Universidad Tecnológica Metropolitana de Chile Ingenieria Civil en Computación Mención Informática Computación Paralela Plataforma Integrada

Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de ADN.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Con la matriz elegida:

matlist.blosum30

Y con la penalización de:

-3

Los porcentajes de similitud para las 10 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 2: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 3: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 4: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 5: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 6: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 7: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 8: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 9: 77.3219814241%, que corresponde a: 999 Cadena 10: 77.3219814241%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 12.96 Segundos