



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de aminoácidos.

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Con la matriz elegida:

matlist.blosum55

Y con la penalización de:

-10

El(Los) porcentaje(s) de similitud para la(s) 2 cadena(s) es(son) el(los) siguiente(s):

Cadena 1: 39.0%, que corresponde al índice: 209

Cadena 2: 73.0%, que corresponde al índice: 27

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 3.755 Segundos