	965	1660	
Renault Clio 3.0 V6	2946	255	245	1400	1810	
Audi A3 1.9 TDI	1896	105	187	1295	1765	
	longueur					
Citroën C2 1.1 Base	3666					
Smart Fortwo Coupé	2500					
Mini 1.6 170	3625					
Nissan Micra 1.2 65	3715					
Renault Clio 3.0 V6	3812					
Audi A3 1.9 TDI	4203					





```
library(FactoMineR)
auto_acp <- PCA(auto, ncp = 2, graph = FALSE)</pre>
PC1
PC2
PC3
PC4
PC5
```

auto\_acp\$eig

```
R output _____
       eigenvalue percentage of variance
comp 1
        4.411268
                                73,52113
comp 2
       0.853410
                                 14,22350
comp 3 0.435664
                                 7.26107
comp 4 0.235871
                                 3.93118
comp 5
      0.051437
                                 0.85728
         0.012351
                                 0.20586
comp 6
       cumulative percentage of variance
                                   73.521
comp 1
comp 2
                                  87.745
                                   95.006
comp 3
                                  98.937
comp 4
comp 5
                                   99.794
comp 6
                                  100.000
```

```
cbind(
dist = auto_acp$ind$dist^2,
coord = auto_acp$ind$coord,
cos2 = auto_acp$ind$cos2
)[1 :4, ]
R output
```

```
dist Dim.1 Dim.2 Dim.1 Dim.2
Citroën C2 1.1 Base 7.1023 -2.5959 -0.50997 0.94882 0.036618
Smart Fortwo Coupé 20.9302 -4.1501 -1.66591 0.82291 0.132595
Mini 1.6 170 2.9343 -1.3819 -0.81572 0.65082 0.226768
Nissan Micra 1.2 65 6.6117 -2.5133 -0.40359 0.95540 0.024635
```

```
auto_acp$var$coord
```

```
Dim.1 Dim.2

cylindree 0.96241 -0.12694

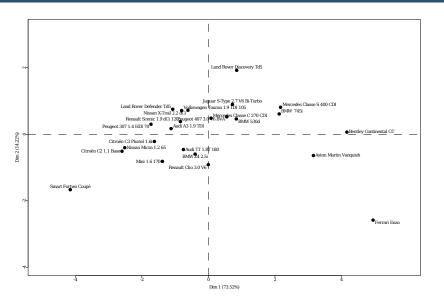
puissance 0.92332 -0.35266

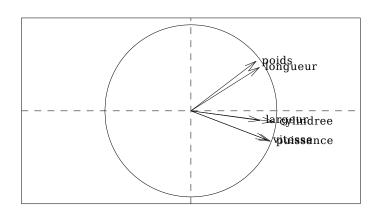
vitesse 0.88611 -0.33874

poids 0.75691 0.57571

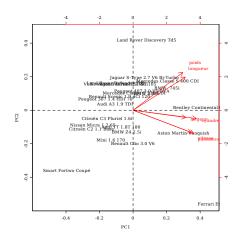
largeur 0.80123 -0.11102

longueur 0.79526 0.50440
```





Dimension 1 (73.52%)
Variables factor map (PCA)



# Analyse factorielles des correspondances

# AFC: Objectif

- Analyse exploratoire de tables de contingence
- Mise en relief des écarts à l'indépendance du tableau de contigence
- $\bullet$  Allez au delà du  $\chi^2$  et autre test d'indépendance

```
nice <- read.csv("data/nice.csv")</pre>
names(nice) <- tolower(names(nice))</pre>
str(nice)
                     _____ R output _____
'data.frame': 6 obs. of 7 variables:
$ csp : Factor w/ 6 levels "Agriculteur",..: 1 4 2 6 3 5
$ jut : int 9 66 77 50 52 55
$ sciences: int 35 72 139 78 86 103
$ lsh : int 44 171 380 155 274 191
$ droit : int 24 122 195 152 43 40
$ economie: int 8 48 69 57 26 25
$ médecine: int 13 71 233 85 48 46
```

```
library(reshape2)
nice <- melt(nice, id = "csp", variable.name = "filiere")
str(nice)

R output

'data.frame': 36 obs. of 3 variables:
$ csp : Factor w/ 6 levels "Agriculteur",..: 1 4 2 6 3 5 1 4 2 6 ...
$ filiere: Factor w/ 6 levels "iut", "sciences",..: 1 1 1 1 1 1 2 2 2 2 ...
$ value : int 9 66 77 50 52 55 35 72 139 78 ...
```

```
cont_table <- xtabs(value ~ csp + filiere, data = nice)
cont_table</pre>
```

				— R о	utput	
	filie	ere			<b></b>	
csp	iut	sciences	lsh	droit	economie	médecine
Agriculteur	9	35	44	24	8	13
Cadres	77	139	380	195	69	233
Employés	52	86	274	43	26	48
Indépendants	66	72	171	122	48	71
Ouvriers	55	103	191	40	25	46
Prof. inter.	50	78	155	152	57	85

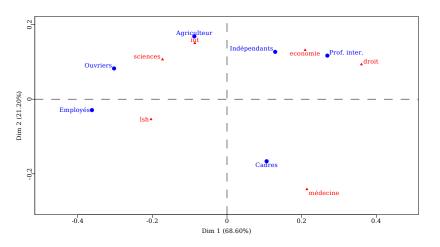
```
chisq.test(cont_table)

______ R output

Pearson's Chi-squared test

data: cont_table
X-squared = 256.01, df = 25, p-value < 2.2e-16</pre>
```

nice\_afc <- CA(cont\_table, graph = FALSE)</pre>



```
rbind(
    nice_afc$row$contrib[ ,1 :3],
    nice_afc$col$contrib[ ,1 :3]
                                R output -
               Dim 1
                       Dim 2
                                Dim 3
Agriculteur 0.58122 6.94491 41.01525
Cadres
           7.01907 55.70760 3.12380
Employés 39.44170 0.84044 24.34516
Indépendants 5.22233 16.28117 15.52434
Ouvriers
            23.97869 5.74860 15.76031
Prof. inter. 23.75698 14.47727 0.23114
iut
      1.30525 12.83230 8.81539
sciences 8.71843 10.71249 65.06416
lsh
            28.64715 6.50715 15.86942
droit
         42.57064 9.21883
                              0.78294
economie
        5.81289 7.41395 3.06994
médecine
            12.94564 53.31529 6.39815
```

```
rbind(
    nice_afc$row$cos2[ ,1 :3],
    nice_afc$col$cos2[ ,1 :3]
                                  R output .
                Dim 1
                        Dim 2
                                    Dim 3
Agriculteur 0.071781 0.265039 0.55201612
Cadres
            0.285208 0.699478 0.01383267
Employés 0.915171 0.006026 0.06156014
Indépendants 0.413949 0.398790 0.13410216
Ouvriers
            0.839285 0.062176 0.06011591
Prof. inter. 0.825516 0.155453 0.00087528
iut
            0.150971 0.458651 0.11111768
sciences
            0.455903 0.173102 0.37077989
lsh
            0.871778 0.061192 0.05262910
droit
            0.925526 0.061934 0.00185501
economie
            0.678399 0.267374 0.03904481
médecine
            0.423402 0.538837 0.02280468
```

# Analyse des correspondances multiples

### ACM : Objectif

- Analyse exploratoire de tables de variables qualitatives
- Mettre en évidence des proximités (non linéaire) entre individus, entre modalités et entre les deux
- Développer une typologie des individus et des modalités

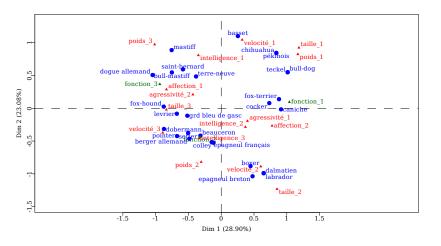
```
chien <- read.csv("data/chien.csv", row.names = 1, colClasses = "factor")</pre>
names(chien) <- tolower(names(chien))</pre>
str(chien)
                          _____ R output _____
'data.frame': 27 obs. of 7 variables:
$ taille
              : Factor w/ 3 levels "1", "2", "3": 3 1 3 2 1 3 1 1 2 3 ...
$ poids
              : Factor w/ 3 levels "1", "2", "3": 2 1 2 2 1 3 1 1 1 2 ...
$ velocité
              : Factor w/ 3 levels "1", "2", "3": 3 1 3 2 1 1 2 1 1 3 ...
$ intelligence: Factor w/ 3 levels "1","2","3": 2 1 3 2 2 3 3 1 2 2 ...
$ affection : Factor w/ 2 levels "1","2": 2 1 2 2 2 1 2 2 2 2 ...
$ agressivité : Factor w/ 2 levels "1","2": 2 2 2 2 1 2 1 1 2 1 ...
$ fonction : Factor w/ 3 levels "1","2","3": 3 2 3 1 1 3 1 1 1 1 ...
```

```
library(ade4)
acm.disjonctif(chien)[1 :6, 1 :5]
```

	taille.1	taille.2	R output taille.3		poids.2	
beauceron	0	0	1	0	1	
basset	1	0	0	1	0	
berger allemand	0	0	1	0	1	
boxer	0	1	0	0	1	
bull-dog	1	0	0	1	0	
bull-mastiff	0	0	1	0	0	

```
chien_acm <- MCA(chien,</pre>
 quali.sup = match("fonction", names(chien)),
 graph = FALSE)
axes 1
axes 2
axes 3
axes 4
axes 5
axes 6
axes 7
axes 8
```

axes 9 ixes 10



### Plan

- Intro
- Présentation de R
- Méthodes factorielles
- 4 Méthodes de classification
- 5 Un exemple d'analyse non supervisé

### Classification hierarchique

### CAH: Objectif

• Créez des groupes en agrégreant successivement les individus

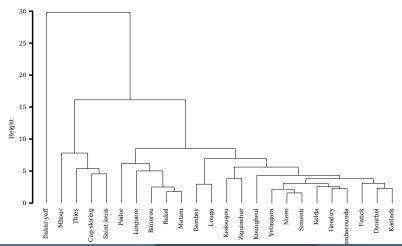
```
tempsen <- read.csv("data/tempsen.csv", row.names = 1)
tempsen[1 :8, 1 :6]</pre>
```

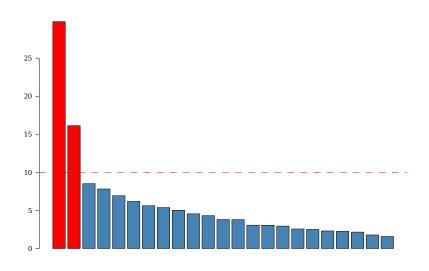
```
R output ___
              Jan
                     Feb
                           Mar
                                  Apr
                                         Mav
                                                Jun
Bakel
           34.017 37.017 41.058 43.292 43.442 40.525
Bambev
           33.075 35.025 37.792 38.050 37.992 36.592
Cap-skiring 31.950 32.483 31.933 30.208 30.058 31.608
Dakar-voff 26.158 25.442 25.700 25.358 26.575 29.150
Diourbel 34.083 35.958 38.992 39.908 40.792 38.008
Fatick 34.283 36.183 39.150 39.642 39.192 36.792
Goudiry 34.420 37.360 40.480 41.380 41.900 38.280
Kaolack 34.850 36.908 39.992 40.800 40.275 37.292
```

```
mat_dist <- dist(tempsen)
as.matrix(mat_dist)[1 :5, 1 :5]</pre>
```

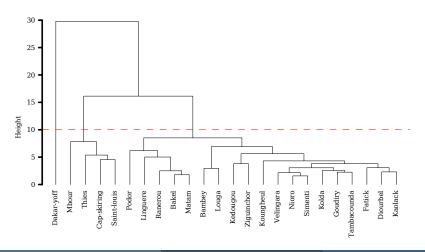
```
R output -
           Bakel
                  Bambey Cap-skiring Dakar-yoff Diourbel
Bakel
         0.0000 10.1929
                            25.641
                                     37.296
                                             5.8866
Bambey
          10.1929
                 0.0000
                            15.561 27.693 4.5734
Cap-skiring 25.6410 15.5614
                           0.000
                                     13.790 20.0178
Dakar-yoff 37.2961 27.6932
                            13.790
                                     0.000
                                            32.0160
Diourbel
           5.8866 4.5734
                            20.018
                                     32.016
                                            0.0000
```

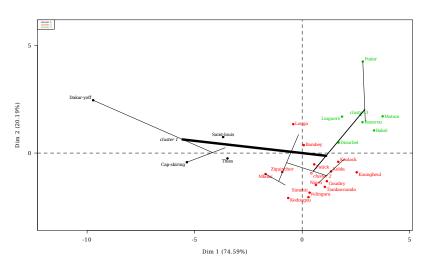
tempclust <- hclust(mat\_dist, method = "average")</pre>





temphcut <- cutree(tempclust, k = 3)</pre>





### Plan

- 🕕 Intro
- Présentation de R
- Méthodes factorielles
- Méthodes de classification
- 5 Un exemple d'analyse non supervisé

### Titre exemple

### Un exemple pour conclure

## Classification des ménages Sénégalais selon leur niveau de vie

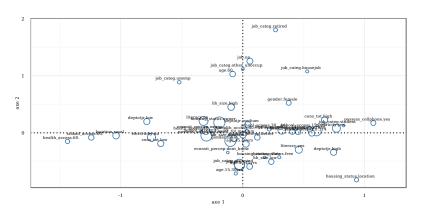
- étape 1 : Analyse factorielle : ACM
- étape 2 : K-means sur les axes factorielles
- étape 3 : CAH sur les centres de gravités des groupes formés
- étape 4 : K-means pour consolider les groupes

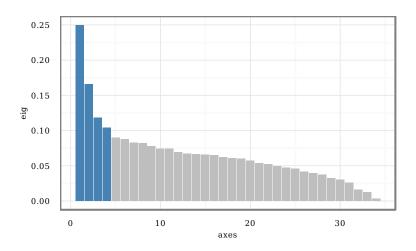
```
household <- readRDS("data/household.rds")</pre>
```

summary(household)

```
R output _____
       region
                 location
                              gender
                                              age
dakar
         :1598
                urban:8576
                           male :10684 15-30yrs: 775
diourbel :1200
              rural:4989 female: 2881
                                         30-45vrs:3983
kolda
     :1200
                                         45-60yrs:5043
saint-louis:1200
                                         60+
                                                :3764
tamba
         :1200
kaolack :1199
(Other) :5968
 hh_size literacy job
                                housing_status
low :3563 yes:5582 yes:9312
                               owner
                                      :10853
medium:4948 no :7983
                    no:4253 location: 2013
high :5054
                               free
                                         638
                               other :
                                        61
```

```
naxes_max <- sum(sapply(household[ ,-1], nlevels)) - ncol(household[ ,-1])
mca <- dudi.acm(household[,-1], nf = naxes_max, scannf = FALSE)</pre>
```





 On va donc travailler avec les 4 premiers axes et vérifier qu'ils sont bien centrés et réduits.

```
mcadata <- mca$l1[ ,1 :4]
sapply(mcadata, function(x) list(mean = round(mean(x), 2), std = sd(x)))

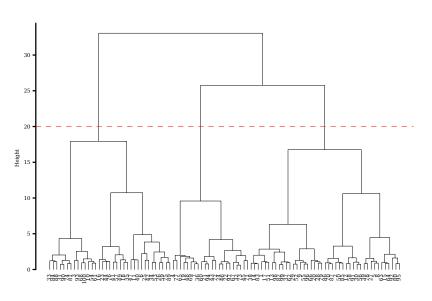
_______ RS1 RS2 RS3 RS4
mean 0 0 0 0
std 1 1 1 1</pre>
```

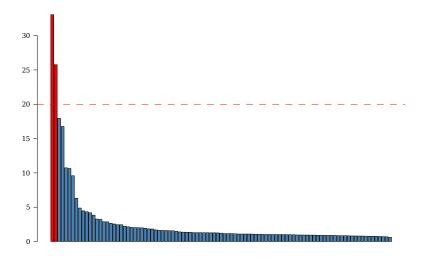
- Utilisation des K-means sur les axes factorielles
- Ne pas oublier d'initialiser le seed pour rendre les résultats reproductibles

```
set.seed(1234)
hh_part <- kmeans(mcadata, centers = 100,
nstart = 20, iter.max = 500)</pre>
```

• CAH sur les centres de gravités des classes

```
hh_hclust <- hclust(dist(hh_part$centers), method = "ward")</pre>
```





Nombre de centre par groupe

• Associer à chaque ménage à son nouveau groupe

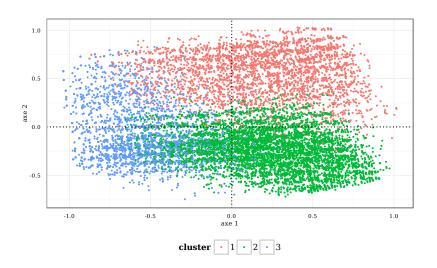
```
dataclust <- data.frame(kclust = seq_along(hh_tree), hclust = hh_tree)
household$kclust <- hh_part$cluster
household <- merge(household, dataclust, by = "kclust")</pre>
```

• Nombre final de ménages par groupe

```
1 2 3
6894 3253 3418
```

- Étape finale de consolidation des groupes précedemment formés.
- Utilisation de la médianne pour rendre les résultats moins sensibles aux valeurs extrêmes

```
centers <- by(mcadata, household$hclust, function(x) apply(x, 2, median))
centers <- matrix(unlist(centers), ncol = ncol(mcadata), byrow = TRUE)
consol <- kmeans(mcadata, centers = centers, iter.max = 50, nstart = 10)</pre>
```



### Conclusion

- R est une option viable et performante pour l'analyse de données
- R est libre et gratuit donc le seul coût est celui d'apprentissage
- Il s'agit juste d'une introduction plusieurs méthodes n'ont pas été explorées