***# Scripts d’extractions utilisés.***

***Pour pouvoir utiliser ces scripts, il faut qu’un fichier nommé « resultat » soit présent dans l’environnement de travail.***

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|  | **Nom du script** | **Action** |
|  | Script de séléction de population. | |
| Sélection des patients présentant une pancréatite aiguë | selection\_pancreatite\_aigue.R | **Fonction**; Selectionne les patients présentant une pancréatite aiguë avérée  **Input**: verification\_pancreatite\_aigue\_v20190722.xlsx  **Output**; admid  **Diagnostic**: non |
| Charge les patients et leur statut allergie ou beta-lactamine ou non. | Allergy\_Status.R | **Fonction**;  **Input**:  **Output**;  **Diagnostic**: |
|  | Fichier ADMISSIONS / ICUSTAYS / TRANSFERS | |
|  | Deces.R | **Fonction**; Crée variable critère de jugement décès  **Input**: admid  **Output**; death\_status.csv  **Diagnostic**: non  Ce script génère un fichier contenant 4 paramètres ; l’heure du décès, la survenue d’un décès à J7, J14, J21 et J28. |
|  | Socio\_demographics.R | **Fonction**; Extrait les variables socio-démographiques. Regroupe les groupes éthniques pour en laisser 3 catégories. Regroupe l’age pour laisser 3 catégories ;  **Input**: admid  **Output**; demographics\_V3.csv  **Diagnostic**: non |
|  | LOS.R | **Fonction**; Extrait le temps d’arrivée en USI, le temps passé en USI et le temps passé à l’hôpital.  **Input**: admid  **Output**; los.csv  **Diagnostic**: non |
|  | CHARTEVENTS | |
|  | Clinique\_baseline.R | **Fonction :** Selectionne les variables d’interêt à partir d’un fichier source. Calcul la valeur biologique **moyenne** à la baseline (de -6 à H24).  Récupère le poids et la taille, et convertit les unités (en kg et m).  Calcul l’IMC. Récupère la temperature (si non mentionnée, recherche dans GDS).  Récupère la pression artérielle non inasive(et inavsive si non invasive manquante) Récupère  **Input :**  \* admid  \* ../SCRIPT\_MIMIC/Auxilliaires/Auxilliaire\_CHARTEVENTS.xlsx (colonne **Clinique1** )  **Output**: clinique\_baseline.csv  **Diagnostic** :  Diagnostic\_clinique\_baseline.csv (visualise les données manquantes) |
|  | Donnnes\_cliniques\_H0\_H24\_H48.R | **Fonction**; Extrait les variables cliniques suivantes :  **Input**: admid  **Output**; chart\_3times.csv  **Diagnostic**: non |
|  | Glasgow.R | **Fonction**; Selectionne la valeur minimale de chaque élément composant le Glasgow dans les 24 premières heures ;  **Input**: admid  **Output**; glasgow.csv  **Diagnostic**: non |
|  | Morphometrie.R | **Fonction :** L’objectif de ce script est d’extraire toutes les données possibles de poids et de taille des patients pendant leur séjour en USI ou à l’hopital.  **Input :** admid  \* ../SCRIPT\_MIMIC/Auxilliaires/Auxilliaire\_CHARTEVENTS.xlsx (colonne **morpho** )  **Output**: clinique\_morpho.csv  **Diagnostic** : |
|  |  |  |
|  | Table PROCEDUREEVENTS | |
|  | MecVenAndDialysis.R | **Fonction**: extrait les données sur l’utilisation oui / non d’une ventilation mécanique ou d’une dialyse  **Input**  admid  **Output**  MecVenAndDialysis.csv  **Diagnostic** : non |
|  | Procedures.R | **Input :** Auxilliaire\_PROCEDUREEVENTS.xlsx  **Output**: tables\_analyses/procedures.csv  **Action**: Noter les procedures d’interêt dans le fichier . |
|  | Fichier LABEVENTS | |
|  | Biologie\_baseline.R | **Fonction :** Selectionne les variables d’interêt à partir d’un fichier source. Calcul la valeur biologique **moyenne** à la baseline (lde -6 à H24).  **Input :**  \* admid  \* ../SCRIPT\_MIMIC/Auxilliaires/Auxilliaire\_LABEVENTS.xlsx  **Output**: biologie\_baseline.csv  **Diagnostic** :  Diagnostic\_biologie\_baseline.csv (visualise les données manquantes) |
|  | Labevents.R *Analyse des données de laboratoire ;* | **Input :**  - Auxilliaire\_LABEVENTS.xlsx  - demographics\_V2.csv  **Output**:  - tables\_analyses/lab\_3\_times.csv : Table des valeurs biologiques à la baseline, 24 et 48 heures.  **Diagnostic :**  - labeventsF1.pdf : valeur anomale de lipase.  - labeventsF2.pdf : Valeur présente et données manquantes pour les variables d’interêt dans chacun des deux groupes.  - labeventsF3.pdf : Intervalle de temps jusqu’à réalisation d’une prise de sang.  - labeventsF4.pdf : Distribution des valeurs de lipase et d’amylase  - labeventsF5.pdf : Nombre de valeurs de lipase supérieure à 3N.  - labeventsF6.pdf : Heure de la première valeur de lipase anormale.  - labeventsF7.pdf : Moment de la première lipase anormale. |
|  |  |  |
|  | MICROBIOLOGYEVENTS | |
|  | Microbiology.R | **Input :**  demographics\_V2.csv  **Outpu**t :  tables\_analyses/microbiology.csv  **Diagnostic ;**  microbiologyF1.pdf : hémocultures réalisées pendant le séjour.  microbiologyF2.pdf  microbiologyF3.pdf : Type de germes par patients (survivants vs non survivants) à différent temps.  microbiologyF4.pdf : Type de germes à différent temps  microbiologyF5.pdf : Type de germes en regroupant par famille. |
|  | INPUTEVENTS | |
|  | vasopressor\_use.R | **Fonction**: extrait les données sur l’utilisation oui / non d’un vasopresseur. Crée un fichier dans le dossier resultat.  **Input**  admid  **Output**  vasopressor.csv |
|  | apsiii | **Fonction :**  **Input :**  **Output**:  **Diagnostic** : |
|  | oasis.R |  |
|  | sofa.R |  |
|  | PROCEDURES | |
|  |  |  |
|  | **En cours de codage** | |
|  | ApacheII.R (en cours de construction) | **Input :**  - Auxilliaire\_LABEVENTS.xlsx  **Outpu**t :  **Action**: |
|  |  | **Fonction :**  **Input :**  **Output**:  **Diagnostic** : |
|  |  | **Fonction :**  **Input :**  **Output**:  **Diagnostic** : |
|  |  | **Fonction :**  **Input :** admid  **Output**:  **Diagnostic** : |
|  |  | **Fonction :**  **Input :** admid  **Output**:  **Diagnostic** : |
|  | **Analyse exploratoire** | |
|  | Wbc.R | Comparaison des deux variables « White Blood Cells » et « WBC » du fichier LABEVENTS.  **Fonction :**  **Input :** admid  **Output**: non  **Diagnostic** : Diagnostic\_Wbc.tiff  **Conclusion**: Aucun interêt de considérer ces deux paramètres. « White blood cells » de LABEVENTS est renommé « WBC » dans LABEVENTS pour correspondre. |
|  | Phosphorous\_phosphate.R | Comparaison de phosphorous de LABEVENTS et phosphate de CHARTEVENTS |
|  | LABO\_CHARTEVENTS\_AND\_LABEVENTS.R | **Fonction :**Extrait les données biologiques à partit de CHARTEVENTS et LABEVENTS.  **Input :**  \* admid  \* ../SCRIPT\_MIMIC/Auxilliaires/Auxilliaire\_LABEVENTS.xlsx  \*../SCRIPT\_MIMIC/Auxilliaires/Auxilliaire\_CHARTEVENTS.xlsx"  **Output**: none  ***Diagnostic*** *:Diagnostic\_chart\_VS\_lab.tiff*  ***Conclusion :*** Il n’y a pas d’interêt à prendre en compte les données biologiques mentionnées dans CHARTEVENTS. Le fichier LABEVENTS est suffisant ! |