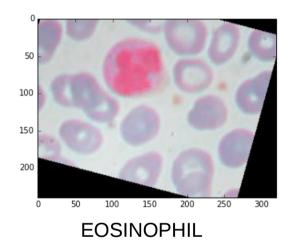
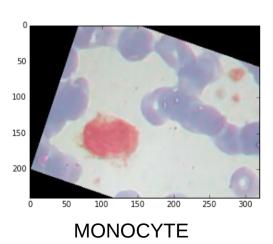
RECONNAISSANCE DE CELLULES SANGUINES

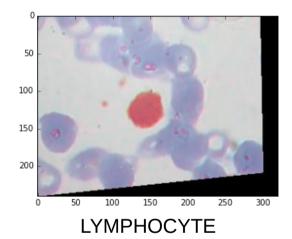
Dataset Kaggle https://www.kaggle.com/paultimothymooney/blood-cells/

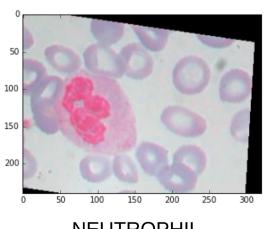
Dataset

12000 images de cellules sanguines tirées d'un ensemble de 410 images originales par augmentation de données









NEUTROPHIL

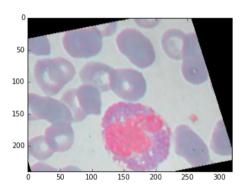
Démarche

- Approche classique
 - Pretraitement
 - Transformer chaque image en array (120,160)
 - > Filtrer pour ne garder que la cellule sanguine
 - Contraster en noir/blanc pour calculer le barycentre
 - Centrer la cellule sanguine
 - Aplatir l'image pour obtenir un array de longueur 120x160
 - Construire X et Y, dataset avec 4 labels
 - Split pour train et validation
 - Utiliser plusieurs algorithmes en binaire (Eosinophil et Lymphocyte) puis multiclasses
- Approche Deep Learning
 - Split pour train et validation (par directories)
 - D'abord classification binaire (Eosinophil et Lymphocyte) en utilisant un réseau de référence Chiens/Chats (ref. François Chollet- Deep Learning with Python)
 - Idem avec autre réseau obtenu avec modèle pré-entrainé et modification des dernières couches de neurones
 - > Puis classification multi-classes avec modèle de base et réseau pré-entrainé

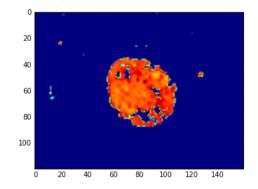
Approche classique

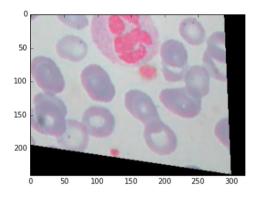
Utilisation d'OPENCV

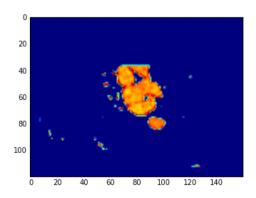
Images originales



Images filtrées centréés







Résultats (classique, binaire et multi-classes)

BINAIRE

LinearSVC(): accuracy= 0.7550

KneighborsClassifier() accuracy: 0.8650

RandomForestClassifier() accuracy: 0.9253

Cross-validation f1-macro: 0.9256

MULTI-CLASSES

LinearSVC(): accuracy= 0.5048

KneighborsClassifier() accuracy: 0.7132

RandomForestClassifier() accuracy: 0.8044

Cross-validation f1-macro: 0.7901

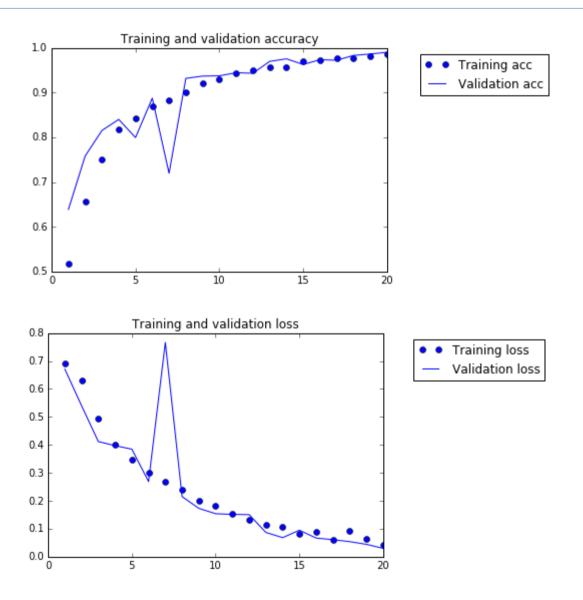
Approche Deep Learning, Binaire

Utilisation de Keras (input= directories)

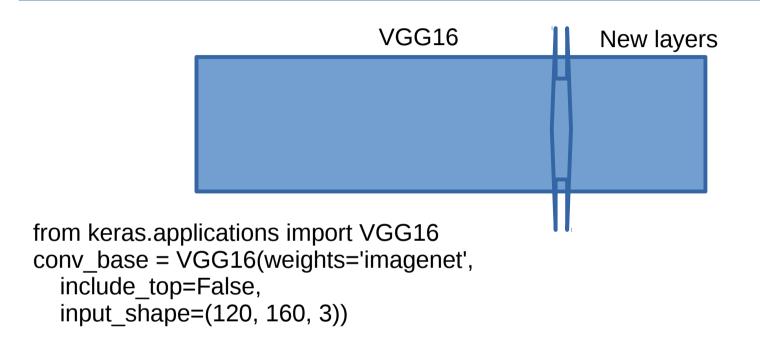
Réseau:

```
model = models.Sequential()
model.add(layers.Conv2D(32, (3, 3),
activation='relu',input_shape=(120, 160, 3)))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Flatten())
model.add(layers.Dense(512, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
```

Résultats (Keras, binaire)

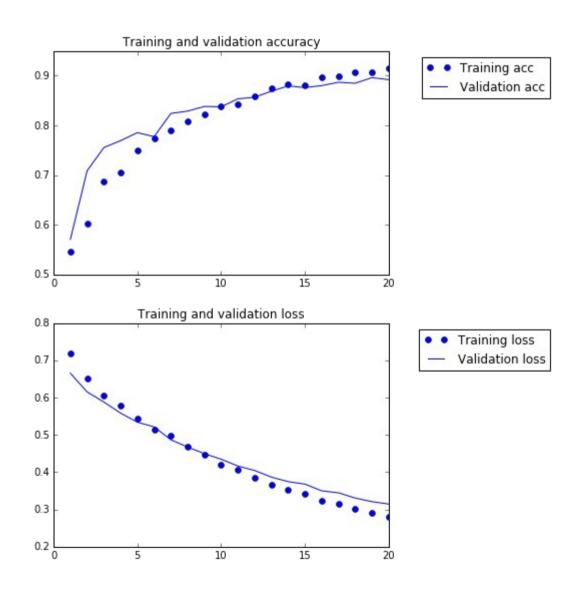


Avec réseau préentrainé



```
model = models.Sequential()
model.add(layers.Dense(256, activation='relu', input_dim=3 * 5 * 512))
model.add(layers.Dropout(0.5))
model.add(layers.Dense(1, activation='sigmoid'))
```

Résultats (Keras, binaire, préentrainé)



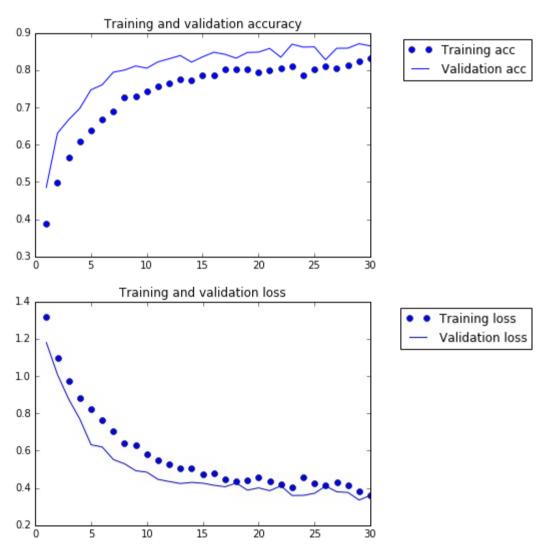
Deep Learning multi-classes

Modèle:

```
model = models.Sequential()
model.add(layers.Conv2D(32, (3, 3), activation='relu',input_shape=(120, 160, 3)))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Conv2D(64, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Conv2D(128, (3, 3), activation='relu'))
model.add(layers.MaxPooling2D((2, 2)))
model.add(layers.Flatten())
model.add(layers.Dense(512, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(4, activation='softmax'))
```

Résultats (Keras, multi-classes)

Résultats (Keras, multi-classes, préentrainé)



Discussion

Approche classique:

En binaire et multi-classes, Random Forest meilleur algo (pas essayé Gradient Boosting...)

Deep Learning:

En binaire le modèle utilisé donne de très bons résultats (sans même réseau préentrainé), meilleurs que classique

Multi-classes : echec non expliqué avec modèle nu, bons résultats avec modèle préentrainé, meilleurs que classique