



# Resultado Fasta

---

## *Alineamientos de secuencias de aminoácidos.*

Descripción de la cadena de entrada:

UPI00000000FB

Con la matriz elegida:

matlist.blosum50

Y con la penalización de:

-10

Los porcentajes de similitud para las 3 cadenas son los siguientes:

Cadena 1: 79.4749403341%, que corresponde a: 999

Cadena 2: 79.4749403341%, que corresponde a: 999

Cadena 3: 79.4749403341%, que corresponde a: 999

Tiempo de ejecución del algoritmo: 4.673 Segundos