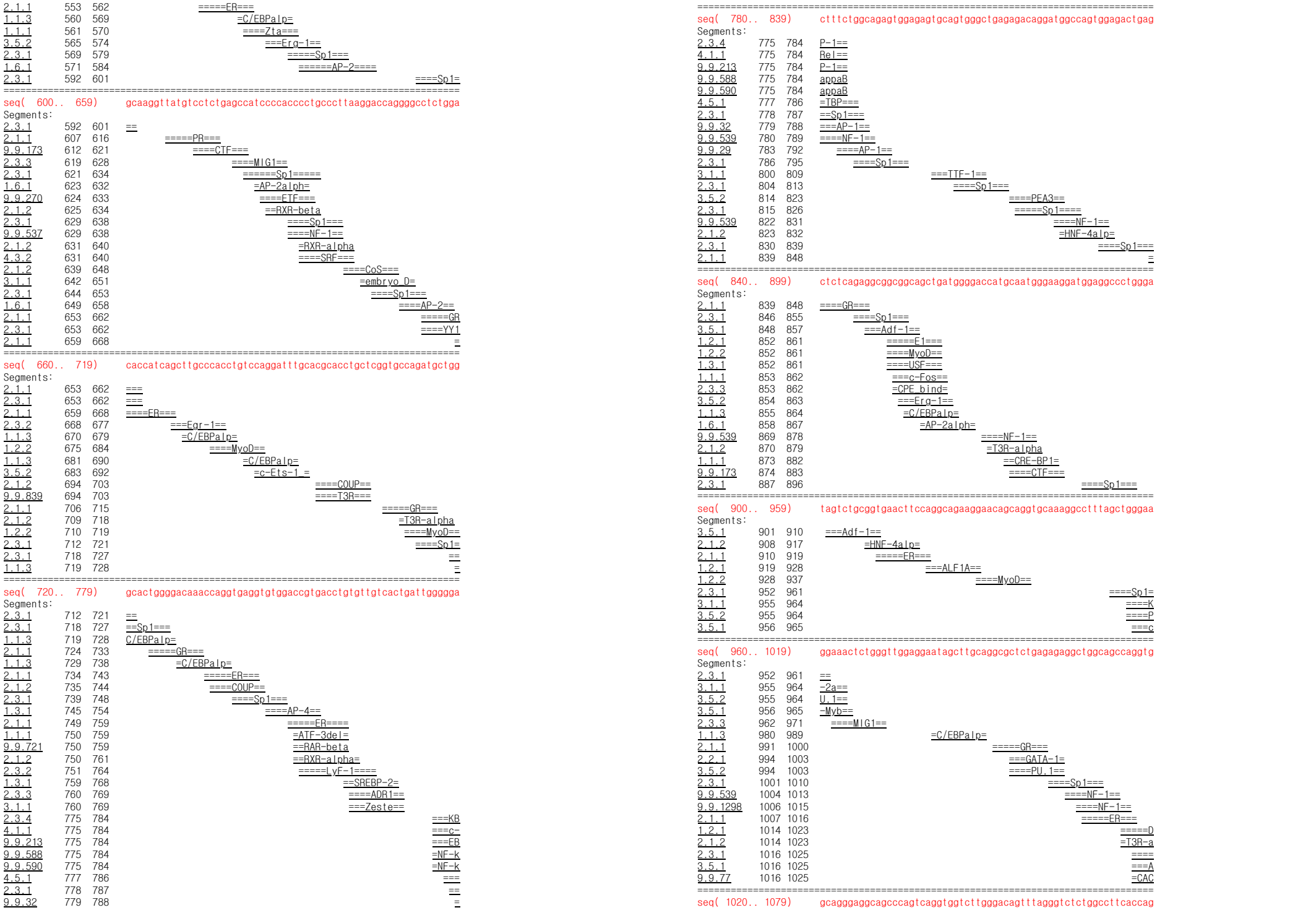
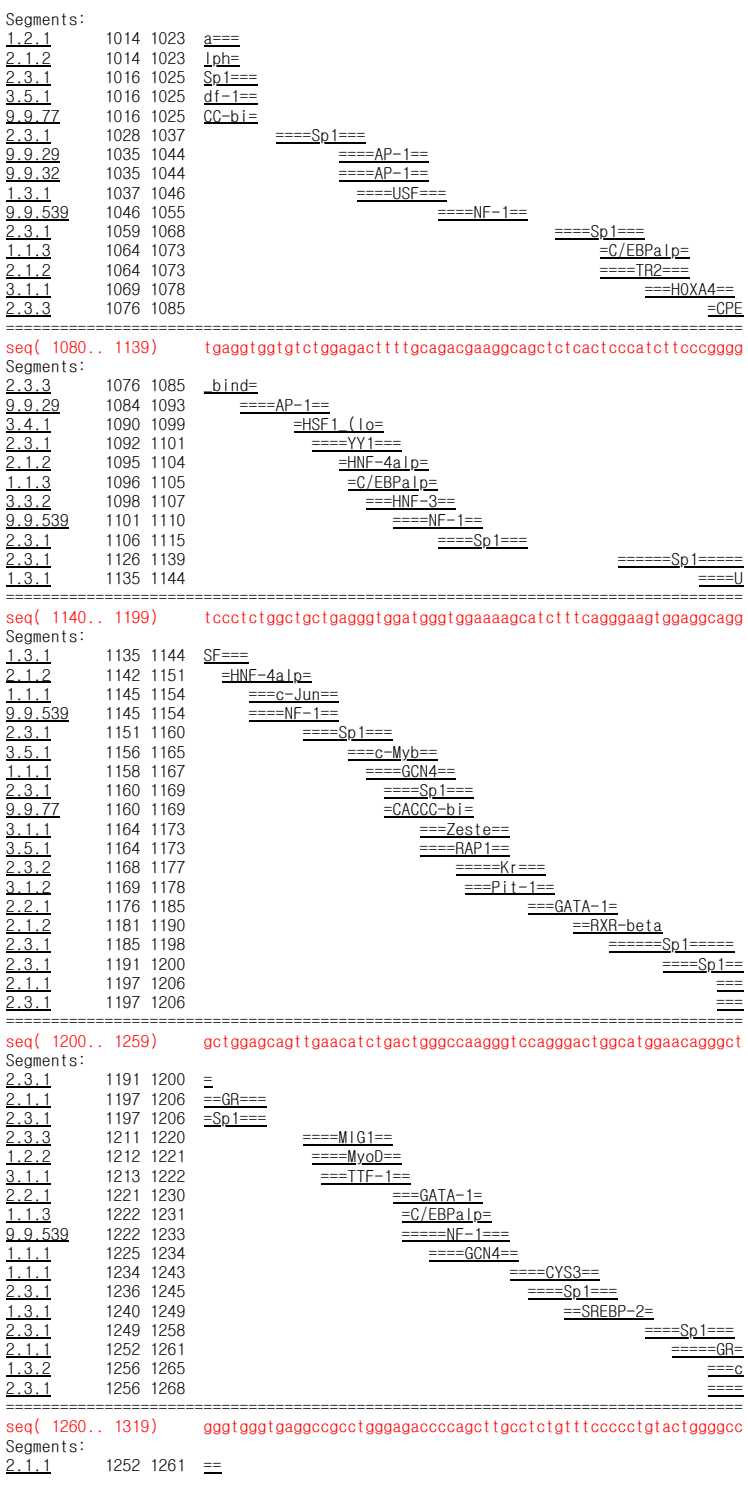
AliBaba2.1 predicts the following sites in your sequence

Sequence NC_000008.11141390000-141392021Homosapienschromosome8GRCh38.p14PrimaryAssembly

```
================================================================================
seq(    0..   59)     ccttgtcctcttaggctcaggtgatcctcccacctcaatctccaagctgggactatagga
Segments:
1.3.1       16   25                    ====AP-4==
2.4.1       21   30                        ====p40x==
2.3.2       24   33                           ===LyF-1==
2.3.1       24   36                           ======Sp1====
1.1.3       33   42                                =C/EBPalp=
================================================================================
seq(   60..  119)     gcatgccaccatgactggctaatttttttatttttgtagagatagggtcccactatgtta
Segments:
1.1.3       64   73         =C/EBPalp=
4.4.1       67   76            =====E2===
1.1.1       73   82               ===Fra-2==
1.1.6       74   83               ===v-Jun==
3.1.2       74   83               ===Oct-1==
3.1.1       78   92                  ======PH02=====
9.9.379     79   88                  =HP1_site=
2.4.1       80   89                   ====GAL4==
3.1.2       81   90                   ===Pit-1a=
2.3.2       82   91                    =====Hb===
3.3.2       82   91                    ===HNF-3B=
4.5.1       82   93                    =====TBP====
1.1.3       85   94                       =C/EBPalp=
1.1.1       85   96                       =====NRL====
2.2.1       97  106                            ===GATA-1=
2.1.1      101  110                                =====GR===
2.1.1      113  122                                      =====ER
================================================================================
seq(  120..  179)     cctaggctggtcttgaattcctaggctcaagtgatcctcccgcctcagcctcccaaattg
Segments:
2.1.1      113  122   ===
1.6.1      123  132      =AP-2alph=
2.4.1      149  158                    ====GAL4==
2.3.1      154  165                        =====Sp1====
2.3.2      158  167                            ====BRF1==
2.3.1      161  171                            =====Sp1===
2.3.1      168  177                                ====Sp1===
3.1.1      171  180                                    ====K-2a=
1.1.1      178  187                                        ==
3.1.1      178  187                                        ==
================================================================================
seq(  180..  239)     ctgggattatagtgtgagtcactgtgcccggccttaagctaaacatttaaaaaataagaa
Segments:
3.1.1      171  180   =
1.1.1      178  187   CRE-BP1=
3.1.1      178  187   ==Ubx===
1.1.3      180  189   =C/EBPalp=
2.3.3      186  195         ====MIG1==
1.1.1      191  203             =====GCN4====
2.1.2      192  201              =RAR-alph=
3.1.1      193  202               ===HOXB8==
9.9.29     193  202               ====AP-1==
9.9.32     194  203                ====AP-1==
2.1.1      199  208                    =====ER===
2.3.1      199  208                    ====Sp1===
3.1.1      213  222                           ====Dfd===
2.4.1      219  228                               ====p40x==
3.1.1      219  228                               ====Ftz===
3.1.2      219  228                               ===Oct-1==
1.1.1      225  236                                   ===CRE-BP1==
4.5.1      226  235                                   ====TBP===
1.1.3      227  236                                    =C/EBPalp=
2.3.2      227  236                                    =====Hb===
3.1.1      227  236                                    ====PH02==
3.1.2      232  242                                        ===Pit-1
================================================================================
seq(  240..  299)     ttaaaatgcagccacagtgaaacgggaaggggctgcttttacaggtgctgaacttcccgg
Segments:
3.1.2      232  242   a==
3.1.2      240  249   ===Oct-1==
9.9.539    244  253      ====NF-1==
3.5.1      246  255        ===Adf-1==
2.3.3      252  261             ====ADR1==
1.1.3      256  265                =C/EBPgam=
2.3.1      263  272                    ====Sp1===
1.2.2      281  290                                ====MyoD==
1.1.1      287  296                                    =ATF-3del=
2.1.2      287  296                                    =RAR-alph=
1.1.3      299  308                                           =
================================================================================
seq(  300..  359)     caatagaagcatttaatgggaggttccctttttcctaggacctcaaagctggagtaccag
Segments:
1.1.3      299  308   C/EBPalp=
2.3.1      316  325              ====Sp1===
2.3.1      325  334                  ====Sp1===
2.3.2      325  334                  =====Kr===
3.5.2      326  335                   ===Elf-1==
2.1.2      336  347                       ==RAR-alpha=
2.1.1      338  347                        =====ER===
================================================================================
seq(  360..  419)     ggatgttgccttgaccttcccatgtgtggatttctgcttgaacacaccaagtacaggaca
Segments:
3.1.1      365  374         ====CDP===
2.1.2      367  380           ======CoS=====
2.1.1      370  379             =====GR===
1.3.1      378  389                  =====USF====
2.3.1      379  388                   ====Sp1===
1.2.2      391  400                        ===CeMyoD=
1.1.3      394  403                           =C/EBPbeta
2.1.1      395  404                           =====GR===
1.1.3      400  409                               =C/EBPalp=
2.1.1      410  423                                       =======ER=
================================================================================
seq(  420..  479)     ccctgtttagcagctaaacgtgggaattgcaccagctttactcccaacttgctgggcaat
Segments:
2.1.1      410  423   ====
1.1.1      435  444            ====ATF1==
1.2.8      439  448               ===Olf-1==
1.1.3      444  453                  =C/EBPbeta
3.1.1      444  453                  ===HNF-1==
1.2.2      446  455                   ====MyoD==
9.9.29     453  462                       ====AP-1==
1.1.3      469  481                                   ==C/EBPalph
2.3.1      470  479                                   ====Sp1===
2.3.2      472  481                                   =====Kr=
3.4.1      477  486                                   ===
================================================================================
seq(  480..  539)     cttcgggagttgctgaccttctctgtgtctcatcagcaaaacagggagaacactagctct
Segments:
1.1.3      469  481   a=
2.3.2      472  481   ==
3.4.1      477  486   =HSF===
2.1.2      489  501         ==RAR-alpha1=
2.1.1      492  501           =====ER===
3.1.2      495  504            ==N-Oct-4=
2.3.1      496  505             ====Sp1===
1.1.1      503  512                 ====Zta===
3.1.2      508  517                     ===Pit-1a=
9.9.29     508  517                     ====AP-1==
1.1.1      509  518                      ====CYS3==
1.1.1      509  519                      ===CRE-BP1=
2.1.1      517  526                           =====GR===
4.1.1      518  527                           =====DI===
2.1.1      525  534                                ======GR===
1.1.3      539  548                                       =
================================================================================
seq(  540..  599)     cccaacatgggctgtgtgaggaccaaatgagctgaggagcccagatttgaacccgggtct
Segments:
1.1.3      539  548   C/EBPalp=
1.3.1      544  553      ====USF===
2.3.1      548  557          ====Sp1===
```


2.1.1 553 562 =====ER===
1.1.3 560 569 =C/EBPalp=
1.1.1 561 570 ====Zta===
3.5.2 565 574 ===Erg-1==
2.3.1 569 579 =====Sp1===
1.6.1 571 584 ======AP-2====
2.3.1 592 601 ====Sp1=
seq(600.. 659) gcaaggttatgtcctctgagccatccccacccctgcccttaaggaccaggggcctctgga
Segments:
2.3.1 592 601 ==
2.1.1 607 616 =====PR===
9.9.173 612 621 ====CTF===
2.3.3 619 628 ====MIG1==
2.3.1 621 634 ======Sp1=====
1.6.1 623 632 =AP-2alph=
9.9.270 624 633 ====ETF===
2.1.2 625 634 ==RXR-beta
2.3.1 629 638 ====Sp1===
9.9.537 629 638 ====NF-1==
2.1.2 631 640 =RXR-alpha
4.3.2 631 640 ====SRF===
2.1.2 639 648 ====CoS===
3.1.1 642 651 =embryo_D=
2.3.1 644 653 ====Sp1===
1.6.1 649 658 ====AP-2==
2.1.1 653 662 =====GR
2.3.1 653 662 ====YY1
2.1.1 659 668 =
seq(660.. 719) caccatcagcttgcccacctgtccaggatttgcacgcacctgctcggtgccagatgctgg
Segments:
2.1.1 653 662 ===
2.3.1 653 662 ===
2.1.1 659 668 ====ER===
2.3.2 668 677 ===Egr-1==
1.1.3 670 679 =C/EBPalp=
1.2.2 675 684 ====MyoD==
1.1.3 681 690 =C/EBPalp=
3.5.2 683 692 =c-Ets-1 =
2.1.2 694 703 ====COUP==
9.9.839 694 703 ====T3R===
2.1.1 706 715 =====GR===
2.1.2 709 718 =T3R-alpha
1.2.2 710 719 ====MyoD==
2.3.1 712 721 ====Sp1=
2.3.1 718 727 ==
1.1.3 719 728 =
seq(720.. 779) gcactggggacaaaccaggtgaggtgtggaccgtgacctgtgttgtcactgattgggga
Segments:
2.3.1 712 721 ==
2.3.1 718 727 ==Sp1===
1.1.3 719 728 C/EBPalp=
2.1.1 724 733 =====GR===
1.1.3 729 738 =C/EBPalp=
2.1.1 734 743 =====ER===
2.1.2 735 744 ====COUP==
2.3.1 739 748 ====Sp1===
1.3.1 745 754 ====AP-4==
2.1.1 749 759 =====ER====
1.1.1 750 759 =ATF-3del=
9.9.721 750 759 ==RAR-beta
2.1.2 750 761 ==RXR-alpha=
2.3.2 751 764 =====LyF-1====
1.3.1 759 768 ==SREBP-2=
2.3.3 760 769 ====ADR1==
3.1.1 760 769 ===Zeste==
2.3.4 775 784 ===KB
4.1.1 775 784 ===c-
9.9.213 775 784 ===EB
9.9.588 775 784 =NF-k
9.9.590 775 784 =NF-k
4.5.1 777 786 ===
2.3.1 778 787 ==
9.9.32 779 788 =
seq(780.. 839) ctttctggcagagtggagagtgcagtgggctgagagacaggatggccagtggagactgag
Segments:
2.3.4 775 784 P-1==
4.1.1 775 784 Rel==
9.9.213 775 784 P-1==
9.9.588 775 784 appaB
9.9.590 775 784 appaB
4.5.1 777 786 =TBP===
2.3.1 778 787 ==Sp1===
9.9.32 779 788 ===AP-1==
9.9.539 780 789 ====NF-1==
9.9.29 783 792 ====AP-1==
2.3.1 786 795 ====Sp1===
3.1.1 800 809 ===TTF-1==
2.3.1 804 813 ====Sp1===
3.5.2 814 823 ====PEA3==
2.3.1 815 826 =====Sp1====
9.9.539 822 831 ====NF-1==
2.1.2 823 832 =HNF-4alp=
2.3.1 830 839 ====Sp1===
2.1.1 839 848 =
seq(840.. 899) ctctcagaggcggcggcagctgatggggaccatgcaatgggaaggatggaggccctggga
Segments:
2.1.1 839 848 ====GR===
2.3.1 846 855 =====Sp1===
3.5.1 848 857 ===Adf-1==
1.2.1 852 861 =====E1===
1.2.2 852 861 ====MyoD==
1.3.1 852 861 ====USF===
1.1.1 853 862 ===c-Fos==
2.3.3 853 862 =CPE_bind=
3.5.2 854 863 ===Erg-1==
1.1.3 855 864 =C/EBPalp=
1.6.1 858 867 =AP-2alph=
9.9.539 869 878 ====NF-1==
2.1.2 870 879 =T3R-alpha
1.1.1 873 882 ==CRE-BP1=
9.9.173 874 883 ====CTF===
2.3.1 887 896 ====Sp1===
seq(900.. 959) tagtctgcggtgaacttccaggcagaaggaacagcaggtgcaaaggcctttagctgggaa
Segments:
3.5.1 901 910 ===Adf-1==
2.1.2 908 917 =HNF-4alp=
2.1.1 910 919 =====ER===
1.2.1 919 928 ===ALF1A==
1.2.2 928 937 ====MyoD==
2.3.1 952 961 ====Sp1=
3.1.1 955 964 ====K
3.5.2 955 964 ====P
3.5.1 956 965 ===c
seq(960.. 1019) ggaaactctgggttggaggaatagcttgcaggcgctctgagagaggctggcagccaggtg
Segments:
2.3.1 952 961 ==
3.1.1 955 964 -2a==
3.5.2 955 964 U.1==
3.5.1 956 965 -Myb==
2.3.3 962 971 ====MIG1==
1.1.3 980 989 =C/EBPalp=
2.1.1 991 1000 =====GR===
2.2.1 994 1003 ===GATA-1=
3.5.2 994 1003 ====PU.1==
2.3.1 1001 1010 ====Sp1===
9.9.539 1004 1013 ====NF-1==
9.9.1298 1006 1015 ====NF-1==
2.1.1 1007 1016 =====ER===
1.2.1 1014 1023 =====D
2.1.2 1014 1023 =T3R-a
2.3.1 1016 1025 ====
3.5.1 1016 1025 ===A
9.9.77 1016 1025 =CAC
seq(1020.. 1079) gcagggaggcagcccagtcaggtggtcttgggacagtttagggtctctggccttcaccag


Segments:
1.2.1 1014 1023 a===
2.1.2 1014 1023 lph=
2.3.1 1016 1025 Sp1===
3.5.1 1016 1025 df-1==
9.9.77 1016 1025 CC-bi=
2.3.1 1028 1037 ====Sp1===
9.9.29 1035 1044 ====AP-1==
9.9.32 1035 1044 ====AP-1==
1.3.1 1037 1046 ====USF===
9.9.539 1046 1055 ====NF-1==
2.3.1 1059 1068 ====Sp1===
1.1.3 1064 1073 =C/EBPalp=
2.1.2 1064 1073 ====TR2===
3.1.1 1069 1078 ===HOXA4==
2.3.3 1076 1085 =CPE
seq(1080.. 1139) tgaggtggtgtctggagacttttgcagacgaaggcagctctcactcccatcttcccgggg
Segments:
2.3.3 1076 1085 bind=
9.9.29 1084 1093 ====AP-1==
3.4.1 1090 1099 =HSF1_(lo=
2.3.1 1092 1101 ====YY1===
2.1.2 1095 1104 =HNF-4alp=
1.1.3 1096 1105 =C/EBPalp=
3.3.2 1098 1107 ===HNF-3==
9.9.539 1101 1110 ====NF-1==
2.3.1 1106 1115 ====Sp1===
2.3.1 1126 1139 ======Sp1=====
1.3.1 1135 1144 ====U
seq(1140.. 1199) tccctctggctgctgagggtggatgggtggaaaagcatctttcagggaagtggaggcagg
Segments:
1.3.1 1135 1144 SF===
2.1.2 1142 1151 =HNF-4alp=
1.1.1 1145 1154 ===c-Jun==
9.9.539 1145 1154 ====NF-1==
2.3.1 1151 1160 ====Sp1===
3.5.1 1156 1165 ===c-Myb==
1.1.1 1158 1167 ====GCN4==
2.3.1 1160 1169 ====Sp1===
9.9.77 1160 1169 =CACCC-bi=
3.1.1 1164 1173 ===Zeste==
3.5.1 1164 1173 ====RAP1==
2.3.2 1168 1177 =====Kr===
3.1.2 1169 1178 ===Pit-1==
2.2.1 1176 1185 ===GATA-1=
2.1.2 1181 1190 ==RXR-beta
2.3.1 1185 1198 ======Sp1=====
2.3.1 1191 1200 ====Sp1==
2.1.1 1197 1206 ===
2.3.1 1197 1206 ===
seq(1200.. 1259) gctggagcagttgaacatctgactgggccaagggtccagggactggcatggaacagggct
Segments:
2.3.1 1191 1200 =
2.1.1 1197 1206 ==GR===
2.3.1 1197 1206 =Sp1===
2.3.3 1211 1220 ====MIG1==
1.2.2 1212 1221 ====MyoD==
3.1.1 1213 1222 ===TTF-1==
2.2.1 1221 1230 ===GATA-1=
1.1.3 1222 1231 =C/EBPalp=
9.9.539 1222 1233 =====NF-1===
1.1.1 1225 1234 ====GCN4==
1.1.1 1234 1243 ====CYS3==
2.3.1 1236 1245 ====Sp1===
1.3.1 1240 1249 ==SREBP-2=
2.3.1 1249 1258 ====Sp1===
2.1.1 1252 1261 =====GR=
1.3.2 1256 1265 ===c
2.3.1 1256 1268 ====
seq(1260.. 1319) gggtgggtgaggccgcctgggagaccccagcttgcctctgtttccccctgtactggggcc
Segments:
2.1.1 1252 1261 ==
1.3.2 1256 1265 -Myc==
2.3.1 1256 1268 ==Sp1====
1.1.1 1261 1270 ===c-Fos==
2.3.1 1262 1271 ====Sp1===
3.1.1 1262 1271 ===HiNF-B=
9.9.77 1262 1271 =CACCC-bi=
1.2.8 1264 1273 ====Id3===
1.3.1 1264 1273 ====USF===
2.3.1 1273 1282 ====Sp1===
2.3.2 1274 1283 ===LyF-1==
1.2.8 1275 1284 ===Olf-1==
1.3.1 1278 1287 ====USF===
4.1.1 1278 1287 =====DI===
1.6.1 1279 1288 =AP-2alph=
2.1.1 1282 1291 =====GR===
2.1.2 1282 1291 ====T3R===
1.2.6 1284 1293 =dioxin_r=
2.3.1 1284 1293 ====Sp1===
1.6.1 1299 1308 =AP-2alph=
1.1.3 1300 1309 ===C/EBP==
9.9.213 1301 1310 ===EBP-1==
1.1.3 1308 1317 =C/EBPalp=
1.6.1 1313 1322 =AP-2al
1.2.2 1316 1325 ==my
2.3.1 1316 1325 ====
seq(1320.. 1379) tcctgcgtgaaccagcactggtttttccagtaactggagccacaagcctccctaggaacg
Segments:
1.6.1 1313 1322 ph=
1.2.2 1316 1325 ogenin
2.3.1 1316 1325 Sp1===
4.4.1 1331 1340 =====E2===
2.3.2 1336 1345 ====SWI5==
3.1.1 1336 1345 =embryo_D=
4.1.1 1338 1347 =====DI===
1.1.3 1339 1348 =C/EBPalp=
1.1.3 1346 1355 =C/EBPalp=
1.1.1 1357 1366 ====Zta===
1.1.1 1379 1388 =
seq(1380.. 1439) gctgacccataagaggacgtcctcaaggtccccaagggctagaggctgagatgccgcctt
Segments:
1.1.1 1379 1388 ==c-Jun==
4.5.1 1386 1395 ====TBP===
1.1.3 1388 1397 =C/EBPalp=
2.1.1 1391 1404 =======GR=====
1.6.1 1395 1404 =AP-2alph=
1.2.8 1407 1416 ===Olf-1==
2.3.1 1409 1418 ====Sp1===
2.3.1 1420 1429 ====Sp1===
9.9.301 1421 1430 =GAGA_fac=
1.6.1 1438 1447 =A
seq(1440.. 1499) cgcctgggcgggcctcgcagcctggaggcaggcggtggtgcagctcgggcaggccccgtc
Segments:
1.6.1 1438 1447 P-2alph=
1.3.2 1441 1450 ===N-Myc==
2.3.1 1441 1455 =======Sp1=====
2.3.2 1445 1454 ====WT1===
2.3.1 1463 1474 =====Sp1====
3.5.2 1469 1478 ===Elk-1==
2.3.1 1470 1479 ====Sp1===
2.3.1 1486 1495 ====Sp1===
2.3.1 1493 1502 ====Sp1
2.3.2 1493 1502 ==Ttk_8
2.3.1 1499 1513 =
seq(1500.. 1559) cacacgcctccccgctcttctgagcaccacgcgtcccgtgggctccctacccgtcctgat
Segments:
2.3.1 1493 1502 ===
2.3.2 1493 1502 BK=
2.3.1 1499 1513 ======Sp1=====
2.3.1 1505 1516 =====Sp1====
2.3.1 1536 1545 ====Sp1===
2.3.1 1546 1555 ====Sp1===

```
seq( 1560.. 1619)     aacacggcggtccgggggcctcgaagccggtctgaccccaagtacccgggccaggcggct
Segments:
2.3.1       1568 1577          ====Sp1===
3.5.2       1582 1591                    =c-Ets-1_=
2.1.1       1597 1606                              =====GR===
3.5.1       1603 1612                                   ====REB1==
9.9.537     1605 1614                                     ====NF-1==
2.3.1       1605 1616                                     =====Sp1====
1.3.1       1607 1616                                      ====USF===
1.1.1       1614 1623                                                ====Nr
3.5.1       1616 1625                                                  ===A
================================================================================
seq( 1620.. 1679)     gccgtcttgtcgccccagcccatcccctcagccagcccgcctggcggcacgggacctagc
Segments:
1.1.1       1614 1623  f1==
3.5.1       1616 1625  df-1==
2.3.1       1624 1633      ====Sp1===
2.3.2       1630 1639           ===Egr-1==
2.3.1       1630 1641           =====Sp1====
1.6.1       1631 1640            =AP-2alph=
9.9.539     1631 1641            ====NF-1===
2.3.1       1637 1647                 =====Sp1===
2.3.3       1640 1649                    =CPE_bind=
2.3.1       1646 1660                         =======Sp1=====
2.3.1       1652 1664                               ======Sp1====
1.3.2       1655 1664                                  ====E2F===
2.3.1       1674 1683                                                ====Sp
================================================================================
seq( 1680.. 1739)     cccagtcgacttagggggaaactgagaactccagaagtttcgtgaactccctggcttcgt
Segments:
2.3.1       1674 1683  1===
3.5.1       1682 1691    ===Adf-1==
1.6.1       1692 1701             =AP-2alph=
1.1.1       1697 1706                  ===v-Fos==
1.1.3       1697 1706                  ===C/EBP==
2.3.1       1707 1716                       ====YY1===
3.4.1       1709 1720                         =HSE-bindin=
2.3.1       1725 1734                                     ====Sp1===
================================================================================
seq( 1740.. 1799)     ccgcatcccgccctctgcctcttcgctcgggcttcaaaactgcccctccgacgcccgcct
Segments:
2.3.1       1742 1755    ======Sp1=====
1.3.1       1744 1753      ====USF===
2.3.2       1746 1755        ==Krox-20=
2.3.1       1750 1759          ====Sp1===
2.3.1       1767 1776                   ====YY1===
2.3.1       1782 1791                               ====Sp1===
2.3.1       1794 1806                                         ======
2.3.3       1797 1806                                           =CP
1.3.1       1799 1808                                             =
================================================================================
seq( 1800.. 1859)     gccccaggccgacctggcctaggcgcccggcaggcacaggagccaaggtcagtccccgag
Segments:
2.3.1       1794 1806  Sp1====
2.3.3       1797 1806  E_bind=
1.3.1       1799 1808  ===USF===
1.3.2       1800 1809  ===c-Myc==
1.6.1       1800 1809  =AP-2alph=
2.3.1       1801 1810   ====Sp1===
2.1.2       1810 1819        ==RXR-beta
2.3.1       1815 1824             ====Sp1===
3.1.1       1816 1825              ===HOXD11=
9.9.173     1818 1827                ====CTF===
2.3.1       1821 1830                   ====Sp1===
9.9.537     1821 1830                   ====NF-1==
1.6.1       1825 1834                       =AP-2alph=
1.2.2       1841 1850                                 ==myogenin
2.1.1       1841 1853                                 ======ER=====
2.1.2       1845 1854                                     =RAR-alph=
2.3.2       1845 1854                                     =====Kr===
1.6.1       1850 1859                                         =AP-2alph=
2.3.1       1855 1869                                                 =====
================================================================================
seq( 1860.. 1919)     gccgcccgcgcgaccggagccgcctcctcccagcccaggggcggcctcgggggcggcggg
Segments:
2.3.1       1855 1869  ==Sp1=====
2.3.2       1860 1869  ====WT1===
9.9.270     1861 1870   ====ETF===
3.5.1       1865 1874      ===c-Myb==
9.9.539     1871 1880           ====NF-1==
9.9.726     1874 1883             =represso=
2.3.1       1876 1890               =======Sp1=====
2.3.2       1878 1887                ====WT1===
2.3.1       1882 1891                    ====Sp1===
9.9.76      1883 1892                    =CAC-bind=
9.9.539     1889 1898                         ====NF-1==
1.1.1       1890 1899                         ====CYS3==
2.3.1       1892 1905                           ======Sp1=====
3.1.2       1902 1911                                  ===Oct-1==
2.3.1       1906 1919                                       ======Sp1=====
2.3.2       1908 1917                                        ====WT1===
1.6.1       1911 1920                                          =AP-2alph
1.4.1       1919 1928                                                  =
================================================================================
seq( 1920.. 1979)     cgcgcggccgcggcgtggggagcgctcccattgggccgtgcccccacgtgacccagcggg
Segments:
1.6.1       1911 1920  =
1.4.1       1919 1928  NF-kappa=
3.5.1       1922 1931    ===c-Myb==
2.3.1       1929 1943         =======Sp1=====
1.6.1       1933 1942              ====AP-2==
9.9.233     1944 1953                   ====EFI===
4.3.2       1948 1957                   ====SRF===
2.3.1       1952 1961                      ====Sp1===
2.3.1       1960 1969                         ====Sp1===
1.1.3       1962 1971                          =C/EBPalp=
1.3.1       1963 1972                           ====USF===
1.3.2       1963 1972                           ===v-Myc==
2.3.2       1965 1974                            ===CF2-II=
1.1.1       1967 1976                              ===c-Jun==
2.1.1       1967 1976                              =====ER===
2.3.1       1975 1986                                   =====
================================================================================
seq( 1980.. 2039)     tccggcgcgcgccctaagccggtggagccgcggccgcgcctg
Segments:
2.3.1       1975 1986  Sp1====
9.9.539     1990 1999       ====NF-1==
2.3.1       2000 2009            ====Sp1===
3.5.1       2007 2016                ===c-Myb==
2.3.1       2008 2019                 =====Sp1====
2.3.2       2010 2019                   ==Krox-20=

403 segments in this sequence identified as potential binding sites

--------------------------------------------------------------------------------

403 segments in complete file identified as potential binding sites

--------------------------------------------------------------------------------
```