

 Proyecto Cupi2	<b>ISIS-1205 Algorítmica y Programación II</b> <b>Requerimientos Funcionales</b>
Ejercicio:	n11_cupiTaxonomia
Autor:	Equipo Cupi2
Semestre:	2019-1

## Listado de Requerimientos

<b>Nombre</b>	R1. Visualizar el árbol taxonómico.
<b>Resumen</b>	Se visualiza el árbol taxonómico junto a sus taxones.
<b>Entradas</b>	
Ninguna.	
<b>Resultados</b>	
Se visualiza el árbol taxonómico junto a sus taxones y seres vivos.	

<b>Nombre</b>	R2. Agregar taxón.
<b>Resumen</b>	Se agrega un nuevo taxón al árbol taxonómico.
<b>Entradas</b>	
Nombre del taxón padre.	
Tipo del taxón. Este puede ser: Dominio, reino, filo, clase, orden, familia, género o especie.	
Nombre del taxón.	
<b>Resultados</b>	
Se agrega un nuevo taxón al árbol taxonómico.	
Si existe un taxón con el mismo nombre (sin importar su tipo) el taxón no puede ser agregado y se notifica el error al usuario.	

<b>Nombre</b>	R3. Eliminar taxón seleccionado.
<b>Resumen</b>	Se elimina el taxón seleccionado del árbol.
<b>Entradas</b>	
Ninguna.	
<b>Resultados</b>	
Se elimina el taxón seleccionado.	

<b>Nombre</b>	R4. Agregar ser vivo
<b>Resumen</b>	Se agrega un ser vivo a un taxón de tipo especie.
<b>Entradas</b>	
Nombre del taxón.	
Nombre común del ser vivo.	
Nombre científico del ser vivo.	

Características del ser vivo.
Ruta de la imagen del ser vivo.
<b>Resultados</b>
Se agregar un nuevo ser vivo a una especie del árbol taxonómico.
Si la especie ya tiene un ser vivo, no se agrega y se notifica el error al usuario.
Si ya existe un ser vivo con el mismo nombre científico, no se agrega y se notifica el error al usuario.

<b>Nombre</b>	R5. Visualizar la información de un ser vivo.
<b>Resumen</b>	Visualiza la información detallada de un ser vivo seleccionado.
<b>Entradas</b>	
Ninguna	
<b>Resultados</b>	
Se visualiza la información detallada del ser vivo seleccionado, que incluye su nombre común, nombre científico, las características y su foto.	

<b>Nombre</b>	R6. Calcular el número de taxones.
<b>Resumen</b>	Calcula el número total de taxones del árbol taxonómico.
<b>Entradas</b>	
Ninguna	
<b>Resultados</b>	
Se calcula el número total de taxones del árbol taxonómico.	

<b>Nombre</b>	R7. Calcular el número de seres vivos.
<b>Resumen</b>	Calcula el número total de seres vivos del árbol taxonómico.
<b>Entradas</b>	
Ninguna	
<b>Resultados</b>	
Se calcula el número total de seres vivos del árbol taxonómico.	

<b>Nombre</b>	R8. Obtener la lista de taxones en postorden.
<b>Resumen</b>	Construye una lista ordenada (postorden) con todos los taxones del árbol taxonómico.
<b>Entradas</b>	
Ninguna.	
<b>Resultados</b>	
Una lista con todos los taxones del árbol taxonómico ordenados de forma postorden.	

<b>Nombre</b>	R9. Obtener la lista de taxones en preorden.
<b>Resumen</b>	Construye una lista ordenada con todos los taxones del árbol taxonómico
<b>Entradas</b>	
Ninguna	
<b>Resultados</b>	
Una lista con todos los taxones del árbol taxonómico ordenados de forma preorden.	

<b>Nombre</b>	R10. Obtener la lista de seres vivos de un taxón.
<b>Resumen</b>	Construye una lista con todos los seres vivos de un taxón.
<b>Entradas</b>	
Nombre del taxón.	
<b>Resultados</b>	
Una lista con todos los seres vivos de un taxón dado. Si el taxón no es de tipo especie, la lista debe incluir los seres vivos de sus sub-taxones.	