

第四章 串、数组和 广义表

- 第2章 线性表
- 第3章 栈和队列
- 第4章 串、数组和广义表

线性结构

可表示为: (a_1, a_2, \dots, a_n)

教学目标

1. 理解串的存储方法，理解串的两种模式匹配算法，重点掌握BF算法。
2. 明确数组和广义表这两种数据结构的特点，掌握数组地址计算方法，了解几种特殊矩阵的压缩存储方法。
3. 掌握广义表的定义、性质及其GetHead和GetTail的操作。

第4章 串、数组和广义表



教学内容

4.1 串

4.2 数组

4.3 广义表

4.1 串



串 (String) ---- 零个或多个字符组成的有限序列

$$s = 'a_1 a_2 \cdots a_n'$$

串名

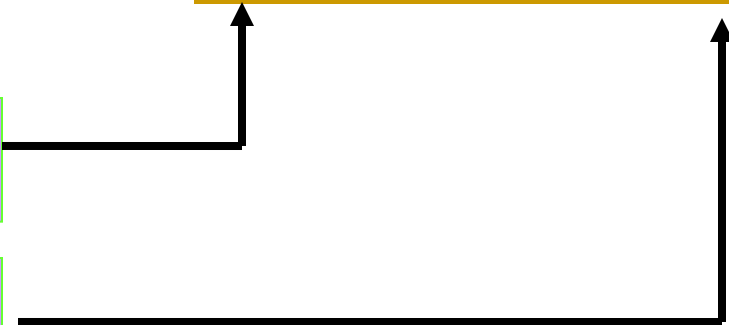
串值

串长

n

空串

$n=0$



a='BEI',
b='JING',
c='BEIJING',
d='BEI JING'

子串

主串

字符位置

子串位置

串相等

空格串

案例引入



案例4.1：病毒感染检测

研究者将人的DNA和病毒DNA均表示成由一些字母组成的字符串序列。

然后检测某种病毒DNA序列是否在患者的DNA序列中出现过，如果出现过，则此人感染了该病毒，否则没有感染。

例如，假设病毒的DNA序列为baa，患者1的DNA序列为aaabbba，则感染，患者2的DNA序列为babbbba，则未感染。

（注意，人的DNA序列是线性的，而病毒的DNA序列是**环状的**）

病毒感染检测输入数据.txt - 记事本

文件(F) 编辑(E) 格式(O) 查看(V)

```
10
baa      bbaabbba
baa      aaabbbba
aabb     abceaabb
aabb     abaabcea
abcd     cdabbbab
abcd     cabbbbab
abcde    bcdebdba
acc       bdedbcda
cde       cdcdcdcc
cced      cdccdcce
```

病毒感染检测输出结果.txt - 记事本

文件(F) 编辑(E) 格式(O) 查看(V) 帮助(H)

```
baa      bbaabbba      YES
baa      aaabbbba      YES
aabb     abceaabb      YES
aabb     abaabcea      YES
abcd     cdabbbab      YES
abcd     cabbbbab      NO
abcde    bcdebdba      NO
acc       bdedbcda      NO
cde       cdcdcdcc      YES
cced      cdccdcce      YES
```


串的类型定义、存储结构及运算



ADT String {

数据对象: $D = \{a_i \mid a_i \in \text{CharacterSet}, i = 1, 2, \dots, n, n \geq 0\}$

数据关系: $R_1 = \{ \langle a_{i-1}, a_i \rangle \mid a_{i-1}, a_i \in D, i = 1, 2, \dots, n \}$

基本操作:

- | | |
|--------------------------|-------|
| (1) StrAssign (&T,chars) | //串赋值 |
| (2) StrCompare (S,T) | //串比较 |
| (3) StrLength (S) | //求串长 |
| (4) Concat(&T,S1,S2) | //串联 |

- | | |
|--|----------------|
| (5) SubString(&Sub,S,pos,len) | //求子串 |
| (6) StrCopy(&T,S) | //串拷贝 |
| (7) StrEmpty(S) | //串判空 |
| (8) ClearString (&S) | //清空串 |
| (9) Index(S,T,pos) | //子串的位置 |
| (11) Replace(&S,T,V) | //串替换 |
| (12) StrInsert(&S,pos,T) | //子串插入 |
| (12) StrDelete(&S,pos,len) | //子串删除 |
| (13) DestroyString(&S) | //串销毁 |

}ADT String

串的存储结构

● 顺序存储

● 链式存储

顺序存储表示

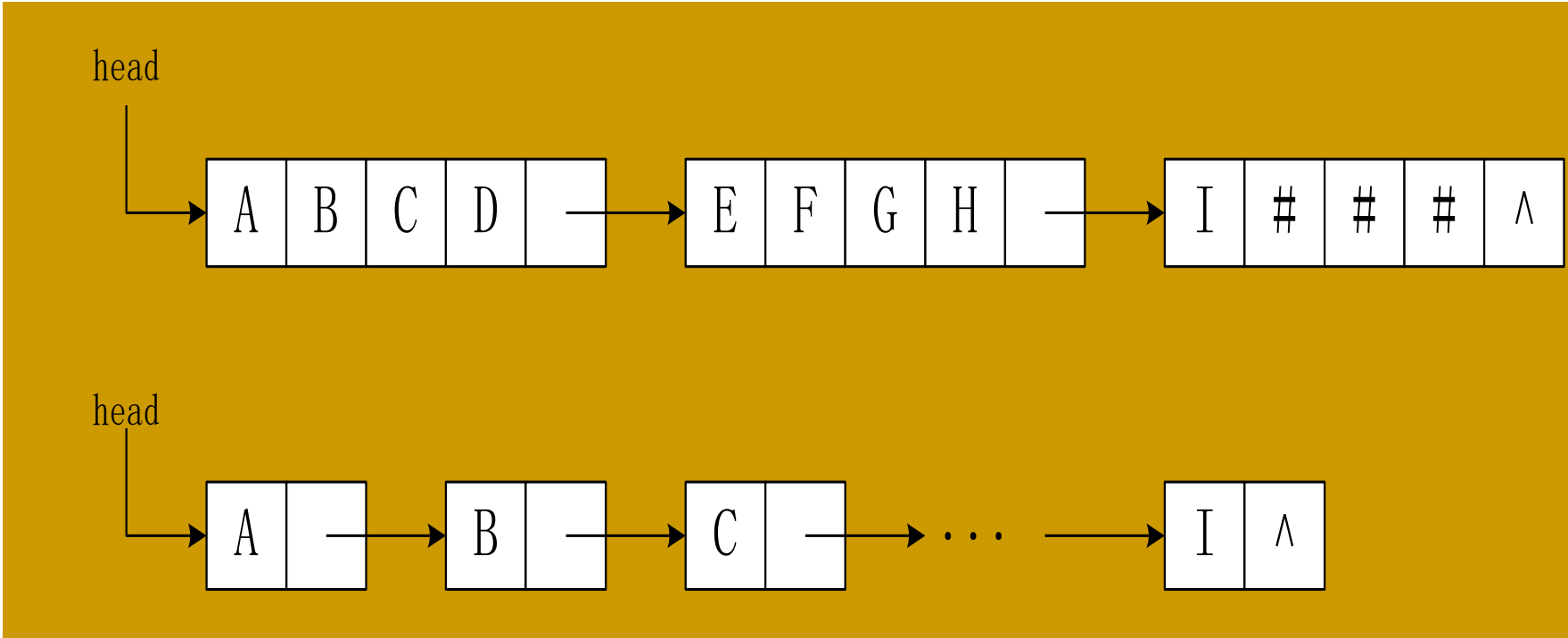
```
typedef struct {
```

```
    char *ch;           //若串非空, 则按串长分配存储区,  
                        //否则ch为NULL
```

```
    int  length;        //串长度
```

```
} HString;
```

链式存储表示



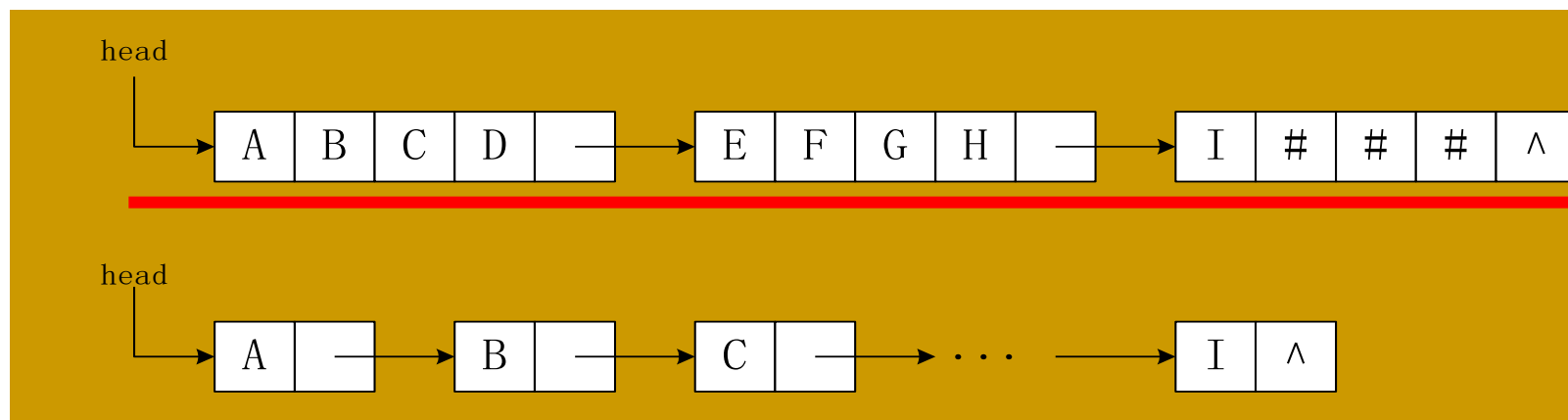
链式存储表示

优点：操作方便

缺点：存储密度较低

$$\text{存储密度} = \frac{\text{串值所占的存储位}}{\text{实际分配的存储位}}$$

可将多个字符存放在一个结点中，以克服其缺点



块链式存储表示

#define CHUNKSIZE 80 //可由用户定义的块大小

```
typedef struct Chunk{  
    char ch[CHUNKSIZE];  
    struct Chunk *next;  
}Chunk;
```

```
typedef struct{  
    Chunk *head,*tail;    //串的头指针和尾指针  
    int curlen;            //串当前长度  
}LString;
```

串的模式匹配算法

算法目的：

确定主串中所含子串第一次出现的位置（定位）
即如何实现教材P79 **Index(S,T,pos)**函数

算法种类：

- **BF算法**（又称古典的、经典的、朴素的、穷举的）
- **KMP算法**（特点：速度快）

i



S : a b a b c a b c a c b a b

T : a b c

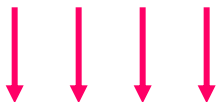
j



i 指针回溯

S : a b a b c a b c a c b a b

T : a b c



S : a b a b c a b c a c b a b

T : a b c

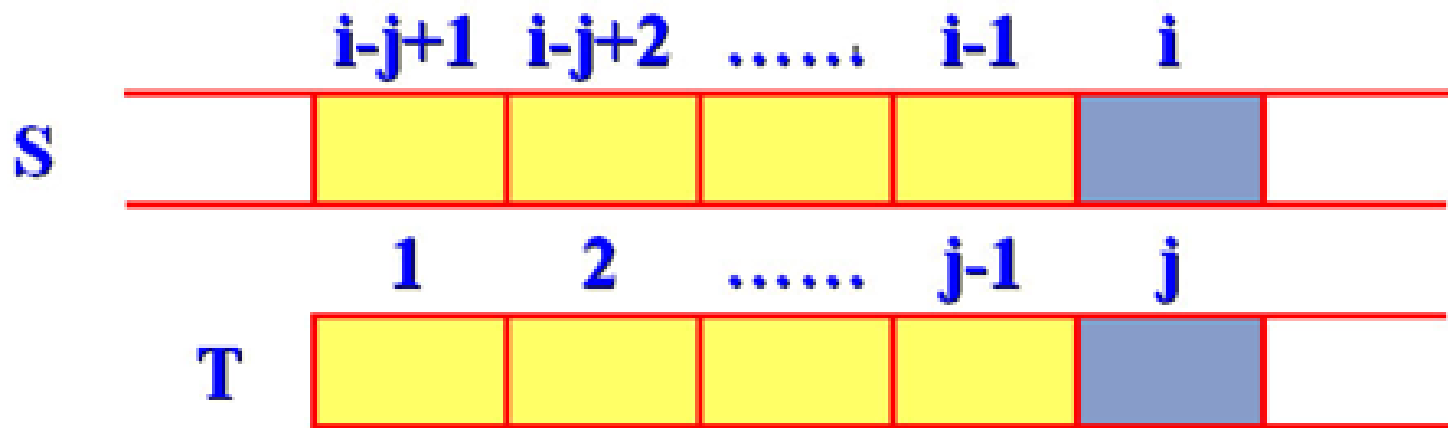


Index(S,T,pos)

- 将主串的第pos个字符和模式的第一个字符比较，
若相等，继续逐个比较后续字符；
若不等，从主串的下一字符起，重新与模式的第一个字符比较。
- 直到主串的一个连续子串字符序列与模式相等 。
返回值为S中与T匹配的子序列第一个字符的序号，
即匹配成功。
- 否则，匹配失败，返回值 0

BF算法描述（算法4.1）

```
int Index(Sstring S,Sstring T,int pos){  
    i=pos; j=1;  
    while (i<=S[ 0 ] && j <=T[ 0 ]){  
        if ( S[ i ]=T[ j ]){++i; ++j; }  
        else{ i=i-j+2 ; j=1; }  
        if ( j>T[ 0 ]) return i - T[0];  
        else return 0;  
    }  
}
```



BF算法时间复杂度

例： $S='00000000001'$, $T='0001'$, $pos=1$

若 n 为主串长度， m 为子串长度，最坏情况是

- ✓ 主串前面 $n-m$ 个位置都部分匹配到子串的最后一位，即这 $n-m$ 位各比较了 m 次
- ✓ 最后 m 位也各比较了 1 次

总次数为： $(n-m)*m+m=(n-m+1)*m$

若 $m \ll n$ ，则算法复杂度 $O(n*m)$

KMP (Knuth Morris Pratt) 算法

《计算机程序设计艺术 第1卷 基本算法》

《计算机程序设计艺术 第2卷 半数值算法》

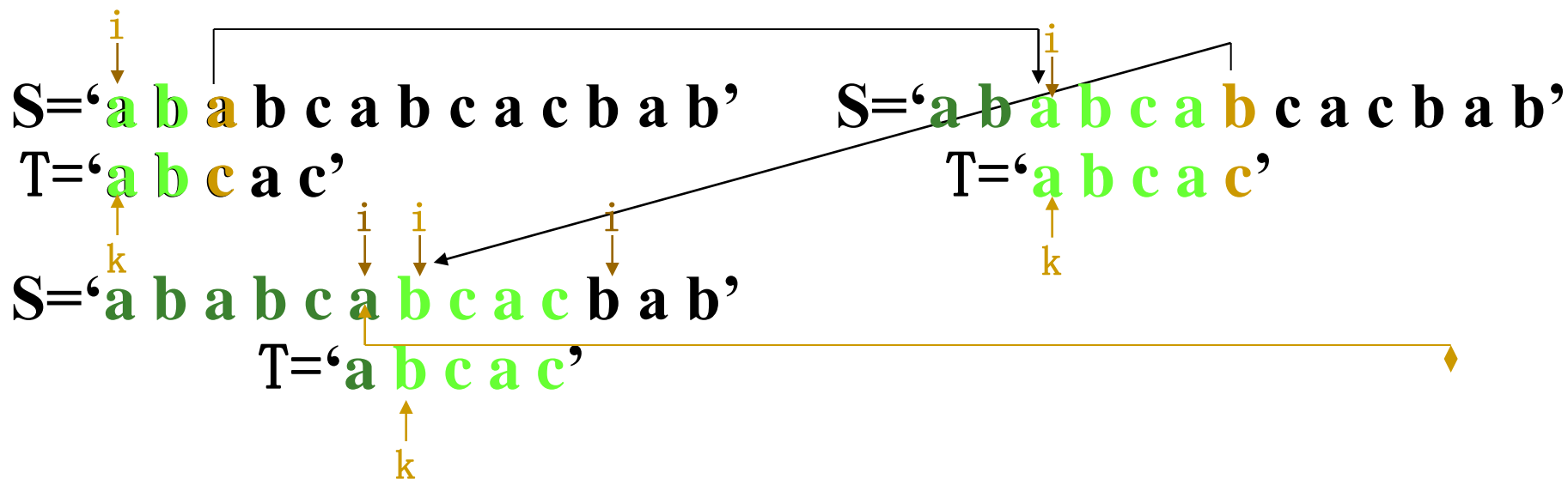
《计算机程序设计艺术 第3卷 排序与查找》

<http://www-cs-faculty.stanford.edu/~knuth/>



KMP算法设计思想

利用已经部分匹配的结果而加快模式串的滑动速度？
且主串S的指针*i*不必回溯！可提速到 $O(n+m)$ ！



第 1 次匹配

$s=abacaba$

$i=4$

|||
p=abab

$j=4$

失败

|
p=abab

$j=2$

因 $p_1 \neq p_2$, $s_2 = p_2$, 必有 $s_2 \neq p_1$, 又因 $p_1 = p_3$, $s_3 = p_3$, 所以必有 $s_3 = p_1$ 。因此, 第二次匹配可直接从 $i=4$, $j=2$ 开始。

改进：每趟匹配过程中出现字符比较不等时，不回溯主指针 i ，利用已得到的“部分匹配”结果将模式向右滑动尽可能远的一段距离，继续进行比较。

$$\begin{array}{ccccccc}
 s_1 & s_2 & s_3 & \cdots & s_{i-j+1} & s_{i-j+2} & \cdots s_{i-2} & s_{i-1} & s_i & s_{i+1} \\
 & & & & \parallel & \parallel & & \parallel & \parallel & \neq \\
 & & & & p_1 & p_2 & \cdots & p_{j-2} & p_{j-1} & p_j & p_{j+1} \\
 & & & & & & \parallel & & \parallel & & \\
 & & & & & & p_1 & \cdots & p_{k-1} & p_k & p_{k+1}
 \end{array}$$

① “ $p_1 p_2 \cdots p_{k-1}$ ” = “ $s_{i-k+1} s_{i-k+2} \cdots s_{i-1}$ ”

② “ $p_{j-k+1} p_{j-k+2} \cdots p_{j-1}$ ” = “ $s_{i-k+1} s_{i-k+2} \cdots s_{i-1}$ ” (部分匹配)

③ “ $p_1 p_2 \cdots p_{k-1}$ ” = “ $p_{j-k+1} p_{j-k+2} \cdots p_{j-1}$ ” (真子串)

为此,定义 $\text{next}[j]$ 函数,表明当模式中第 j 个字符与主串中相应字符“失配”时,在模式中需重新和主串中该字符进行比较的字符的位置。

$$\text{next}[j]=\begin{cases} \max\{k|1\leq k\leq j, \text{且 } "p_1\cdots p_{k-1}"="p_{j-k+1}\cdots p_{j-1}"\} & \text{当此集合非空时} \\ 0 & \text{当 } j=1 \text{ 时} \\ 1 & \text{其他情况} \end{cases}$$

```
int Index_KMP (SString S,SString T, int pos)
{
    i= pos,j =1;
    while (i<=S[0] && j<=T[0]) {
        if (j==0 || S[i]==T[j]) {  i++;j++;  }
        else
            j=next[j];           /*i不变,j后退*/
    }
    if (j>T[0]) return i-T[0]; /*匹配成功*/
    else return 0;             /*返回不匹配标志*/
}
```

- 如何求next函数值

1. $\text{next}[1] = 0$; 表明主串从下一字符 s_{i+1} 起和模式串重新开始匹配。 $i = i+1; j = 1$;

2. 设 $\text{next}[j] = k$, 则 $\text{next}[j+1] = ?$

① 若 $p_k = p_j$, 则有 “ $p_1 \cdots p_{k-1} p_k$ ” = “ $p_{j-k+1} \cdots p_{j-1} p_j$ ”, 说明 $\text{next}[j+1] = k+1 = \text{next}[j]+1$ 。

② 若 $p_k \neq p_j$, 可把求next值问题看成是一个模式匹配问题, 整个模式串既是主串, 又是子串。

$$\begin{array}{ccccccc}
 p_1 & p_2 & \cdots & p_{j-k+1} & \cdots & p_{j-1} & p_j & p_{j+1} & \text{next}[j]=k \\
 & & & \parallel & & \parallel & \neq & & \\
 & & & p_1 & \cdots & p_{k-1} & p_k & p_{k+1} & \text{next}[k]=k' \\
 & & & p_1 & \cdots & p_k & p_{k'+1} & \text{next}[k']=k'' \\
 & & & p_1 & \cdots & p_{k''} & p_{k''+1} & \text{next}[k'']=k'''
 \end{array}$$

- 若 $p_{k'}=p_j$ ，则有 “ $p_1 \cdots p_{k'}$ ” = “ $p_{j-k'+1} \cdots p_j$ ”，
 $\text{next}[j+1]=k'+1=\text{next}[k]+1=\text{next}[\text{next}[j]]+1$.
- 若 $p_{k''}=p_j$ ，则有 “ $p_1 \cdots p_{k''}$ ” = “ $p_{j-k''+1} \cdots p_j$ ”，
 $\text{next}[j+1]=k''+1=\text{next}[k'] + 1 = \text{next}[\text{next}[k]] + 1$.
- $\text{next}[j+1]=1$.

j	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17
模式串	a	b	c	a	a	b	b	c	a	b	c	a	a	b	d	a	b
next[j]	0	1	1	1	2	2	3	1	1	2	3	4	5	6	7	1	2

- **void get_next(SString T, int &next[])**
{
 i= 1; next[1] = 0; j = 0;
 while(i<T[0]){
 if(j==0 || T[i] == T[j]){
 ++i; ++j;
 next[i] = j;
 }
 else
 j = next[j];
 }
}

●KMP算法的时间复杂度

设主串 s 的长度为 n , 模式串 t 长度为 m , 在KMP算法中求 $next$ 数组的时间复杂度为 $O(m)$, 在后面的匹配中因主串 s 的下标不减即不回溯, 比较次数可记为 n , 所以KMP算法总的时间复杂度为 $O(n+m)$ 。

第4章 串、数组和广义表



教学内容

4.1 串

4.2 数组

4.3 广义表

4.2 数组



本节所讨论的数组与高级语言中的数组区别：

- 高级语言中的数组是**顺序结构**；
- 而本章的数组既可以是**顺序**的，也可以是**链式**结构，用户可根据需要选择。

数组的抽象数据类型

ADT Array {

数据对象:

$$j_i = 0, \dots, b_i - 1, i = 1, 2, \dots, n$$

$$D = \{a_{j_1 j_2 \dots j_n} \mid a_{j_1 j_2 \dots j_n} \in ElemSet\}$$

数据关系:

$$R_1 = \{ \langle a_{j_1 \dots j_i \dots j_n}, a_{j_1 \dots j_i + 1 \dots j_n} \rangle \mid \\ 0 \leq j_k \leq b_k - 1, \quad 1 \leq k \leq n, \quad \text{且 } k \neq i, \\ 0 \leq j_i \leq b_i - 2, \\ a_{j_1 \dots j_i \dots j_n}, a_{j_1 \dots j_i + 1 \dots j_n} \in D, i = 2, \dots, n \}$$

基本操作:

(1) InitArray (&A,n,bound1, ...boundn)

//构造数组A

(2) DestroyArray (&A)

// 销毁数组A

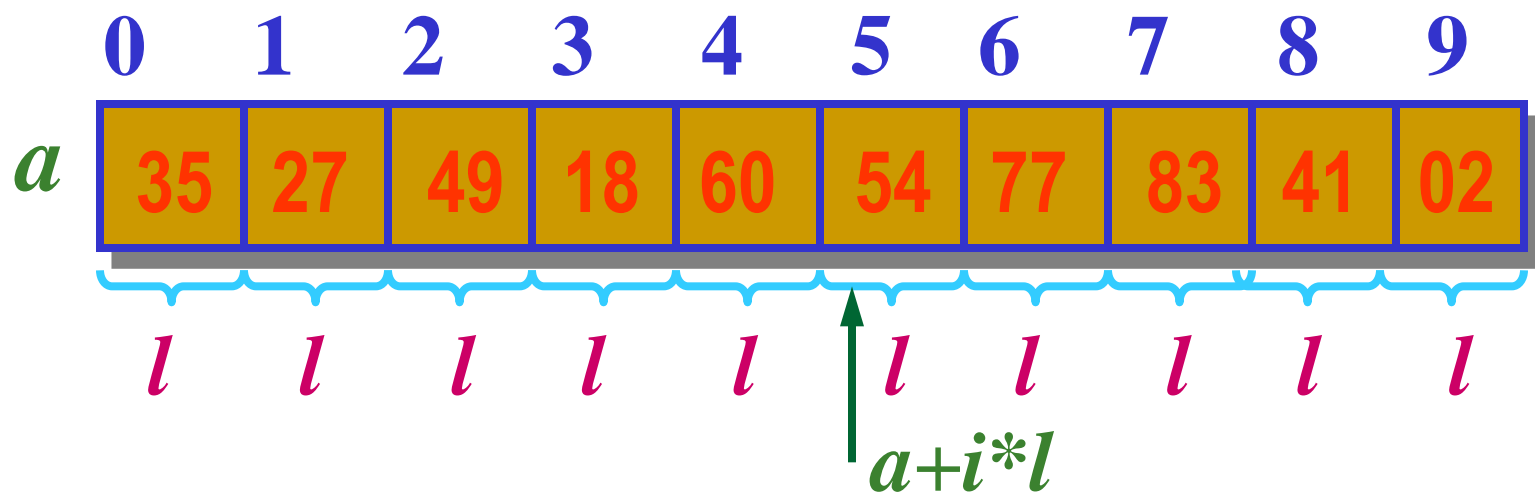
(3) Value(A,&e,index1,...,indexn) **//取数组元素值**

(4) Assign (A,&e,index1,...,indexn) **//给数组元素赋值**

}ADT Array

一维数组

$$\text{LOC}(i) = \begin{cases} a, & i = 0 \\ \text{LOC}(i-1) + l = a + i * l, & i > 0 \end{cases}$$



$$\text{LOC}(i) = \text{LOC}(i-1) + l = a + i * l$$

二维数组

$$A = (\alpha_1, \alpha_2, \dots, \alpha_p) \quad (p = m \text{ 或 } n)$$

$$\alpha_i = (a_{i1}, a_{i2}, \dots, a_{in}) \quad 1 \leq i \leq m$$

$$\alpha_j = (a_{1j}, a_{2j}, \dots, a_{mj}) \quad 1 \leq j \leq n$$

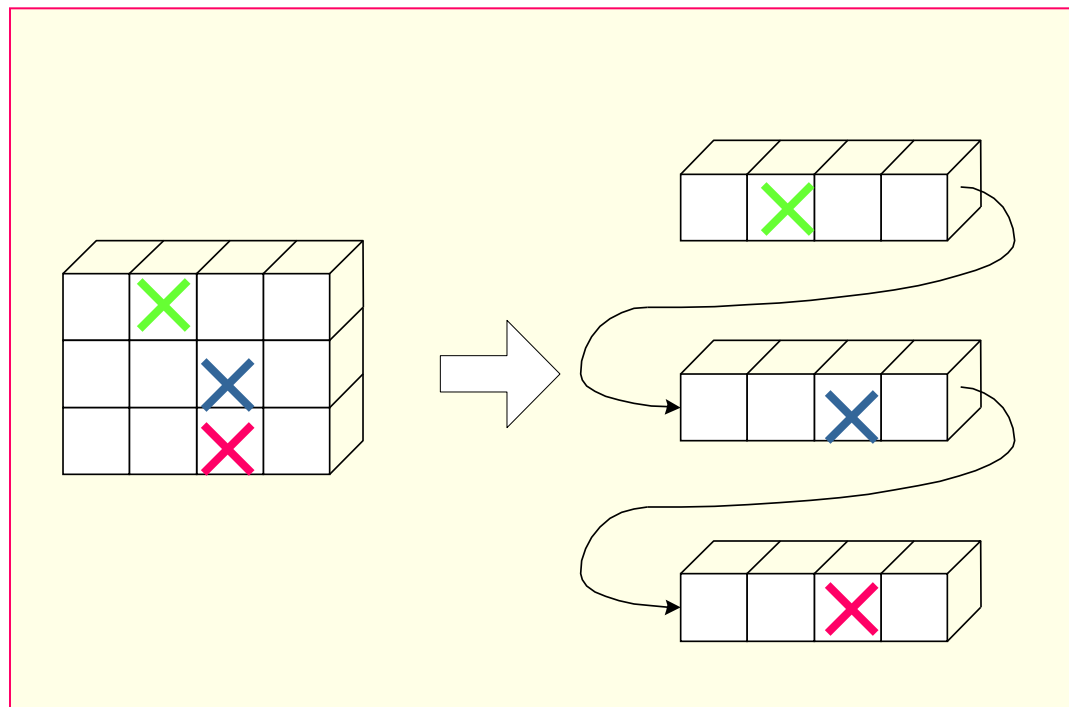
$$A_{m \times n} = \begin{bmatrix} a_{11} & a_{12} & \cdots & a_{1n} \\ a_{21} & a_{22} & \cdots & a_{2n} \\ \vdots & \vdots & & \vdots \\ a_{m1} & a_{m2} & \cdots & a_{mn} \end{bmatrix}$$

$$A_{m \times n} = \begin{bmatrix} a_{11} & a_{12} & \cdots & a_{1n} \\ a_{21} & a_{22} & \cdots & a_{2n} \\ \vdots & \vdots & & \vdots \\ a_{m1} & a_{m2} & \cdots & a_{mn} \end{bmatrix}$$

数组的顺序存储

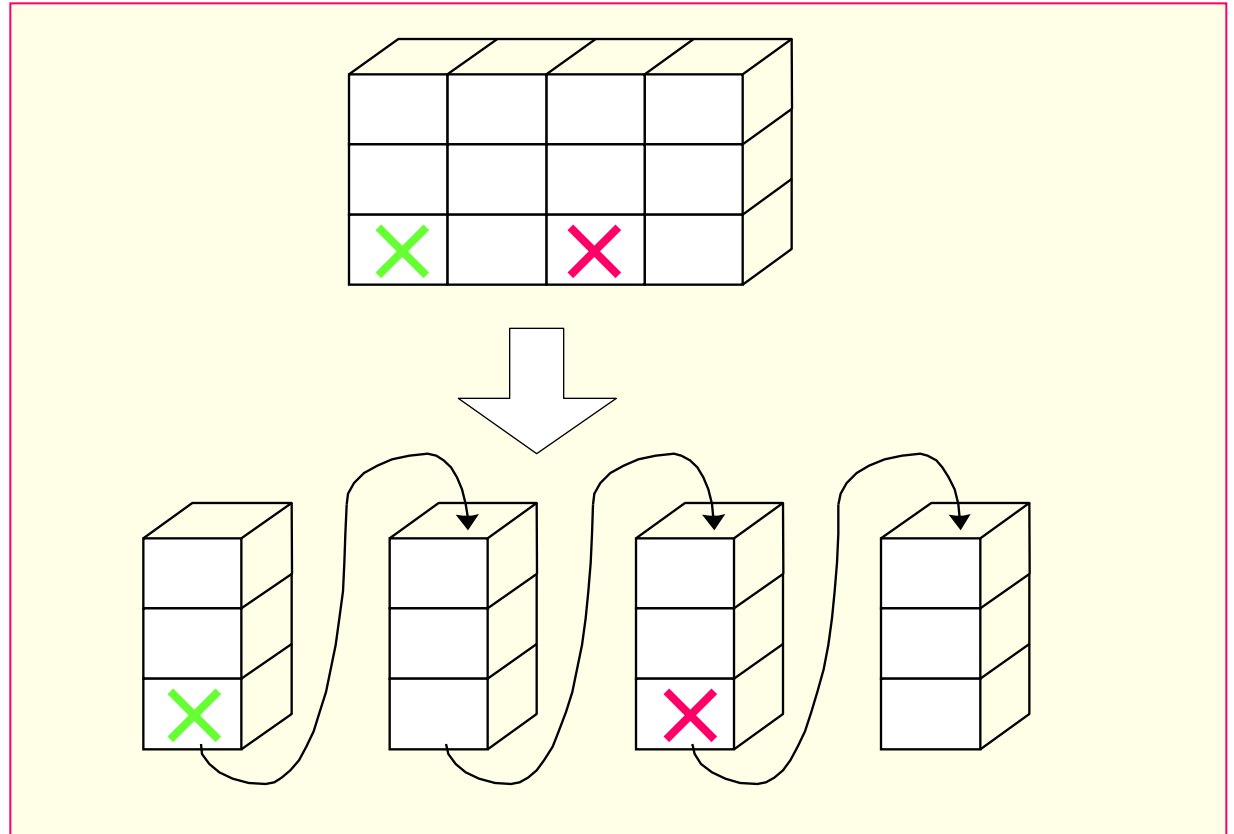
- 以行序为主序

C, PASCAL



- 以列序为主序

FORTRAN



二维数组的行序优先表示

a[n][m]

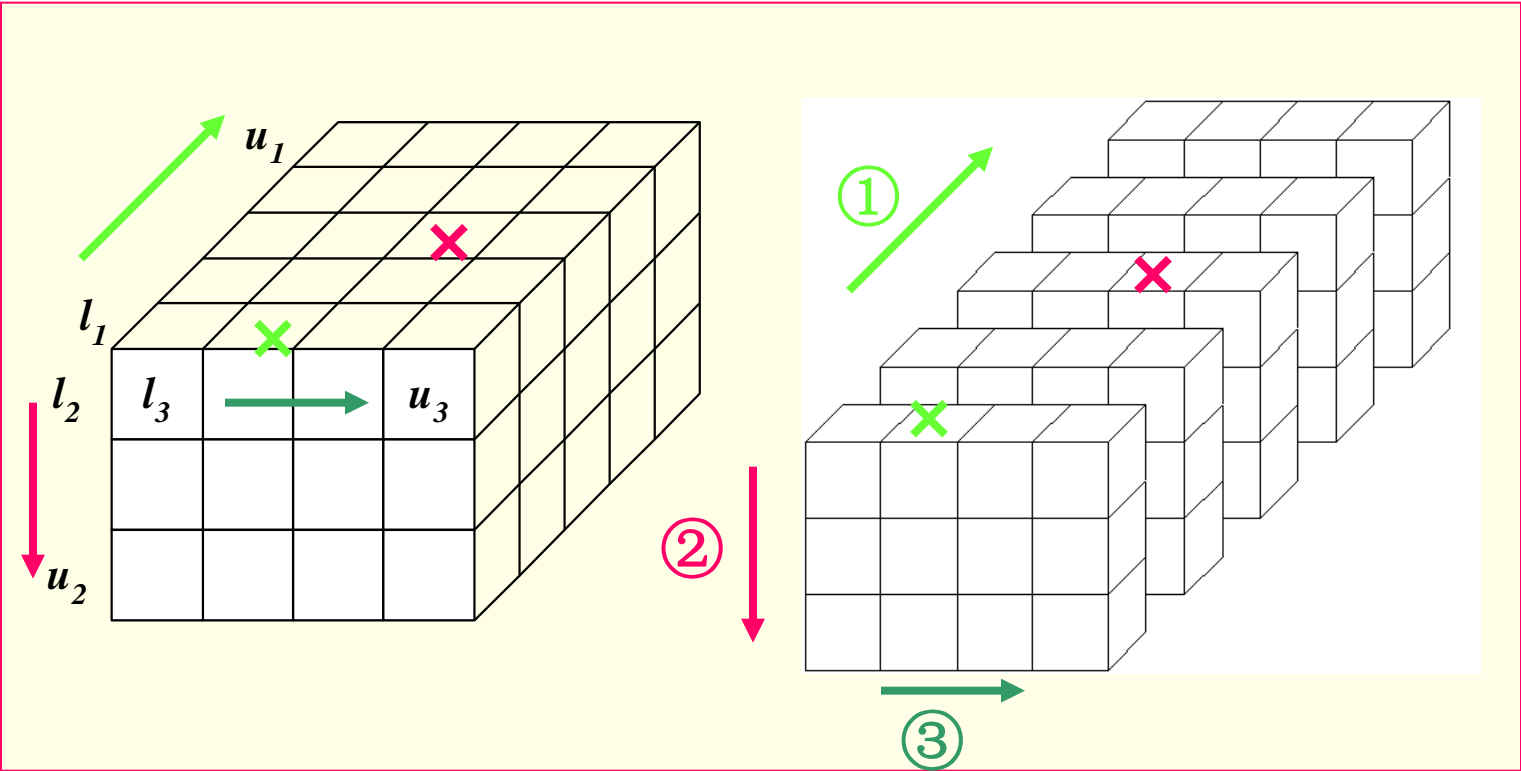
$$\mathbf{a} = \begin{pmatrix} a[0][0] & a[0][1] & \cdots & a[0][m-1] \\ a[1][0] & a[1][1] & \cdots & a[1][m-1] \\ a[2][0] & a[2][1] & \cdots & a[2][m-1] \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ a[n-1][0] & a[n-1][1] & \cdots & a[n-1][m-1] \end{pmatrix}$$

设数组开始存放位置 $\text{LOC}(0, 0) = a$

$$\text{LOC}(j, k) = a + j * m + k$$

三维数组

按页/行/列存放，页优先的顺序存储



三维数组

👉 $a[m1][m2][m3]$ 各维元素个数为 m_1, m_2, m_3

👉 下标为 i_1, i_2, i_3 的数组元素的存储位置:

$$\text{LOC}(i_1, i_2, i_3) = a + \underbrace{i_1 * m_2 * m_3}_{\text{前 } i_1 \text{ 页总元素个数}} + \underbrace{i_2 * m_3}_{\text{第 } i_1 \text{ 页的前 } i_2 \text{ 行总元素个数}} + i_3_{\text{第 } i_2 \text{ 行前 } i_3 \text{ 列元素个数}}$$

n维数组

👉 各维元素个数为 $m_1, m_2, m_3, \dots, m_n$

👉 下标为 $i_1, i_2, i_3, \dots, i_n$ 的数组元素的存储位置:

$$\begin{aligned} LOC(i_1, i_2, \dots, i_n) &= a + i_1 * m_2 * m_3 * \dots * m_n + \\ &+ i_2 * m_3 * m_4 * \dots * m_n + \dots + i_{n-1} * m_n + i_n \\ &= a + \left(\sum_{j=1}^{n-1} i_j * \prod_{k=j+1}^n m_k \right) + i_n \end{aligned}$$

n维数组

$$LOC[j_1, j_2, \dots, j_n] = LOC[0, 0, \dots, 0] + \left(\sum_{i=1}^n c_i j_i \right) L$$

$$c_n = L, c_{i-1} = b_i \times c_i, \quad 1 < i \leq n$$

练习

设有一个二维数组 $A[m][n]$ 按行优先顺序存储，假设 $A[0][0]$ 存放位置在 $644_{(10)}$ ， $A[2][2]$ 存放位置在 $676_{(10)}$ ，每个元素占一个空间，问 $A[3][3]_{(10)}$ 存放在什么位置？脚注 $_{(10)}$ 表示用10进制表示。

设数组元素 $A[i][j]$ 存放在起始地址为 $\text{Loc}(i, j)$ 的存储单元中

$$\because \text{Loc}(2, 2) = \text{Loc}(0, 0) + 2 * n + 2 = 644 + 2 * n + 2 = 676.$$

$$\therefore n = (676 - 2 - 644) / 2 = 15$$

$$\therefore \text{Loc}(3, 3) = \text{Loc}(0, 0) + 3 * 15 + 3 = 644 + 45 + 3 = 692.$$

练习

设有二维数组A[10, 20]，其每个元素占两个字节，
A[0][0]存储地址为100，若按行优先顺序存储，则元
素A[6, 6]的存储地址为_____352_____按列优先顺序存
储，元素A[6, 6]的存储地址为_____232_____。

$$(6*20+6)*2+100=352$$

$$(6*10+6)*2+100=232$$

特殊矩阵的压缩存储

1. 什么是压缩存储？

若多个数据元素的值都相同，则只分配一个元素值的存储空间，且零元素不占存储空间。

2. 什么样的矩阵能够压缩？

一些特殊矩阵，如：对称矩阵，对角矩阵，三角矩阵，稀疏矩阵等。

3. 什么叫稀疏矩阵？

矩阵中非零元素的个数较少（一般小于5%）

数组下标(i,j) 确定 存储地址

1. 对称矩阵

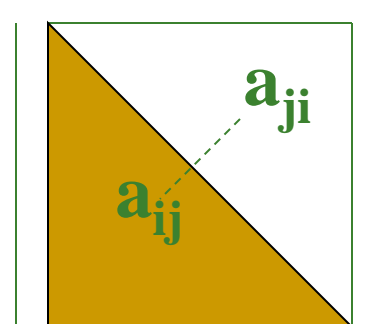
[特点] 在 $n \times n$ 的矩阵 a 中, 满足如下性质:

$$a_{ij} = a_{ji} \quad (1 \leq i, j \leq n)$$

[存储方法] 只存储下(或者上)三角(包括主对角线)的数据元素。共占用 $n(n+1)/2$ 个元素空间。

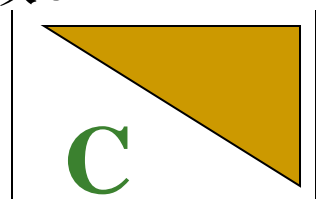
sa	a_{11}	a_{21}	a_{22}	a_{31}		$a_{ij}(a_{ji})$		a_{nn}
k	1	2	3	4				$n(n+1)/2$

$$k = \begin{cases} i(i-1)/2 + j & \text{当 } i \geq j \\ j(j-1)/2 + i & \text{当 } i < j \end{cases}$$

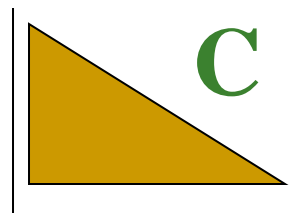


2. 三角矩阵

[特点] 对角线以下(或者以上)的数据元素(不包括对角线)全部为常数 c 。



上三角矩阵



下三角矩阵

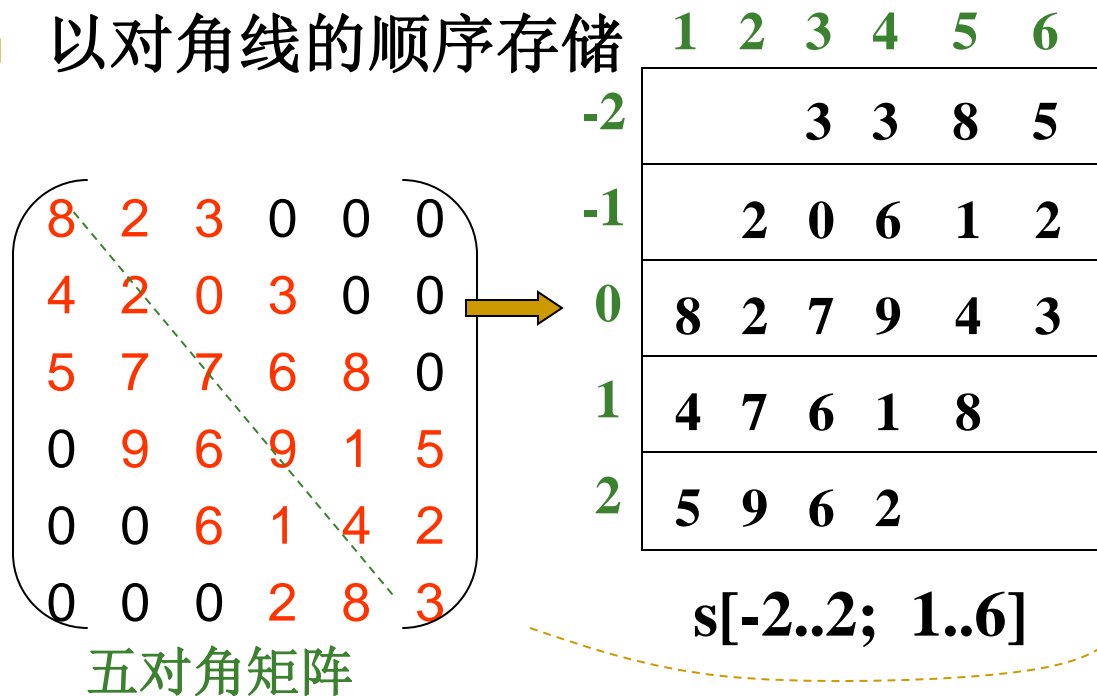
[存储方法] 重复元素 c 共享一个元素存储空间，共占用 $n(n+1)/2+1$ 个元素空间: $sa[1.. n(n+1)/2+1]$

3. 对角矩阵（带状矩阵）

[特点] 在 $n \times n$ 的方阵中，非零元素集中在主对角线及其两侧共 L (奇数)条对角线的带状区域内 —— L 对角矩阵。

[存储方法]

- 以对角线的顺序存储



sa

k 1

n*L

稀疏矩阵

稀疏矩阵:

如果矩阵 $A=(a_{ij})_{m \times n}$ 中共有 t 个非0元素, 则称

$$\delta = \frac{t}{m \times n}$$

为稀疏因子。

通常认为 $\delta \leq 0.05$ 的矩阵是稀疏矩阵。

稀疏矩阵的存储

✓用二维数组表示稀疏矩阵将产生问题：

(1)0值元素占据很大的存储空间；

(2)需进行很多涉及到0值的运算；

遇除法，还需判别除数是否为0。

稀疏矩阵的存储

✓解决问题的原则：

- (1) 尽可能少存储或者不存储0值元素；
- (2) 尽可能减少没有实际意义的运算；
- (3) 操作方便。如尽可能快找到与下标 (i, j) 对应的元素或同行(/列)的非0元素等。

三元组顺序表

- 三元组

(i, j, a_{ij}) ——第 i 行第 j 列的元素 a_{ij} ;

- 三元组顺序表

按行序优先依次存储稀疏矩阵的非0元素而得到的三元组列表。

三元组顺序表

例如,

稀疏矩阵:

$$\mathbf{M}_{6 \times 7} = \begin{bmatrix} 0 & 12 & 9 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ -3 & 0 & 0 & 0 & 0 & 14 & 0 \\ 0 & 0 & 24 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 18 & 0 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 15 & 0 & 0 & -7 & 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}$$

三元组顺序表

(1, 2, 12)

(1, 3, 9)

(3, 1, -3)

(3, 6, 14)

(4, 3, 24)

(5, 2, 18)

(6, 1, 15)

(6, 4, -7)

稀疏矩阵可由矩阵行数、列数和三元组顺序表唯一确定。

三元组顺序表

- 三元组顺序表一般可用二维数组 $T3[MaxT][3]$ 存储(数据元素为整型时), 其中, $MaxT > t$ (t 为非0元素的个数)。
- $T3[0]$ 的三个数组元素分别用来存储矩阵的行数 m 、列数 n 和非0元素的个数 t 。

```
typedef struct {  
    int i, j;  
    Type e;  
} Triple;  
typedef Triple data[MaxT];  
int mu, nu, tu;
```

第4章 串、数组和广义表



教学内容

4.1 串

4.2 数组

4.3 广义表

4.3 广义表



- 广义表（列表）： $n (\geq 0)$ 个表元素组成的有限序列，

记作 $LS = (a_1, a_2, \dots, a_n)$

LS 是表名， a_i 是表元素，它可以是表（称为子表），可以是数据元素（称为原子）。

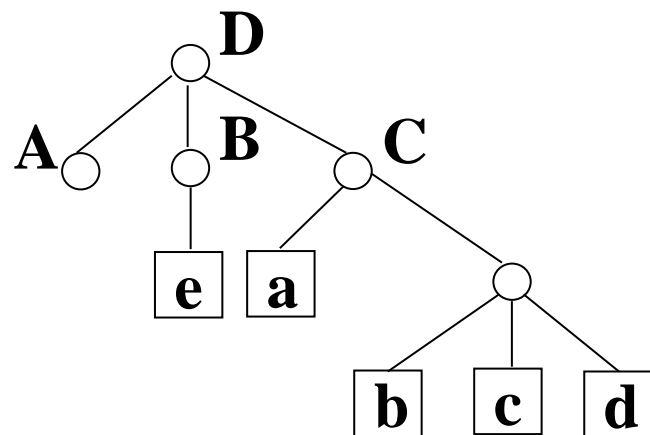
- a_1 表中第一个元素)称为表头；

- 其余元素组成的子表称为表尾； (a_2, \dots, a_n)

- 广义表中所包含的元素(包括原子和子表)的个数称为表的长度。 n 为表的长度。 $n = 0$ 的广义表为空表。

- 广义表中括号的最大层数称为表深 (度)。

广 义 表	表长n	表深h
A=()	0	0
B=(e)	1	1
C=(a,(b,c,d))	2	2
D=(A,B,C)	3	3
E=(a,E)	2	∞



广义表的图形表示

广义表与线性表的区别？

- 线性表的成分都是结构上不可分的单元素
 - 广义表的成分可以是单元素，也可以是有结构的表
 - 线性表是一种特殊的广义表
 - 广义表不一定是线性表，也不一定是线性结构
-

广义表的存储结构

由于广义表中的数据元素具有不同的结构，通常用链式存储结构表示，每个数据元素用一个结点表示。因此，广义表中就有两类结点：

- ◆ 一类是表结点，用来表示广义表项，由标志域，表头指针域，表尾指针域组成；
- ◆ 另一类是原子结点，用来表示原子项，由标志域，原子的值域组成。

只要广义表非空，都是由表头和表尾组成。即一个确定的表头和表尾就唯一确定一个广义表。

广义表的基本运算

- (1) 求表头**GetHead(L)**: 非空广义表的第一个元素, 可以是一个单元素, 也可以是一个子表
 - (2) 求表尾**GetTail(L)**: 非空广义表除去表头元素以外其它元素所构成的表。表尾一定是一个表
-

练习

A=()



GetHead和GetTail均无定义

A=(a,b)



GetHead(A)=a GetTail(A)=(b)

A=(a)



GetHead(A)=a GetTail(A)=()

A=((a))



GetHead(A)=(a) GetTail(A)=()

A=(a,b,(c,d),(e,(f,g)))

GetHead(GetTail(GetHead(GetTail(GetTail(A)))))

d

广义表的特点

- 有次序性 一个直接前驱和一个直接后继
- 有长度 =表中元素个数
- 有深度 =表中括号的重数
- 可递归 自己可以作为自己的子表
- 可共享 可以为其他广义表所共享

练习：求下列广义表的长度

- 1) $A = ()$ $n=0$ ，因为A是空表
- 2) $B = (e)$ $n=1$ ，表中元素e是原子
- 3) $C = (a, (b, c, d))$ $n=2$ ，a为原子，(b,c,d)为子表
- 4) $D = (A, B, C)$ $n=3$ ，3个元素都是子表
- 5) $E = (a, E)$ $n=2$ ，a为原子，E为子表

$D = (A, B, C) = ((), (e), (a, (b, c, d)))$ ，共享表

$E = (a, E) = (a, (a, E)) = (a, (a, (a, \dots)))$ ，E为递归表

案例分析与实现



案例4.1：病毒感染检测

【案例分析】

- 因为患者的DNA和病毒DNA都是由一些字母组成的字符串序列，要检测某种病毒DNA序列是否在患者的DNA序列中出现过，实际上就是字符串的模式匹配问题。
- 可以利用BF算法，也可以利用更高效的KMP算法。
- 但与一般的模式匹配问题不同的是，此案例中病毒的DNA序列是环状的。
- 这样需要对传统的BF算法或KMP算法进行改进。

【案例实现】

- 对于每一个待检测的任务，假设病毒DNA序列的长度是 m ，因为病毒DNA序列是环状的，为了线性取到每个可行的长度为 m 的模式串，可将存储病毒DNA序列的字符串长度扩大为 $2m$ ，将病毒DNA序列连续存储两次。
- 然后循环 m 次，依次取得每个长度为 m 的环状字符串，将此字符串作为模式串，将人的DNA序列作为主串，调用BF算法进行模式匹配。
- 只要匹配成功，即可中止循环，表明该人感染了对应的病毒；否则，循环 m 次结束循环时，可通过BF算法的返回值判断该人是否感染了对应的病毒。

【算法步骤】

- ① 从文件中读取待检测的任务数 num 。
- ② 根据 num 个数依次检测每对病毒DNA和人的DNA是否匹配，循环 num 次，执行以下操作：
 - 从文件中分别读取一对病毒DNA序列和人的DNA序列；
 - 设置标志性变量 $flag$ ，用来标识是否匹配成功，初始为0，表示未匹配；
 - 病毒DNA序列的长度是 m ，将存储病毒DNA序列的字符串长度扩大为 $2m$ ，将病毒DNA序列连续存储两次；
 - 循环 m 次，重复执行以下操作：
 - 依次取得每个长度为 m 的病毒DNA环状字符串；
 - 将此字符串作为模式串，将人的DNA序列作为主串，调用BF算法进行模式匹配，将匹配结果返回赋值给 $flag$ ；
 - 若 $flag$ 非0，表示匹配成功，中止循环，表明该人感染了对应的病毒。
 - 退出循环时，判断 $flag$ 的值，若 $flag$ 非0，输出“YES”，否则，输出“NO”。

小结

1. 了解串的存储方法，理解串的两种模式匹配算法，重点掌握**BF算法**。
2. 明确数组和广义表这两种数据结构的特点，掌握**数组地址计算方法**，了解几种特殊矩阵的压缩存储方法。
3. 掌握广义表的定义、性质及其**GetHead**和**GetTail**的操作。