

#1  $p=4, N=12$ 

1)	자유도	제곱합	평균제곱	F-통계량
처리	$4-1=3$	1.9788	0.6596	31.1868
오차	$12-4=8$	0.1692	0.02115	
전체	$12-1=11$	2.148		

	$A_1$	$A_2$	$A_3$	$A_4$
합	25.08	26.1	28.44	26.58
평균	8.36	8.7	9.48	8.86

$$SSR = (25.08^2 + 26.1^2 + 28.44^2 + 26.58^2) / 3 - (25.08 + 26.1 + 28.44 + 26.58)^2 / 12$$

$$= 941.8488 - 939.87 = 1.9788$$

$$TSS = (8.44^2 + 8.59^2 + \dots + 8.74^2) - (25.08 + 26.1 + 28.44 + 26.58)^2 / 12$$

$$= 942.018 - 939.87 = 2.148$$

$$SSE = TSS - SSR = 0.1692$$

$$MSTR = SSR / 3 = 0.6596$$

$$MSE = SSE / 8 = 0.02115$$

$$F = MSTR / MSE = 31.1868$$

$$2) H_0: \sigma_1^2 = \sigma_2^2 = \sigma_3^2 = \sigma_4^2 \quad (A_1 \text{의 불산 } \sigma_1^2, A_2 \text{의 불산 } \sigma_2^2, \dots \text{ 각각할때})$$

$$H_1: \text{not } H_0$$

$$F = 31.1868 > F_{0.05, 3, 8} = 4.07 \text{ 이므로 귀무가설 기각}$$

따라서 5% 유의수준에서 반응온도에 따른 강도의 변화가 있다고 할 수 있다

3) ① 최소유의차

$$|\bar{y}_i - \bar{y}_j| > t_{\frac{0.05}{2}, 8} \times \sqrt{MSE} \sqrt{\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j}} \text{ 이면 이 쌍의 차이는 유의함}$$

$$= 2.306 \times \sqrt{0.02115} \sqrt{\frac{1}{3} + \frac{1}{3}} = 0.273$$

② Bonferroni

$$|\bar{y}_i - \bar{y}_j| > t_{\frac{0.025}{6}, 8} \times \sqrt{MSE} \sqrt{\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j}} \text{ 이면 이 쌍의 차이는 유의함}$$

$$= 3.479 \times \sqrt{0.02115} \sqrt{\frac{1}{3} + \frac{1}{3}} = 0.413$$

③ Scheffe

$$|\bar{y}_i - \bar{y}_j| > \sqrt{3 \times F_{0.05, 3, 8}} \times \sqrt{MSE} \sqrt{\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j}} \text{ 이면 이 쌍의 차이는 유의함}$$

$$= 4.066 \times \sqrt{0.02115} \sqrt{\frac{1}{3} + \frac{1}{3}} = 0.483$$

④ Tukey

$$|\bar{y}_i - \bar{y}_j| > (q(0.05, 4, 8)/\sqrt{2}) \times \sqrt{MSE} \sqrt{\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j}} \text{ 이면 이 쌍의 차이는 유의함}$$

$$= (4.57/\sqrt{2}) \times \sqrt{0.02115} \sqrt{\frac{1}{3} + \frac{1}{3}} = 0.380$$

0은 차이가 있음을 의미

종류	평균	종류	평균	차이	최소유의차	Bonferroni	Scheffe	Tukey
1	8.76	2	8.7	0.74	0	X	X	X
		3	9.48	1.12	0	0	0	0
		4	8.86	0.5	0	0	0	0
2	8.7	3	9.48	0.78	0	0	0	0
		4	8.86	0.16	X	X	X	X
3	9.48	4	8.86	0.62	0	0	0	0

1    2    3    4

따라서 최소유의차

a    b    c    b

Bonferroni

a    ac    b    c

Scheffe

a    ac    b    c

Tukey

a    ac    b    c

와 같은 방법으로 그룹화할 수 있다.

각각 다른 기호는 서로 유의함을 의미한다. 2/6



→ 데이터 입력

```
> rat <- scan(what=list(1,0.1))
1: 1 8.44 1 8.36 1 8.28
4: 2 8.59 2 8.91 2 8.60
7: 3 9.36 3 9.41 3 9.69
10: 4 8.92 4 8.92 4 8.74
13:
Read 12 records
> names(rat) <- c("temp", "str")
> rat <- data.frame(rat)
> attach(rat)
> temp <- as.factor(temp)
>
> pairwise.t.test(str,temp,p.adj="none")
```

Pairwise comparisons using t tests with pooled SD

data: str and temp

	1	2	3
2	0.01960 -	-	
3	1.1e-05 0.00015 -		
4	0.00269 0.20814 0.00068		

$\alpha = 0.05$  보다 작으면 경우  
차이가 유의함

P value adjustment method: none

```
> pairwise.t.test(str,temp,p.adj="bonf")
```

→ 볼테르니

Pairwise comparisons using t tests with pooled SD

data: str and temp

	1	2	3
2	0.11762 -	-	
3	6.7e-05 0.00089 -		
4	0.01615 1.00000 0.00405		

$\alpha = 0.05$  보다 작으면 경우  
차이가 유의함

P value adjustment method: bonferroni

```
> result <- aov(str~temp, data=rat)
```

```
> TukeyHSD(result)
```

→ Tukey

Tukey multiple comparisons of means  
95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = str ~ temp, data = rat)

	diff	lwr	upr	p adj
2-1	0.3400000	-0.03421721	0.7142172	0.0755830
3-1	1.1266667	0.75244946	1.5008839	0.0000518
4-1	0.5000000	0.12578279	0.8742172	0.0115108
3-2	0.7866667	0.41244946	1.1608839	0.0006721
4-2	0.1600000	-0.21421721	0.5342172	0.5496123
4-3	-0.6266667	-1.00088388	-0.2524495	0.0029968

이유  $\alpha = 0.05$  보다 작으면 경우  
차이가 유의함

```
> library(agricolae)
> df <- result$df.residual
> mse <- sum(result$residuals^2)/df
> print(LSD.test(str,temp,df,mse)) → LSD
```

```
$statistics
      MSerror Df      Mean      CV t.value      LSD
0.02048333  8 8.851667 1.616871 2.306004 0.2694727

$parameters
      test p.adjusted name.t ntr alpha
Fisher-LSD      none    temp   4  0.05

$means
      str      std r      LCL      UCL Min Max  Q25  Q50  Q75
1 8.360000 0.0800000 3 8.169454 8.550546 8.28 8.44 8.320 8.36 8.400
2 8.700000 0.1819341 3 8.509454 8.890546 8.59 8.91 8.595 8.60 8.755
3 9.486667 0.1778576 3 9.296121 9.677213 9.36 9.69 9.385 9.41 9.550
4 8.860000 0.1039230 3 8.669454 9.050546 8.74 8.92 8.830 8.92 8.920
```

```
$comparison
NULL
```

```
$groups
      str groups
3 9.486667      a
4 8.860000      b
2 8.700000      b
1 8.360000      c
```

→ (1,2), (1,3), (1,4) 의 차이가 유의함  
(2,3)  
(3,4)

```
attr("class")
[1] "group"
```

```
> print(scheffe.test(str,temp,df,mse)) → scheffe
```

```
$statistics
      MSerror Df      F      Mean      CV Scheffe CriticalDifference
0.02048333  8 4.066181 8.851667 1.616871 3.492641      0.4081395
```

```
$parameters
      test name.t ntr alpha
Scheffe    temp   4  0.05
```

```
$means
      str      std r Min Max  Q25  Q50  Q75
1 8.360000 0.0800000 3 8.28 8.44 8.320 8.36 8.400
2 8.700000 0.1819341 3 8.59 8.91 8.595 8.60 8.755
3 9.486667 0.1778576 3 9.36 9.69 9.385 9.41 9.550
4 8.860000 0.1039230 3 8.74 8.92 8.830 8.92 8.920
```

```
$comparison
NULL
```

```
$groups
      str groups
3 9.486667      a
4 8.860000      b
2 8.700000     bc
1 8.360000      c
```

(1,3), (1,4) 의 차이가 유의함  
(2,3)  
(3,4)

```
attr("class")
[1] "group"
> |
```

4/5

4) 잔차  $e_{13} = y_{13} - \bar{y}_{.1} = 8.28 - 8.36 = -0.08$

studentized 잔차

$$e_{13} = \frac{n_1 - 1}{n_1} y_{13} - \frac{1}{n_1} \sum_{k \neq 3} y_{1k} = \frac{3-1}{3} \times 8.28 - \frac{1}{3} (8.44 + 8.36)$$

$$= -0.08$$

#2

처치-대조비교: 대조(호수1)와 처치(호수2, 호수3)를 등-서 비교

$H_0$ : 동쪽호수와 서쪽호수의 산소량의 차이가 없다

$H_1$ : not  $H_0$

Dunnett 방법

$$: |\bar{y}_c - \bar{y}_i| > t'(\alpha, p-1, N-p) \sqrt{MSE} \sqrt{1/n_c + 1/n_i} \text{ 이 차이가 유의함} \rightarrow H_0 \text{ 기각가능}$$

종류	평균	종류	평균	차이	Dunnett t
1	2.2	2	4.6	2.4	X
		3	21.1	18.9	0

따라서 동쪽호수와 서쪽호수 2와는 산소량에 차이가 없고

서쪽호수 3과는 산소량에 차이가 있다고 할 수 있다.

데이터  
입력

```
> rat <- scan(what=list(1,1))
1: 1 0 1 2 1 1 1 3 1 1 1 2 1 3 1 4 1 1 1 5
11: 2 1 2 3 2 4 2 6 2 8 2 7 2 5 2 3 2 4 2 5
21: 3 14 3 26 3 25 3 18 3 19 3 22 3 21 3 16 3 20 3 30
31:
Read 30 records
> names(rat) <- c("lake", "ox")
> rat <- data.frame(rat)
> rat$lake <- as.factor(rat$lake)
> attach(rat)
> library(DescTools)
> DunnettTest(x=rat$ox, g=rat$lake)
```

Dunnett's test for comparing several treatments with a control :  
95% family-wise confidence level

```
$`1`
      diff      lwr.ci      upr.ci      pval
2-1   2.4 -0.9057288   5.705729   0.1767
3-1  18.9 15.5942712  22.205729 4.2e-13 ***
```

$\alpha = 0.05$  보다 작은 경우  
차이가 유의함

```
---
Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

> |
```



#3

$$\begin{cases} H_0: \sigma_A^2 = \sigma_B^2 \\ H_1: \sigma_A^2 \neq \sigma_B^2 \end{cases}$$

검정통계량  $H^* = \frac{\max(S_i^2)}{\min(S_i^2)} \sim H(p, n-1)$  이므로 계산하면

$$S_A^2 = \frac{1}{6-1} \left( \sum x_i^2 - \frac{1}{n} (\sum x_i)^2 \right) = 1.1$$

$$S_B^2 = \frac{1}{6-1} \left( \sum x_i^2 - \frac{1}{n} (\sum x_i)^2 \right) = 15.7667$$

$$H = \frac{15.7667}{1.1} = 14.3333 > H(2, 4) = 7.15 \text{ 이므로 } H_0 \text{ 기각}$$

따라서 A와 B는 등분산이라고 할 수 없다.