

Universidad Tecnológica Metropolitana de Chile Ingenieria Civil en Computación Mención Informática Computación Paralela Plataforma Integrada

## Resultado Fasta

## Alineamientos de secuencias de ADN.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI0000000FA

Con la matriz elegida:

matlist.pam60

Y con la penalización de:

-1

Los porcentajes de similitud para las 3 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 114.432989691%, que corresponde a: 999 Cadena 2: 114.432989691%, que corresponde a: 999 Cadena 3: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 20.956 Segundos