



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de ADN.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FA

Con la matriz elegida:

matlist.pam60

Y con la penalización de:

-1

Los porcentajes de similitud para las 5 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Cadena 2: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Cadena 3: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Cadena 4: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Cadena 5: 114.432989691%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecución del algoritmo: 21.944 Segundos