



Resultado Fasta

Alineamientos de secuencias de ADN.

Descripción de la cadena de entrada:

AB000263

Con la matriz elegida:

matlist.blosum30

Y con la penalización de:

-10

El(Los) porcentaje(s) de similitud para la(s) 4 cadena(s) es(son) el(los) siguiente(s):

Cadena 1: 26.9838308458%, que corresponde a: gj|2765674|emb|Z78517.1|CFZ78517

Cadena 2: 26.9776119403%, que corresponde a: gj|2765675|emb|Z78516.1|CPZ78516

Cadena 3: 26.0572139303%, que corresponde a: gj|2765642|emb|Z78517.1|CFZ78517

Cadena 4: 25.6747512438%, que corresponde a: gj|2765641|emb|Z78516.1|CPZ78516

Tiempo de ejecucion del algoritmo: 74.454 Segundos