



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de aminoácidos.

Descripción de la cadena de entrada:

gi|2765752|emb|Z78439.1|PBZ78439

Con la matriz elegida:

matlist.benner22

Y con la penalización de:

-8

El(Los) porcentaje(s) de similitud para la(s) 7 cadena(s) es(son) el(los) sigue

Cadena 1: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 2: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 3: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 4: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 5: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 6: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Cadena 7: 29.1330086612%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 6.401 Segundos