

Python в алгоритмах для детей и взрослых

Дмитрий Кушцов
2020

Оглавление

1	Математические основы	7
1.1	Системы счисления	7
1.2	Функции	9
1.3	Основные сведения о рядах	11
1.4	Множества	14
1.5	Алгоритмическая сложность	15
1.6	Индукция и прочие приёмы доказательств	17
1.7	Рекурсия	18
1.8	Булева логика	19
1.9	Базовые сведения из теории вероятности	22
1.9.1	Классическое определение вероятности	22
1.9.2	Мода, медиана и статистические моменты	25
1.9.3	Основные законы распределения	25
1.9.4	Зачем нужна теория вероятности в изучении алгоритмов?	27
2	Основы языка программирования Python	31
2.1	Установка Python3	31
2.1.1	Установка в Windows	31
2.1.2	Установка в Linux	32
2.2	Типы данных	33
2.3	Переменные	37
2.4	Операторы	37
2.4.1	Бинарные операторы	37

2.4.2	Унарные операторы	38
2.4.3	Логические операторы	38
2.4.4	Приоритеты операторов	38
2.5	Выражения	38
2.6	Циклы	38
2.7	Ветвления	38
2.8	Функции	38
2.9	Классы	38
2.10	Модули	38
3	Основные структуры данных	39
3.1	Множества	39
3.2	Массивы	40
3.3	Ассоциативные массивы	40
3.4	Связанные списки, очереди и стеки	40
3.5	Деревья	43
3.5.1	Бинарные деревья	43
3.5.2	Сбалансированные бинарные деревья	43
3.5.3	Обход дерева вглубь и вширь	43
3.5.4	Кучи	43
3.6	Графы	47
3.6.1	Направленные графы	47
3.6.2	Ненаправленные графы	47
3.6.3	Представление графов в Python	47
3.6.4	Обход графов	47
3.6.5	Поиск кратчайшего пути между двумя вершинами	47
4	Базовые алгоритмы	51
4.1	Разделяй и властвуй	51
4.1.1	Бинарный поиск	51
4.1.2	Метод бисекции	53
4.1.3	Сортировка слиянием	54
4.1.4	Быстрая сортировка	55
4.1.5	Сортировка кучей	57
4.2	Жадные алгоритмы	57
4.2.1	Коды Хаффмана	58
4.3	Динамическое программирование	58
5	Финальный проект	61

Введение

Язык Python на сегодняшний день является одним из самых популярных. Он прочно занимает лидирующие позиции на рынке и используется для решения таких задач как высоконагруженные веб-сервисы (для этих целей используются такие фреймворки как Django и Flask), обработка больших данных и решение сложных инженерных задач (здесь часто используют такие библиотеки как numpy и scipy), а также для работы с графическими интерфейсами (например, читатель может ознакомиться с библиотеками tkinter и PyQt) и даже для взаимодействия с микроконтроллерами. Python удобен тем, что он кросс-платформенный, некомпилируемый и достаточно прост в изучении.

Данная книга ориентирована на читателя, который не имеет представления о языке Python и хочет изучить основы алгоритмов. В основном эта книга предназначена для учеников старших классов, а также для взрослых читателей, которые хотят получить базовое представление об основных алгоритмах и структурах данных.

Эта книга состоит из пяти частей. В первой части книги приводятся базовые понятия из математики. Во второй части описываются ключевые компоненты языка Python. Затем, в третьей главе, приводится описание базовых структур данных, таких как массивы, стеки, очереди, деревья, графы и т.д. В четвертой главе мы познакомим читателя с основными приёмами при решении алгоритмических задач. К примеру, тут мы расскажем о так называемом методе разделяй и властвуй, жадных алгоритмах, и закончим книгу рассказом о динамическом программировании. И наконец, в последней главе, мы предоставим читателю финальный проект - разработка утилиты для

построчного сравнения файлов.

ГЛАВА 1

Математические основы

Прежде чем мы сможем приступить к изучению алгоритмов нам необходимо ознакомиться с основными математическими понятиями и приёмами. В данной главе мы также приведем базовые понятия из теории вероятности. Часто такие знания являются необходимыми при стохастическом анализе алгоритмов. Например, когда требуется найти среднее время выполнения алгоритма, а не оценивать верхнюю или нижнюю границу для сложности. Но начнем мы наше приключение с таких основ как системы счисления, функции и математическая индукция.

1.1 Системы счисления

В повседневной жизни мы используем числа для некоторого количественного представления чего либо. И как правило мы используем десятичную систему счисления. Но существуют и другие системы: двоичная, восьмеричная, шестнадцатеричная, и т.д. Например, компьютеры обычно используют двоичную систему счисления, так как 0 можно представить как отсутствие электрического заряда, а 1 можно представить как его наличие. В программирование иногда бывает удобней работать с двоичной системой счисления, чем с привычной для нас десятичной системой. Для того что бы эффективно работать в разных системах, нужно вооружиться методами

Делимое	Целая часть	Остаток от деления
19	9	1
9	4	1
4	2	0
2	1	0
1	0	1

Таблица 1.1: Пошаговое вычисление числа в двоичной системе счисления

перевода из одной системы в другую. В данной главе мы рассмотрим, как это можно сделать.

Начнем мы с двоичной системой счисления. Например, число 19_{10} в десятичной системе будет равно 10011_2 в двоичной. Как мы этого достигли? Возьмем число 19 и представим его как линейную комбинацию: $19 = 2 \cdot 9 + 1$ (заметим, что в качестве множителя взято число 2: такой выбор связан с тем, что мы переводим в двоичную систему счисления). Запомним результат. Далее возьмем целую часть от деления, число 9, и также представим его как линейную комбинацию: $9 = 2 \cdot 4 + 1$. Будем продолжать данную операцию до тех пор, пока целая часть от деления не станет равна нулю. Представим наш пример в табличном виде (смотрите Таблицу 1.1).

В таблице, красным цветом отмечен наиболее значимый бит, синим же цветом отмечен наименее значимый бит. Тогда если мы запишем значения последней колонки начиная с наиболее значимого бита, мы получим желаемое представление числа 19_{10} в двоичной системе счисления.

Обратное преобразование проще. Для этого нам необходимо вычислить сумму: $\sum_{i=0}^n b_i 2^i$, где b_i - это i ый бит в двоичном представлении числа. Используя данные из нашего примера, который мы описали выше, мы получим $1 \cdot 2^0 + 1 \cdot 2^1 + 0 \cdot 2^2 + 0 \cdot 2^3 + 1 \cdot 2^4 = 19_{10}$.

Теперь, когда мы знаем как преобразовывать в двоичную систему, мы можем записать этот алгоритм на языке Python:

```
def dec_to_bin(a):
    binary = "";
    while a != 0:
        binary = str(a % 2) + binary;
        a = (a - (a % 2))/2;
    return binary;

def bin_to_dec(binary):
    accumulator = 0;
```



```

for i in range(0, len(binary)):
    accumulator += int(binary[len(binary) - i - 1]) * (1 << i);
return accumulator;

```

В языке Python есть специальная функция для перевода в двоичную систему счисления - `bin`. Заметим, что число в двоичной системе в Python представляется как бинарное число, начинающееся со специального префикса - `0b`.

Такой же подход можно использовать для перевода числа из десятичной системы, скажем, в шестнадцатеричную. Например, возьмём число 181_{10} , которое будет равно $B5_{16}$. В шестнадцатеричной системе счисления, помимо чисел $0 - 9$, используются первые 6 букв латинского алфавита, т.е., A, B, C, D, E, F (легко заметить, что символ A будет в численном представлении равен 10, а символ F - 15). Таким образом, чтобы перевести число $B5_{16}$ из шестнадцатеричной системы обратно в десятичную нужно вычислить сумму $\sum_{i=0}^n h_i \cdot 16^i$, где h_i - это численное представление символа в шестнадцатеричной системе счисления. Для удобства Python поддерживает специальную функцию `hex`, которая может перевести число из десятичной системы счисления в шестнадцатеричную. По условию все числа в шестнадцатеричной системе счисления начинаются с префикса `0x`.

1.2 Функции

В математике функцией называется зависимость одной величины от другой. В любой функции, если это функция одной переменной, есть независимая и зависимая переменные. Например, в функции $y = 2^x$, y - это зависимая переменная, а x - это независимая переменная, т.е., при изменении x , соответствующим образом будет меняться и y .

В рамках данной книги наибольший интерес представляют несколько видов функций, а именно: показательные, логарифмические, полиномиальные. Все эти функции ведут себя по разному, но часто при анализе алгоритмической сложности нужно иметь представление о скорости роста функции. Например, на Графике 1.1 мы наглядно приводим скорости роста самых основных функций (так как обычно при анализе алгоритмов переменная величина - это размер входных данных, то все значения на оси X являются положительными целыми числами).

Показательные функции имеют вид $y = a^n$ (обычно за n берется размер входных данных, т.е., n - это переменная величина). Перечислим основные свойства показательных функций.



График 1.1: Скорость роста различных функций

Определение 1. Если основание показательной функции $0 < a < 1$, то функция монотонно убывает, если же $a > 1$, то функция монотонно возрастает.

Определение 2. Если основания показательных функций равны, то $a^n a^m = a^{n+m}$.

Определение 3. Если основания показательных функций равны, то $\frac{a^n}{a^m} = a^{n-m}$.

Определение 4. Пусть $y = a^n$, тогда $a^n + a^n = 2a^n$. Или более общий вид $\sum_{i=1}^k a^n = k a^n$.

Определение 5. Пусть $y = a^n$, тогда $y^m = a^{nm}$.

Логарифмическая функция представляется в виде $y = \log_a(n)$. Обратная этой функции - это показательная функция, которую мы уже рассмотрели ($a^y = n$). Также как и предыдущий класс функций, логарифмы часто встречаются в анализе алгоритмов. Рассмотрим свойства этих функций.

Теорема 1. Пусть дана логарифмическая функция $y = \log_a n^b$, тогда $y = b \log_a n$.

Так как $y = \log_a n^b$, то $a^y = n^b$. Но если мы возведём обе стороны уравнения в степень $1/b$, то получим $a^{y/b} = n^{b/b} = n$. Но по определению логарифма мы имеем $\frac{y}{b} = \log_a n$. Тогда помножив обе части уравнения на b получим $y = b \log_a n$, что и требовалось доказать.

Теорема 2. Если $y = \log_a(n)$, то $a^{\log_a(n)} = n$.

Так как $a^{\log_a(n)} = a^y$, а по определению логарифма $a^y = n$, то $a^{\log_a(n)} = n$. Что и требовалось доказать.

Теорема 3. Пусть дана логарифмическая функция $\log_a n$, тогда $\log_c n = \frac{\log_c n}{\log_c a}$.

Так как $y = \log_a n$, то $a^y = n$. И пусть $z = \log_c n$, $c^z = n$. Тогда, $a^y = c^z$. Прологарифмируем обе стороны уравнения, тогда $y \log_a a = z \log_a c$, откуда следует $z = \log_c n = \frac{\log_a n}{\log_a c}$. Что и требовалось доказать.

Теорема 4. $\log_a(nm) = \log_a n + \log_a m$

$\log_a(nm) = \log_a(a^{\log_a(n)} a^{\log_a(m)}) = \log_a a^{\log_a(n) + \log_a(m)} = \log_a(n) + \log_a(m)$. Что и требовалось доказать.

Теорема 5. $\log_a \frac{n}{m} = \log_a n - \log_a m$

$\log_a(n/m) = \log_a(a^{\log_a(n)} / a^{\log_a(m)}) = \log_a a^{\log_a(n) - \log_a(m)} = \log_a(n) - \log_a(m)$ Что и требовалось доказать.

Степенные функции $y = n^a$ также часто встречаются в анализе алгоритмов. Обычно, n - это переменная величина (размер входных данных), а $a \in \mathbb{N}$. Как мы увидим дальше, обычно сложность алгоритмов со вложенными циклами можно представить именно этими функциями.

1.3 Основные сведения о рядах

Обширный обзор рядов и способов их анализа можно найти в [1, 4]. В данном же разделе приведем несколько сведений об основных свойствах рядов и как их можно анализировать (в основном мы заинтересованы в рядах с конечным числом членов, так как они чаще встречаются на практике).

Рядом называется последовательность чисел, где каждый член отличается от предыдущего на некоторую величину (бывают конечно и знакочередующиеся ряды, но здесь мы такие не будем рассматривать). Например, ряд $0, 5, 10, 15, \dots$ является арифметической прогрессией, в которой каждый член

больше предыдущего на 5. Еще один часто встречающийся ряд - это геометрическая прогрессия. Например, $1, 2, 4, 8, 16, 32, \dots$ - это геометрическая последовательность, в которой i -ый член ряда можно найти, применив формулу $a_i = qa_{i-1} = q^{i-1}a_1$, где $q = 2$, а $a_1 = 1$. В данном разделе же приведем несколько примеров того, как можно анализировать суммы этих и некоторых других рядов (в основном нас интересуют ряды с конечным числом членов).

Например, пусть нам необходимо найти сумму следующего ряда:

$$S = \sum_{i=1}^n i = 1 + 2 + 3 + 4 + \dots + n$$

Простой способ анализа, заключается в сложение первого и последнего членов ряда, и далее второго и предпоследнего членов, и т.д (здесь мы предполагаем, что количество членов является чётным числом). Тогда, заметив, что сумма таких пар равна $n + 1$, а количество пар равно $n/2$, можно предположить, что сумма ряда равна $\frac{n(n+1)}{2}$. Если же n - нечётное число, тогда можно доказать это утверждение, воспользовавшись методом немецкого математика Карла Гаусса, который он вывел в детстве. Возьмём $S + S = 2S$. Тогда, складывая первый и последний члены двух сумм получим

$$2S = (1 + n) + (n - 1 + 2) + \dots + (1 + n) = (n + 1)n$$

Очевидно, что искомая сумма равна $S = \frac{n(n+1)}{2}$.

Рассмотрим более общий пример. Пусть мы хотим вычислить сумму ряда i^k , где $k \geq 1$. Но прежде, представим выражение $(a + b)^k$ в виде суммы. И так

$$(a + b)^k = C_k^0 a^k b^0 + C_k^1 a^{(k-1)} b^1 + \dots + C_k^k a^0 b^k$$

где $C_k^m = \frac{k!}{(k-m)!m!}$ - это сочетание. Мы еще вернемся к этой формуле, когда будем рассказывать про правила вычисления вероятностей, а пока отметим, что в формуле, которую мы определили только что $k!$ - это факториал, который вычисляется как $k! = 1 \cdot 2 \cdot 3 \cdot \dots \cdot k$. Причем $0! = 1$. Но вернемся к нашему разговору о вычислении суммы ряда. Возьмем для примера $(i - 1)^2 = i^2 - 2i + 1$. Перенесём i^2 влево, домножим на -1 обе части уравнения и просуммируем:

$$\sum_{i=1}^n (i^2 - (i - 1)^2) = \sum_{i=1}^n (2i - 1)$$

Заметим, что левая часть схлопывается и получается, что сумма равна n^2 . В правой же части получаем $2S - n$, где S - это искомая сумма. Теперь,

если мы решим уравнение для S , то получим $S = \frac{n^2+n}{2} = \frac{n(n+1)}{2}$. Такой же математический приём можно применить и к другим суммам, например $\sum_{i=1}^n i^2$. Для этого разложим выражение

$$(i-1)^3 = C_3^0(-1)^0 i^3 + C_3^1(-1)^1 i^2 + C_3^2(-1)^2 i + C_3^3(-1)^3 i^0 = i^3 - 3i^2 + 3i - 1$$

Аналогично предыдущему примеру, перенесем i^3 влево, домножим на -1 и просуммируем обе части уравнения. Тогда получим:

$$\sum_{i=1}^n (i^3 - (i-1)^3) = \sum_{i=1}^n (3i^2 - 3i + 1)$$

Левая часть схлопывается и становится равной n^3 , правую же часть можно представить как $3S - \frac{3n(n+1)}{2} + n$. После перестановки членов в левой и правой частях, получаем:

$$\begin{aligned} S &= \frac{2n^3 - 2n + 3n(n+1)}{6} = \frac{2n(n^2 - 1) + 3n(n+1)}{6} = \\ &= \frac{2n(n-1)(n+1) + 3n(n+1)}{6} = \frac{(2n(n-1) + 3n)(n+1)}{6} = \\ &= \frac{(2n^2 + n)(n+1)}{6} = \frac{n(2n+1)(n+1)}{6} \end{aligned}$$

Данный метод хорош тем, что его можно применить для нахождения суммы любого ряда вида i^k , при условии, что $k \geq 1$

Ещё один часто встречающийся ряд - это геометрическая прогрессия. Сумму такого ряда можно представить как:

$$S = \sum_{i=0}^n aq^i = a(1 + q + q^2 + q^3 + \dots + q^n)$$

Простой способ нахождения суммы этого ряда заключается перемножение S на q и решение следующего уравнения $S - qS = a(1 - q^{n+1})$ (заметим, правая часть получилась путём вычитания qS из S). Тогда, сумма ряда равна $S = \frac{a(1-q^{n+1})}{1-q}$.

Иногда найти сумму ряда бывает сложно и проще дать аппроксимацию. Например, рассмотрим гармонический ряд $1, \frac{1}{2}, \frac{1}{3}, \dots, \frac{1}{n}$. Тогда сумма этого ряда тогда будет равна

$$H_n = \sum_{i=1}^n \frac{1}{i} \approx \int_1^n \frac{dx}{x} = \ln(n)$$

1.4 Множества

В математике множеством называется совокупность объектов любого типа [3]. Например, множеством является набор букв латинского алфавита - $\{a, b, c, \dots, z\}$, или множества все целых чисел - $x \in \mathbb{Z}$. Обычно, для обозначения множеств, используют прописные буквы латинского алфавита, а элементы заключают в фигурные скобки. Например, $A = \{a, b, c\}$ или $X = \{x : x > 10\}$. Принадлежность элемента x к множеству обычно обозначают символом \in . Приведем несколько определений.

Определение 6. Пустое множество - это такое множество, которое не содержит элементы. Обозначается такое множество как \emptyset .

Определение 7. A является подмножеством множества B , если все элементы множества A также являются элементами множества B . Обозначается это свойство следующим образом: $A \subset B$.

Определение 8. Универсальное множество - это такое множество, которое содержит все элементы. Обычно такое множество обозначается как Ω . Например, пусть Ω - множество всех возможных значений игральной кости, т.е., $\Omega = \{1, 2, 3, 4, 5, 6\}$.

Определение 9. Если элементы некоторого множества A' принадлежат универсальному множеству, но не принадлежат множеству A , то такое множество называется дополнением множества A : $A' = \{x : x \in \Omega \wedge x \notin A\}$.

Над множествами, как и над числами, можно производить операции. Таким образом, далее мы рассмотрим операции сложения (или объединения), пересечения и вычитания множеств. А после приведем (без доказательств) основные свойства множеств.

Определение 10. Объединением множества A и B называется такое множество, которое содержит элементы, принадлежащие или множеству A , или множеству B . Математически эта операция записывается следующим образом: $A \cup B = \{x : x \in A \vee x \in B\}$.

Определение 11. Пересечением множества A и B называется такое множество, которое содержит элементы, принадлежащие одновременно и множеству A , и множеству B . Математически эта операция записывается следующим образом: $A \cap B = \{x : x \in A \wedge x \in B\}$.

Определение 12. Разностью множеств A и B называется такое множество, которое содержит элементы множества A , но не содержит элементы принадлежащие множеству B . Математически эта операция записывается следующим образом: $A \setminus B = \{x : x \in A \wedge x \notin B\}$.

Мы еще вернемся к обсуждению операций над множествами, когда будем рассматривать работу с множествами в языке Python. А пока, рассмотрим основные свойства множеств, которые часто встречаются на практике (смотрите Таблицу 1.2).

Идемпонентный закон	$A \cup A = A$	$A \cap A = A$
Закон тождества	$A \cup \emptyset = A$	$A \cap \emptyset = \emptyset$
	$A \cup \Omega = \Omega$	$A \cap \Omega = A$
Закон дополнения	$A \cup A' = \Omega$	$A \cap A' = \emptyset$
Закон коммутативности	$A \cup B = B \cup A$	$A \cap B = B \cap A$
Закон ассоциативности	$(A \cup B) \cup C =$	$(A \cap B) \cap C =$
	$A \cup (B \cup C)$	$A \cap (B \cap C)$
Закон дистрибутивности	$A \cup (B \cap C) =$	$A \cap (B \cup C) =$
	$(A \cup C) \cap (A \cup B)$	$(A \cap C) \cup (A \cap B)$
Закон Де Моргана	$(A \cup B)' = A' \cap B'$	$(A \cap B)' = A' \cup B'$

Таблица 1.2: Основные свойства множеств

1.5 Алгоритмическая сложность

Алгоритм - это некая последовательность инструкций компьютера, которые необходимо воспроизвести, чтобы решить поставленную задачу. Как только алгоритм составлен и написан в виде инструкций языка, например такого как Python, его желательно проанализировать, чтобы знать его производительность. Сложность алгоритма обычно выражают как функцию $T(n)$, где n - это длина входных данных.

Обычно, вычислительную сложность записывают используя правила большого O (или *Big O*, как эти правила принято называть в иностранной литературе). Введем несколько определений. Пусть вычислительная сложность задана функцией $T(n)$, тогда [5]:

Определение 13. $T(n) = O(f(n))$ если есть некая константа $c > 0$ и функция $f(n)$ такая, что $T(n) \leq c \cdot f(n)$, где $n > n_0$.

Определение 14. $T(n) = \Omega(g(n))$ если есть некая константа $c > 0$ и функция $g(n)$ такая, что $T(n) \geq c \cdot g(n)$, где $n > n_0$.

Определение 15. $T(n) = \Theta(h(n))$ если $T(n) = O(h(n))$ и $T(n) = \Omega(h(n))$.

Иными словами, с помощью O описывают верхнюю границу для сложности (памяти или вычислений), Ω используется для определения нижней границы, а используя Θ можно определить более строгую границу. Например, если $T(n) = 10n$, то конечно можно определить $T(n) = O(n^2)$ или даже $T(n) = O(n^3)$, но более точным определением будет $T(n) = \Theta(n)$, так как можно выбрать в виде функции $h(n) = n$, а две константы выбрать как $c_1 = 1$, а $c_2 = 100$. Но так как не всегда можно дать точную оценку для сложности алгоритма, то обычно используют оценку O , так как её часто бывает проще найти.

Рассмотрим несколько примеров того, как можно анализировать циклы. Если в алгоритме всего один цикл (без вложенных циклов), тогда задача сводится к подсчёту операций выполняемых в теле цикла. Но так как цикл выполняется n раз (где n - это размер входных данных), то нахождение общего времени выполнения алгоритма можно представить в виде простой суммы. Например, в задаче нахождения максимальной суммы в последовательности (алгоритм приведен ниже), на каждой итерации алгоритма выполняется $c = 6$ инструкций. Тогда, общее количество операций $\sum_{i=1}^n c = nc$. Сложность же данного алгоритма можно оценить как $\Theta(n)$.

```
def maximum_subsequence(a):
    max_sum = 0;
    current_sum = 0;
    start = 0;
    current_start = 0;
    end = 0;
    for i in range(0, len(a)):
        current_sum += a[i];
        if current_sum > max_sum:
            max_sum = current_sum;
            end = i + 1;
            start = current_start;
        if current_sum < 0:
            current_sum = 0;
            if i + 1 < len(a):
                current_start = i + 1;
    return (max_sum, a[start:end]);
```

Если же есть вложенные циклы, как например в задаче сортировки массива пузырьком, который мы приводим ниже, то сначала нужно проанализировать

сложность вложенного цикла и только потом приступать к анализу внешнего цикла. Так, в примере, который мы приводим ниже вложенный цикл выполняет $4(n - i)$ операций (здесь анализ аналогичен тому, который мы его провели в предыдущем примере). Тогда общая сложность алгоритма может быть представлена в виде следующей суммы $\sum_{i=1}^n 4(n - i) = \sum_{i=1}^n 4n - \sum_{i=1}^n 4i = 4n^2 - 4\frac{n(n+1)}{2} = 4n^2 - 2n^2 - 2n = 2n^2 - 2n$. Следовательно, сложность алгоритма может быть оценена как $O(n^2)$.

```
def bubble_sort(a):
    for i in range(0, len(a)):
        for j in range(i, len(a)):
            if a[i] > a[j]:
                s = a[i];
                a[i] = a[j];
                a[j] = s;
    return a;
```

Приведём еще один известный, но неэффективный алгоритм сортировки - сортировка вставками. Сложность данного алгоритма такая же, как и у сортировки пузырьком - в худшем случае алгоритму требуется $O(n^2)$ вычислений. Но в отличие от предыдущего алгоритма, в лучшем случае этому методу требуется $\Theta(n)$ вычислений (например, если массив уже отсортирован).

```
def insertion_sort(a):
    for i in range(1, len(a)):
        j = i - 1;
        key = a[i];
        while True:
            if a[j] > key:
                a[j + 1] = a[j];
                a[j] = key;
                j -= 1;
            if j <= 0 or a[j] <= key:
                break;
    return a;
```

Аналогичный прием можно применять и для алгоритмов с большим числом вложенных циклов.

1.6 Индукция и прочие приёмы доказательств

Математическая индукция - это метод, который позволяет доказать истинность утверждения путем перехода от частного к общему. Обычно в математической

индукции на первом шаге доказывается, что утверждение верно для некоторого значения (обычно небольшого). Далее, предполагается, что выражение истинно для некоторого большого значения n . И наконец, доказывается, что выражение правдиво для $n + 1$.

Приведем пример. Пусть мы предполагаем, что $\sum_{i=1}^n i = \frac{n(n+1)}{2}$. Убедимся, что утверждение истинно для $n \in \{1, 2, 3\}$. Что безусловно очевидно, если мы вычислим сумму используя левое и правое выражения. Далее предположим, что выражение истинно для некоторого n . И наконец, докажем, что при $n + 1$, сумма равна $\frac{(n+1)(n+2)}{2}$. Действительно,

$$\sum_{i=1}^{n+1} i = \frac{n(n+1)}{2} + n + 1 = \frac{n(n+1) + 2(n+1)}{2} = \frac{(n+1)(n+2)}{2}$$

Что и требовалось доказать.

Помимо индукции существуют и другие подходы к доказательству математических свойств. Например, доказать утверждение можно противоречием или же контрпримером.

Приведем пример доказательства контрпримером. Докажем что, $2^n < n!$, где $n > 4$. Предположим обратное $2^n > n!$, но взяв $n = 5$ мы получаем $32 < 120$, что противоречит утверждению.

1.7 Рекурсия

В программировании рекурсивная функция - это такая функция, которая вызывает сама себя. При каждом вызове размер входных данных должен уменьшаться и рекурсивные вызовы прекращаются (обычно) когда размер входных данных равен единице. Примером рекурсии может служить функция вычисления наибольшего общего делителя. Мы еще столкнемся с ней, когда будем описывать бинарные операторы. Сейчас же мы приведем ее как пример того, как рекурсия выглядит в программировании. Вслед за этим мы рассмотрим как можно анализировать рекурсии (в математическом смысле).

```
def gcd(a, b):
    if b == 0:
        return a;
    return gcd(b, a % b);
```

Для того, чтобы понять как изменяется размер входных данных в описанном выше алгоритме, приведем следующую теорему.

Теорема 6. Для любых целых чисел a и b (где $a > b$) справедливо неравенство: $a \bmod b < \frac{a}{2}$

Рассмотрим два случая: (i) это когда b входит в a точно один раз, т.е., $a = b + r$ (ii) это когда b входит в a несколько раз, т.е., $a = bq + r$. Для случая (i) мы имеем $r < b$, но так как b входит в a один раз, очевидно, что $b > a/2$ (иначе $q > 1$) и соответственно $r < a/2$; (ii) так как b входит в a несколько раз, то $q \geq 2$, соответственно $a > qb$ (иначе r было бы равно 0) из чего следует, что $b < a/q \leq a/2$. Но так как $b > r$ (всегда), то и $r < a/2$. Что и требовалось доказать.

В рекурсии, время необходимое для вычисления обычно выражается как $T(n)$, где n - это размер входных данных. Используя нашу теорему, мы можем составить следующее рекуррентное соотношение (мы полагаем, что при каждом рекурсивном вызове b уменьшается как минимум вдвое).

$$T(n) = T(n/2) + 1 = T(n/4) + 2 = T(n/8) + 3 = T(n/2^i) + i$$

Зная, что когда размер входных данных равен единице рекурсия прекращается, то мы можем вычислить i через $n/2^i = 1$ (обратите внимание, что это предположение следует из $T(n/2^i) = T(1)$). Далее мы имеем $n = 2^i$. Прологарифмировав обе части уравнения, получаем $i = \log_2(n)$, тогда выкладки, изложенные выше, дают нам возможность предположить, что сложность алгоритма нахождения наибольшего общего делителя будет $O(\log(n))$.

Стоит отметить, как мы вывели $T(n)$: зная, что при каждом вызове, размер входных данных уменьшается в двое, то $T(n/2) = T(n/2 \cdot 1/2) + 1 = T(n/4) + 1$. Подставляя данное значение в выражение $T(n) = T(n/2) + 1$, мы можем вычислить $T(n)$ через $T(n/4)$ таким образом, получая $T(n) = T(n/4) + 2$. Продолжая этот ход мыслей, мы получаем выражение $T(n) = T(n/2^i) + i$.

1.8 Булева логика

Булева логика - это раздел математики, изучающий логические высказывания и операции над ними. Логические высказывания могут быть простыми и составными. Например, составными высказываниями являются такие высказывания, в которых есть несколько простых логических высказываний объединённых логическими операциями. В данном разделе мы коротко ознакомимся с такими логическими операциями как: конъюнкция (или операция И), дизъюнкция (или логическая операция ИЛИ), импликация

(или следование), равносильность (или эквивалентность), а также строгая дизъюнкция. Рассмотрим простейшие примеры булевой алгебры, а потом рассмотрим её основные свойства.

Начнем мы наше обсуждение с такой операции как отрицание. Пусть дано высказывание, которое может принимать значения 1 и 0 (или же истина и ложь). Тогда справедливы утверждения описанные в Таблице 1.3.

A	$\neg A$
0	1
1	0

Таблица 1.3: Логическая операция отрицания

Результат конъюнкции, или же иными словами операции логического И, становится истинным тогда, когда оба выражения истины, и становится ложью, тогда, когда хотя бы одно выражение ложь. Составим следующую таблицу истинности (смотрите Таблицу 1.4).

A	B	$A \wedge B$
0	0	0
1	0	0
0	1	0
1	1	1

Таблица 1.4: Конъюнкция

Дизъюнкция - это логическая операция, результат которой будет истиной только тогда, когда хотя бы одно выражение является истиной. Запишем эту операцию в виде таблицы истинности (смотрите Таблицу 1.5).

A	B	$A \vee B$
0	0	0
1	0	1
0	1	1
1	1	1

Таблица 1.5: Дизъюнкция

Импликация - это логическая операция, которая гласит: из лжи может следовать что угодно, а из истины только истина. В Таблице 1.6 представим

результаты этой логической операции. Заметим, что импликацию можно заменить следующим сложным логическим высказыванием: $(\neg A \vee B)$.

A	B	$A \rightarrow B$
0	0	1
0	1	1
1	0	0
1	1	1

Таблица 1.6: Импликация

Операция эквивалентности гласит, что если оба логических высказывания либо истина либо ложь, тогда результат всегда истина (смотрите Таблицу 1.7). Заметим, что операцию эквивалентности можно заменить следующим сложным логическим высказыванием: $(\neg A \vee B) \wedge (A \vee \neg B)$.

A	B	$A \leftrightarrow B$
0	0	1
0	1	0
1	0	0
1	1	1

Таблица 1.7: Эквивалентность

И наконец, приведем таблицу (смотрите Таблицу 1.8) истинности для операции строгой дизъюнкции (в языках программирования такую операцию часто называют еще исключающее ИЛИ). Исключающее или можно заменить следующим сложным логическим высказыванием: $(\neg A \wedge B) \vee (A \wedge \neg B)$.

A	B	$A \oplus B$
0	0	0
0	1	1
1	0	1
1	1	0

Таблица 1.8: Строгая дизъюнкция

Заметим, что все эти логические операции часто используются в языках программирования, когда составляются ветвления. Мы еще вернемся к

Закон коммутативности	$A \vee B = B \vee A$ $A \wedge B = B \wedge A$
Закон ассоциативности	$(A \vee B) \vee C = A \vee (B \vee C)$ $(A \wedge B) \wedge C = A \wedge (B \wedge C)$
Закон дистрибутивности	$A \vee (B \wedge C) = (A \vee B) \wedge (A \vee C)$ $A \wedge (B \vee C) = (A \wedge B) \vee (A \wedge C)$
Закон непротиворечия	$A \wedge \neg A = 0$
Закон исключения третьего	$A \vee \neg A = 1$
Закон двойного отрицания	$\neg(\neg A) = A$
Законы Де Моргана	$\neg(A \vee B) = \neg A \wedge \neg B$ $\neg(A \wedge B) = \neg A \vee \neg B$
Закон рефлексии	$A \vee A = A$ $A \wedge A = A$
Законы поглощения	$A \vee (A \wedge B) = A$ $A \wedge (A \vee B) = A$ $A \vee (\neg A \wedge B) = A \vee B$
Свойства логических констант	$A \vee 1 = 1$ $A \wedge 1 = A$ $A \vee 0 = A$ $A \wedge 0 = 0$

Таблица 1.9: Основные свойства булевой алгебры

обсуждению составления логических выражений, когда будем обсуждать ветвления и логические операторы в языке Python. А пока в Таблице 1.9 приведём основные свойства булевой алгебры.

1.9 Базовые сведения из теории вероятности

В данном разделе приведём несколько основных сведений о теории вероятности. Более подробный курс можно пройти, прочитав [2, 3].

1.9.1 Классическое определение вероятности

Событием в теории вероятности называется какой либо исход, результат испытания. Например, при однократном бросании монеты возможными исходами могут быть выпадение орла или решки. События обычно

обозначаются заглавными латинскими буквами. Таким образом, вероятность выпадения решки (появление события A), при однократном бросании монеты, можно записать в виде $P(A) = \frac{1}{2}$. Обратное же событие - выпадение орла, можно записать как $P(\bar{A}) = 1 - P(A)$. В данном случае выпадение орла и решки имеют одинаковые вероятности и поэтому называются равновероятными. Если же события неравновероятны, то обычно задают закон распределения вероятностей, который каждому событию сопоставляет соответствующую вероятность. Мы еще вернёмся к обсуждению законов распределения вероятностей чуть позже. А пока отметим, что в классической теории вероятности, вероятность наступления события A может быть вычислена как $P(A) = \frac{m}{n}$, где m - это количество исходов благоприятствующих событию, а n - это количество всех исходов. Отметим ещё один важный момент. Если события являются единственно возможными (т.е., в результате испытания должно произойти хотя бы одно событие) и несовместными (т.е., ни одно событие не влечет за собой появление любого другого события), то такие события образуют полную группу. Например, в нашем примере с бросанием монеты, события (выпадение орла или решки) образуют полную группу.

Отметим основные свойства вероятностей. Так например, вероятность наступления события заключена между нулём и единицей, т.е., $0 \leq P(A) \leq 1$. Вероятность наступления достоверного события (событие, которое наступает всегда) будет равно единице, т.е., $P(\Omega) = 1$. Вероятность же события, которое никогда не наступит (т.е., невозможное событие) равно нулю, или $P(\emptyset) = 0$. Сумма вероятностей единственно возможных и несовместных исходов равна единице, т.е., $\sum_{i=1}^n P(A_i) = 1$.

Вернёмся к обсуждению способов вычисления вероятностей. Обычно, чтобы вычислить количество благоприятных и общее количество исходов пользуются комбинаторикой - разделом математики, который в том числе предлагает инструменты необходимые для подсчета количества исходов.

Определим правило сложения следующим образом: Пусть элемент A_i может быть выбран n_i способами (например, в корзине имеется 10 красных шаров, тогда A_i - это красный шар, а $n_i = 10$ - это количество таких шаров). Тогда выбор одного элемента (или A_1 , или A_2 , и т.д.) можно произвести $n = \sum_{i=1}^k n_i$ способами.

Например, пусть в урне имеется 100 шаров: 30 белых шаров, 10 красных шаров, и 60 синих шаров. Тогда существует $n_1 + n_2 = 30 + 10 = 40$ способов выбора одного шара: либо белого, либо красного. А вероятность того, что выбранный шар будет либо белый, либо красный можно вычислить по следующей формуле: $P(A) = \frac{n_1+n_2}{n_1+n_2+n_3} = \frac{40}{100} = 0.4$. Заметим, что общее

количество $n = \sum_{i=1}^k n_i$.

Теперь определим правило умножения. Пусть выбрать A_1 элемент можно n_1 способами, после этого элемент A_2 можно выбрать n_2 способами, и т.д. Тогда последовательность $A_1 A_2 \dots A_k$ можно выбрать $n_1 \cdot n_2 \cdot \dots \cdot n_k$ способами.

Так, например, пусть даны 26 букв латинского алфавита. И пусть задача состоит в выборе трёх букв случайным образом (без возврата). Используя правило умножения мы можем получить $n = n_1 \cdot n_2 \cdot n_3 = 26 \cdot 25 \cdot 24 = 15600$ способов выбора трёх букв. Если же мы будем производить возврат на каждом шаге, то способов выбора трех букв будет больше, $n = 26^3 = 17576$.

Данное правило еще называют размещением. Так если нужно выбрать m элементов из n элементов без возврата и с учетом порядка, то число размещений можно определить как:

$$A_n^m = n \cdot (n-1) \cdot (n-2) \cdot (n-3) \dots (n-m+1) = \frac{n!}{(n-m)!}$$

Заметим, что $n!$ - это формула факториала, которая равна $n! = 1 \cdot 2 \dots n$, а $0! = 1$. Например, пусть дано множество $\{a, b, c\}$ и нужно выбрать два элемента случайным образом с учётом порядка. Тогда все возможные размещения будут $\{a, b\}, \{b, a\}, \{a, c\}, \{c, a\}, \{b, c\}, \{c, b\}$, т.е., их шесть. Этот результат согласуется с формулой, которую мы привели ранее.

Если же порядок не нужно учитывать, то тогда пользуются формулой сочетаний:

$$C_n^m = \frac{n!}{(n-m)!m!}$$

Например, пусть дано множество $\{a, b, c\}$. Тогда все сочетания будут $\{a, b\}, \{a, c\}, \{b, c\}$, т.е., их три. Такой же результат можно получить, применив формулу сочетаний.

Приведём пример непосредственного вычисления вероятностей. Пусть на отдельных карточках написаны буквы Т, Е, О, Р, И, Я. И пусть нужно выбрать (i) три и (ii) шесть карточек наугад. Задача состоит в нахождении вероятности получения (i) слова "ТОР", (ii) слова "ТЕОРИЯ". Для первого случая мы имеем $m = 1$ (так как всего одна комбинация даёт нужный расклад карточек), а $n = A_6^3 = 120$ (так как нам нужно учитывать порядок, то применяем формулу размещений), тогда $P(A) = \frac{1}{120}$. Для второго же случая мы имеем $m = 1$ (опять всего лишь один расклад карточек даёт нужный результат), а $n = A_6^6 = 6! = 720$ (так как нам интересны перестановки всех шести карточек), тогда $P(B) = \frac{1}{720}$.

1.9.2 Мода, медиана и статистические моменты

Иногда при анализе алгоритмов необходимо вывести среднюю сложность неких операций. Тут можно выделить несколько основных свойств распределений. Например, иногда можно в качестве точечной оценки дать моду распределения - наиболее часто встречающееся значение. Иногда же, используют медиану - значение, которое больше ровно половины всех остальных значений.

Конечно, основной инструмент при анализе алгоритмов - это математическое ожидание. Для дискретных случайных величин математическое ожидание можно определить следующим образом:

$$E[X] = \sum_{i=0}^n p_i x_i$$

Математическое ожидание также называется моментом первого порядка. Существуют и другие моменты. Например, моментом второго порядка называется дисперсия, которую можно вычислить по следующей формуле:

$$D[X] = \sum_{i=0}^n p_i (x_i - E[X])^2$$

1.9.3 Основные законы распределения

Существует множество законов распределения вероятностей, как дискретных, так и не дискретных. В анализе же алгоритмов, как правило, встречаются в основном только дискретные законы распределения вероятностей.

Таким образом, два основных закона распределения, которые можно встретить на практике при анализе алгоритмов - это геометрическое и биномиальное распределения. На Графике 1.2 мы приводим эти распределения.

Таким образом, геометрическое распределение (здесь p - это вероятность успеха в испытание, а $m \in \{1, 2, 3, 4, 5, \dots\}$ - это количество попыток до первой удачи) можно обозначить следующей формулой:

$$P(X = m) = p(1 - p)^{m-1}$$

Математические ожидания можно вычислять с помощью так называемых генерирующих функций. Так, для геометрического закона распределения вероятностей математическое ожидание можно найти следующим образом. Для начала найдем математическое ожидание $E[e^{Xt}]$:

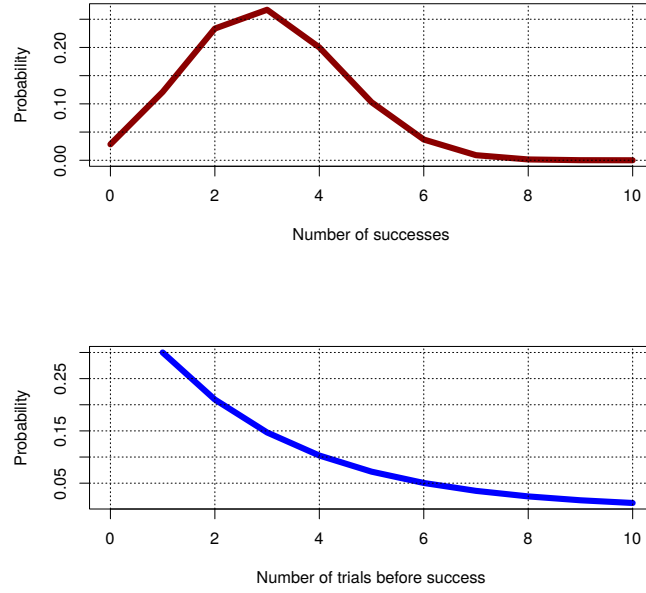


График 1.2: Геометрическое (нижний график) и биномиальное (верхний график) распределения вероятностей

$$m_X(t) = E[e^{Xt}] = \sum_{m=1}^{\infty} e^{mt} p q^{m-1} = \frac{p}{q} \sum_{m=1}^{\infty} (e^t q)^m = p \frac{e^t}{(1 - e^t q)}$$

Далее вычислим производную функции $m_X(t)$:

$$\frac{d}{dt} m_X(t) = p \frac{e^t}{(1 - e^t q)^2}$$

Вычислив производную в $t = 0$ получим математическое ожидание для геометрического закона распределения:

$$\frac{d}{dt} m_X(0) = E[X] = p \frac{1}{(1 - q)^2} = \frac{1}{p}$$

Биномиальный же закон распределения вероятностей (здесь p - это вероятность успеха, m - это количество удач, а n - это количество всех испытаний) можно выразить через следующую формулу:

$$P(X = m) = C_n^m p^m (1 - p)^{n-m}$$

Для данного закона распределения справедлива следующая формула математического ожидания $E[X] = \sum_{m=0}^n m C_n^m p^m (1 - p)^{n-m} = np$. Найдём математическое ожидание с помощью генерирующей функции. Так, например, найдём математическое ожидание $E[e^{Xt}]$:

$$m_X(t) = E[e^{Xt}] = \sum_{m=0}^n e^{mt} C_n^m p^m (1 - p)^{n-m} = (pe^t + q)^n$$

Далее, найдём производную полученного выражения:

$$\frac{d}{dt} m_X(t) = n(pe^t + q)^{n-1} pe^t$$

Вычислив полученное выражение в точке $t = 0$ получаем:

$$\frac{d}{dt} m_X(0) = E[X] = n(pe^0 + q)^{n-1} pe^0 = np$$

1.9.4 Зачем нужна теория вероятности в изучении алгоритмов?

Часто на практике необходимо дать среднюю сложность алгоритма, а не например, максимальную, или сложность получающуюся в худшем случае. И тут как правило не обойтись без знаний теории вероятности и математической статистики. Приведем пример того как можно проанализировать сложность следующего алгоритма на языке Python:

```
from random import randint

def collision(size = 100):
    x0 = randint(0, size);
    while True:
        x1 = randint(0, size);
        if x0 == x1:
            break;
```

Данный алгоритм ищет коллизии и прекращается тогда, когда найдено совпадение. Проанализируем вычислительную сложность. Можем заметить, что вероятность нахождения совпадения на каждом шаге равна $P(A) = p = \frac{1}{n}$, где n - это общее количество ячеек или урн. Соответственно вероятность того, что совпадения не будет, равна $P(\bar{A}) = q = 1 - p$. Тогда вероятность коллизии на i -ом шаге можно вычислить как $P(X = i) = pq^{i-1}$. Заметим, это распределение

подчинено геометрическому закону. Зная, что среднее значение геометрического распределения равно $E[X] = \sum_{i=1}^{\infty} ipq^{i-1} = \frac{1}{1-q}$, можно утверждать, что сложность данного алгоритма $\Theta(\frac{1}{1-q})$ (здесь мы говорим о среднем значении, а не о худшем случае или лучшем случае, так как в худшем случае алгоритм может вообще не закончить свое выполнение, а в лучшем случае алгоритм может остановиться после первого шага).

Приведем еще один пример стохастического алгоритма. Пусть задача состоит в нахождении случайной перестановки чисел из множества. Например, пусть дано множество $\{1, 2, 3\}$, тогда возможными перестановками будут $\{1, 2, 3\}$, $\{2, 1, 3\}$, $\{1, 3, 2\}$, $\{3, 2, 1\}$, $\{3, 1, 2\}$, $\{2, 3, 1\}$. Приведем (неэффективную) реализацию алгоритма (эффективный алгоритм требует время $O(n)$).

```
from random import randint

def permutations(n):
    result = [0] * n;
    used = [False] * n;
    j = randint(0, n);
    used[j] = True;
    result[0] = j;
    for i in range(1, n):
        while True:
            r = randint(0, n - 1);
            if not used[r]:
                result[i] = r;
                used[r] = True;
                break;
    return result;
```

Заметим, что на i -ом шаге вероятность нахождения незанятого слота составляет $P(A) = p = \frac{n-i}{n}$ (вероятность обратного события будет $P(\bar{A}) = q = 1 - p = \frac{i}{n}$). Очевидно, что как и в предыдущем примере, вероятность того, что свободная ячейка найдется после j -ой итерации на i -ом шаге, будет равна $P(X = j) = pq^{j-1}$. Составим таблицу, в которой приведем ожидаемое время выполнения алгоритма на каждом шаге (смотрите Таблицу 1.10).

Очевидно, что ожидаемое время выполнения алгоритма на i -ом шаге равно $\frac{n}{n-i}$. Тогда, просуммировав все значения в последней колонке, мы сможем найти среднее время всего алгоритма, т.е., $\sum_{i=1}^{n-1} \frac{n}{(n-i)}$. Так как вычисление этой суммы достаточно сложно, то проще дать верхнюю оценку алгоритма, например $O(n^2)$. Здесь мы продемонстрировали не только как можно проводить анализ стохастического алгоритма, но и тот факт, что иногда проще дать

Шаг	$P(A) = p$	$P(\bar{A}) = q$	Мат. ожидание
1	$(n-1)/n$	$1/n$	$\sum_{j=1}^{\infty} j p q^{j-1} = \frac{1}{(1-q)} = \frac{n}{(n-1)}$
2	$(n-2)/n$	$2/n$	$\sum_{j=1}^{\infty} j p q^{j-1} = \frac{1}{(1-q)} = \frac{n}{(n-2)}$
3	$(n-3)/n$	$3/n$	$\sum_{j=1}^{\infty} j p q^{j-1} = \frac{1}{(1-q)} = \frac{n}{(n-3)}$
...
i	$(n-i)/n$	i/n	$\sum_{j=1}^{\infty} j p q^{j-1} = \frac{1}{(1-q)} = \frac{n}{(n-i)}$

Таблица 1.10: Пошаговое вычисление ожидаемого времени выполнения алгоритма нахождения перестановок

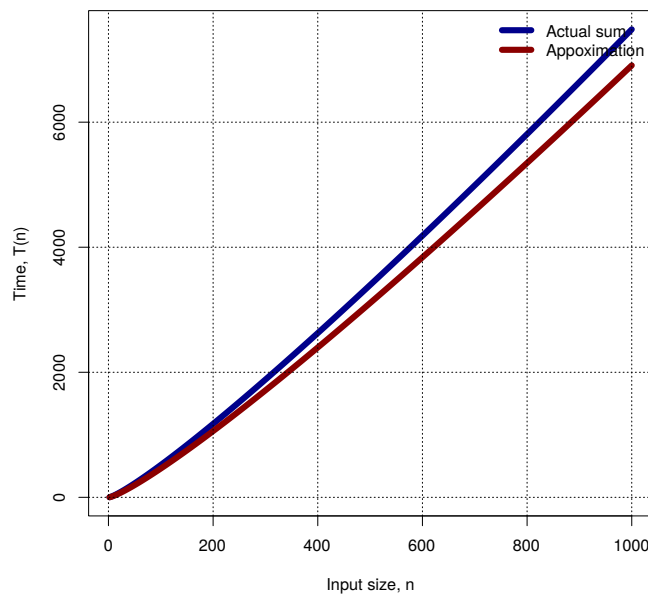


График 1.3: Сравнение точного значения суммы и аппроксимации

верхнюю оценку алгоритма, как мы упомянули это в Главе 1.5. Читатель может самостоятельно попробовать дать точную оценку Θ . Однако, заметив, что данная сумма напоминает гармонический ряд, мы можем аппроксимировать сумму интегралом (на Графике 1.3 отображено расхождение реальной суммы и аппроксимации) и тем самым дать нижнюю оценку сложности алгоритма:

$$\sum_{i=1}^{n-1} \frac{n}{(n-i)} \approx n \int_1^{n-1} \frac{dx}{(n-x)} = -n \ln(1) + n \ln(n-1) < n \log_2(n)$$

Тогда нижнюю границу для сложность нашего алгоритма можно оценить как $\Omega(n \ln(n))$.

ГЛАВА 2

Основы языка программирования Python

Прежде чем мы сможем окунуться в изучение алгоритмов и структур данных нам необходимо ознакомиться с основами языка Python. Но начнем знакомство с Python с его установки.

2.1 Установка Python3

Установка интерпретатора Python достаточно простое действие, но оно отличается в зависимости от того, какую операционную систему использует пользователь. Две наиболее распространённые операционные системы - это Windows от компании Microsoft, и бесплатно распространяемая операционная система Linux. Стоит отметить, что существует огромное множество дистрибутивов операционной системы Linux. Но в нашем случае, мы будем использовать дистрибутив Ubuntu.

2.1.1 Установка в Windows

Перед началом установки Python под управлением операционной системы Windows, стоит выяснить разрядность процессора, который используется для вычислений. Существует два основных типа процессора: 32 битный (архитектура x86) и 64 битный (архитектура x86-64).

После того как мы узнали разрядность процессора, заходим на официальный сайт Python <https://www.python.org/> и в разделе загрузок находим ссылку на последнюю версию языка Python. На момент написания данной книги последняя версия интерпретатора Python была 3.8.1.

Скачиваем установщик интерпретатора для нужного типа процессора и после загрузки выполняем установку интерпретатора и среды разработки (для этого достаточно выполнить двойной щелчок по скаченному файлу). После установки можно запустить командную строку (PowerShell) и выполнить следующую команду:

```
C:\ > python
```

Если установка прошла успешно, то пользователь должен увидеть приглашение интерпретатора для ввода команд.

2.1.2 Установка в Linux

Установка Python в Ubuntu Linux намного проще, так как можно воспользоваться стандартным установщиком пакетов Ubuntu. Для этого стоит открыть консоль и выполнить следующую команду:

```
$ sudo apt-get install python3
```

Менеджер пакетов самостоятельно загрузит интерпретатор Python, а также все необходимые зависимости. После установки, можно проверить результат, вызвав интерпретатор Python:

```
$ python3
```

Стоит отметить, что вместе с интерпретатором установится и менеджер пакетов Python - `pip`. Так, например, если нужно установить какую либо библиотеку, то это можно сделать с помощью программы `pip`. Например, если читатель хочет установить библиотеку для работы с криптографическими примитивами (библиотека `pycryptodome`), то достаточно выполнить следующую команду:

```
$ pip3 install pycryptodome
```


В оставшейся части книги мы будем предполагать наличие именно Ubuntu Linux у пользователя. И все команды, которые мы будем приводить, будут исполняться в консоле (терминале) Ubuntu Linux.

Для демонстрации работы интерпретатора, предположим что пользователь создал файл в редакторе (мы рекомендуем редактор SubLime ¹, так как он очень гибкий и подсвечивает синтаксис языка Python), ввел в него следующие строки кода (стоит заметить, что отступы должны быть либо табами, либо пробелами) и сохранил в домашней директории как `hello_world.py`:

```
from sys import argv

def main():
    print("Hello world, %s" % (argv[1]))

main()
```

После переходим в домашний каталог пользователя и выполняем наш первый скрипт:

```
$ cd ~
$ python3 hello_world.py Dmitriy
```

После выполнения данных команд пользователь должен увидеть Hello world, Dmitriy в консоле. Если такое сообщение не появится, то либо пользователь не правильно установил Python, либо не корректно ввел исполняемый код, приведённый выше, либо сохранил код не в нужной директории.

2.2 Типы данных

Язык Python не строго типизированный, то есть для объявления переменных не требуется указывать тип данных переменной. Но, не смотря на это, в языке Python все же существует несколько типов данных. Перечислим эти типы данных. Так в языке Python есть целочисленные данные, численные данные с плавающей точкой, комплексные числа, булевы данные, строковые данные, а также объекты. Существуют встроенные и пользовательские объекты. Так например, к встроенным объектам можно отнести последовательности (списки, кортежи), словари, множества, а также бинарные объекты (байты и байтовые массивы).

¹<https://www.sublimetext.com/>

Приведем примеры этих типов данных. Начнём с целочисленных данных. Целочисленные данные представляют собой множество натуральных чисел. Как и в математике, в Python3 целочисленная переменная может принимать любое значение от минус бесконечности до плюс бесконечности (конечно объём доступной памяти накладывает ограничения). Это нововведение в Python3 позволяет работать с большими числами без особого труда. В частности, это свойство незаменимо в криптографических алгоритмах. Приведём пример объявления целочисленной переменной. Для этого дадим сначала имя переменной и присвоим ей значение 10, как это указано в нашем примере:

```
number = 10
```

Теперь переменная `number` содержит данные в виде числа 10. Целые числа можно задавать и в системе счисления отличной от десятичной. Например, число 10 можно задать в двоичной системе счисления:

```
number = 0b1010
```

Или же можно задать это же число в шестнадцатеричной системе счисления:

```
number = 0xA
```

Стоит заметить, что переменной `number` можно присвоить значение любого другого типа данных. Например, следующие выражения являются корректными в языке Python:

```
number = 10;  
number = 10.1;
```

Следующий тип данных, который мы рассмотрим будут числа с плавающей точкой. Такие числа можно представить как в явном виде, так и в научном. Например, следующая строка кода инициализирует переменную числом с плавающей точкой в явном виде:

```
number = 2.718;
```

Можно также использовать научный формат для данных с плавающей точкой. Например, число $3 \cdot 10^{10}$ можно записать в языке Python как:

```
number = 3e10;
```

Если же потребуется задать число с определённым числом знаков после запятой, т.е., представить, например, число вида $278 \cdot 10^{-2}$, то можно воспользоваться следующей нотацией:

```
number = 278e-2;
```

Для данных с плавающей точкой существуют ограничения. Таким образом, максимальное значение для данных с плавающей точкой будет число $1.7976931348623157 \cdot 10^{308}$

```
number = 1.7976931348623157e308;
```

Число, которое больше $1.7976931348623157 \cdot 10^{308}$ уже будет равно бесконечности (для этого существует специальная константа `inf`). Тоже самое ограничение существует и для отрицательных чисел, т.е., минимальное значение будет $-1.7976931348623157 \cdot 10^{308}$, а все что меньше этого числа будет равно минус бесконечности (или же `-inf`). Более того, если число меньше 10^{-323} , то оно будет равно 0.0. Например, если читатель выполнит следующую команду в интерпретаторе, то он получит число ноль:

```
number = 1e-324
```

Вообще, строго говоря, приведённые примеры выше имеют смысл для компьютеров с 64 битной архитектурой (автор книги использует именно такой процессор). Читатель может самостоятельно проверить максимальное и минимальное значения для данных с плавающей точкой, выполнив следующий код:

```
import sys
sys.float_info
```

Для работы с числовыми данными существует набор встроенных методов. Например, чтобы отобразить все методы достаточно выполнить следующую команду в интерпретаторе:

```
help(int)
```

Далее мы приведём описание некоторых этих функций. Начнем мы с функции `__abs__()`. Эта функция предназначена для получения абсолютного значения переменной. Например, следующий отрывок кода выведет на экран число 10:

```
value = -10;
print(value.__abs__())
```

Стоит заметить, что функция вызывается через точку, так как она является методом класса. Следующая функция, которую мы рассмотрим - это `__divmod__(x)`. Данная функция возвращает как остаток от деления, так и целую часть от деления, причём делитель передается в качестве параметра. Например, следующий кусочек кода возвратит кортеж, который будет содержать целую часть от деления (первое значение) и остаток (второе значение):

```
value = 14;
result = value.__divmod__(4);
print(result[1]);
```

Результат этого кода эквивалентен следующей операции в языке Python:

```
value = 14;
print(value % 4);
```

Если требуется перевести целочисленное значение в тип данных с плавающей точкой, то можно воспользоваться функцией `__float__()`:

```
value = 14;
print(value.__float__());
```

Обратная операция также возможна, если воспользоваться функцией `__int__()`:

```
value = 14.5;
print(value.__int__());
```

Строковые данные в Python3 представляют собой набор символов, закодированных (по умолчанию) в UTF-8 формате. Строковые переменные должны всегда быть заключены в одинарные или двойные кавычки. Например, объявить строковые переменные можно следующим образом:

```
my_string_var = 'Python is great!';
my_string_var = "Python is great!";
```

Если же строка слишком длинная, то её можно представить в следующем виде:

```
my_string_var = """
Python is great!
This is a multiline string!
"""
```

В языке Python существует набор специальных функций для работы со строками. Рассмотрим наиболее часто используемые из них. Для того, чтобы получить справку по всем доступным функциям для работы со строками достаточно выполнить следующую команду в интерпретаторе:

```
help(str)
```

2.3 Переменные

2.4 Операторы

2.4.1 Бинарные операторы

Бинарные операторы это те операторы, которые требуют два операнда - левый и правый. Например, сложение двух целых числ требует бинарный оператор `+`:

```
def add(operand1, operand2):  
    return operand1 + operand2;  
result = add(10, 12);
```

Сложение

Вычитание

Умножение

Деление

Остаток от деления

Каждое число a можно представить в виде следующей линейной комбинации: $a = bq + r$. Тогда если мы будем делить a на b , то r будет остатком от деления. В языке Python остаток от деления можно получить используя оператор `%`.

Часто бывает необходимо вычислить остаток от деления двух целых чисел. Например, в теории чисел, которая используется в криптографии бывает необходимо вычислить наибольший общий делитель двух чисел, $gcd(a, b)$. Для этого используют широко известный алгоритм Евклида, который был бы немыслим без оператора, который даёт остаток от деления. Приведем этот алгоритм:

```
def gcd(a, b):  
    if b == 0:  
        return a;  
    return gcd(b, a % b);
```

2.4.2 Унарные операторы

2.4.3 Логические операторы

2.4.4 Приоритеты операторов

2.5 Выражения

2.6 Циклы

```
i = 10;
while i >= 0:
    print("Current index: " + str(i));
    i -= 1;

end = 10;
start = 0;
step = 1;
for i in range(start, end, step):
    print("Current index: " + str(i));
```

2.7 Ветвления

```
from sys import stdin
a = 10;
print("Input a number: ")
b = int(stdin.readline())
if a > b:
    print("a > b")
elif a == b:
    print("a == b")
else:
    print("a < b")
```

2.8 Функции

2.9 Классы

2.10 Модули

ГЛАВА 3

Основные структуры данных

В данном разделе мы приведём описание и примеры использования основных структур данных, которые можно встретить на практике. Начнем мы наш диалог с множеств и массивов, далее опишем использование очередей и стеков, а закончим наш рассказ деревьями и графами.

3.1 Множества

В главе посвящённой математическим основам мы уже сталкивались с множествами и операциями над ними. Здесь же мы расскажем о том как можно работать с множествами в языке Python.

Для множеств в языке Python есть встроенный класс. Его можно инициализировать следующим образом:

```
my_set_1 = set();  
my_set_2 = set([1, 2, 3]);
```

Полный список методов данного класса можно посмотреть, вызвав справку в среде Python:

```
help(set)
```

3.2 Массивы

3.3 Ассоциативные массивы

3.4 Связавнные списки, очереди и стеки

Связанные списки довольно часто встречаются в программировании. С помощью связанных списков можно моделировать очереди и стеки, которые мы рассмотрим далее. А пока рассмотрим как реализуется данная структура данных в языке программирования Python (полный исходный код представлен читателю далее). В каждом связанном списке элемент имеет указатель на следующий и предыдущий элементы, а также содержит собственно данные этого элемента.

У связанного списка есть три основных метода `add`, `get` и `remove`. При добавлении элемента к списку, новый элемент будет добавляться в конец списка, при этом указатель на предыдущий элемент будет инициализироваться ссылкой на последний элемент списка (до добавления), а ссылка на следующий элемент (последнего элемента до добавления) будет указывать на элемент, который мы добавляем.

При удалении происходит сначала поиск элемента по индексу, а после, если элемент найден, обновляются указатели на предыдущий и следующий элементы. Иными словами, элемент, который находится до удаляемого элемента (если такой есть) будет иметь следующую ссылку на элемент, находящийся после удаляемого элемента (если такой есть). И наоборот, ссылка на предыдущий элемент (если таковой есть) элемента, который находится после удаляемого элемента, будет указывать на элемент предшествующий удаляемому элементу или иметь нулевую ссылку.

На Графике ?? мы демонстрируем как это происходит удаление и добавление элементов.

```
class litem():
    def __init__(self, value):
        self.next = None;
        self.prev = None;
        self.value = value;
```

```
class linked_list():

    def __init__(self):
        self.head = None;
```



```
self.tail = None;
self.length = 0;

def size(self):
    return self.length;

def add(self, item):
    if not isinstance(item, list):
        raise Exception("Invalid type for item");
    self.length += 1;
    if not self.head:
        self.head = item;
    item.prev = self.tail;
    item.next = None;
    if self.tail != None:
        self.tail.next = item;
    self.tail = item;

def get(self, index):
    if index < 0 or index > self.length:
        raise Exception("Index out of range");
    item = self.head;
    prev = None;
    current_index = 0;
    while item != None:
        if current_index == index:
            return item;
        current_index += 1;
        item = item.next;

def remove(self, index):
    if index < 0 or index > self.length:
        raise Exception("Index out of range");
    item = self.head;
    prev = None;
    current_index = 0;
    while item != None:
        if current_index == index:
            self.length -= 1;
            if item == self.head:
                if item == self.tail:
                    self.head = self.tail = None;
                else:
                    self.head = item.next;
            return item;
        elif item == self.tail:
```

```

        self.tail = self.tail.prev;
        self.tail.next = None;
        return item;
    else:
        prev = item.prev;
        next = item.next;
        prev.next = next;
        next.prev = prev;
        return item;
    current_index += 1;
    item = item.next;

def iterate(self):
    i = self.head;
    while i != None:
        yield i.value;
        i = i.next;

```

Проанализируем вычислительную сложность и сложность памяти. Очевидно, что данная структура данных требует $O(n)$ памяти. Добавление же элемента в список требует $O(1)$ времени, а удаление и поиск в худшем случае требует $O(n)$ времени.

Теперь, когда мы знаем как работает связанный список, мы можем приступить к рассмотрению стека. Стек - это структура данных, в которой каждый новый элемент добавляется в конец списка. При удалении также выбирается последний элемент. Иными словами стек реализует правило: Последний пришёл, первый ушёл. Таким образом у стека есть три основных метода - push (отвечает за добавление элемента к стеку), pop (отвечает за удаление элемента из стека) и top (отвечает за просмотр (без удаления) значения последнего добавленного элемента). Стек легко реализовать с помощью связанного списка.

```

class stack():
    def __init__(self):
        self.ll = linked_list();
    def push(self, value):
        self.ll.add(litem(value));
    def pop(self):
        length = self.ll.size();
        if length == 0:
            raise Exception("Stack is empty");
        return self.ll.remove(length - 1).value;
    def top(self):
        length = self.ll.size();

```

```

if length == 0:
    raise Exception("Stack is empty");
return self.ll.get(length - 1).value;

```

В отличие от стека, очередь реализует правило: Первый пришёл, первый вышел. Также как и стек, очередь легко реализовать с помощью связанного списка: новое поступление в очередь добавляется в конец списка, а удаление из очереди происходит путём удаления первого элемента из списка. Очереди очень часто используются в математическом моделировании. Например, в теории массового обслуживания, очередь используется как инструмент для моделирования поступления и обслуживания абонентов, так как они отражают то, как происходит обслуживание в реальной жизни. Исходный код очереди, основанной на связанном списке, приводится ниже.

```

class queue():
    def __init__(self):
        self.ll = linked_list();
    def enqueue(self, value):
        self.ll.add(litem(value));
    def dequeue(self):
        return self.ll.remove(0).value;

```

Очевидно что все операции (удаление и добавление элемента из очереди) происходят за время $O(1)$. При этом затраты на память можно представить как $O(n)$.

3.5 Деревья

3.5.1 Бинарные деревья

3.5.2 Сбалансированные бинарные деревья

Определение 16. Сбалансированным бинарным деревом называется такое дерево, у которого разница в высоте самого глубокого и самого неглубокого листа меньше либо равна единице.

3.5.3 Обход дерева вглубь и вширь

3.5.4 Кучи

Рассмотрим бинарную кучу, которую мы приводим на Графике 3.1. Прежде чем мы приступим описанию свойств бинарной кучи и тому, как бинарная куча

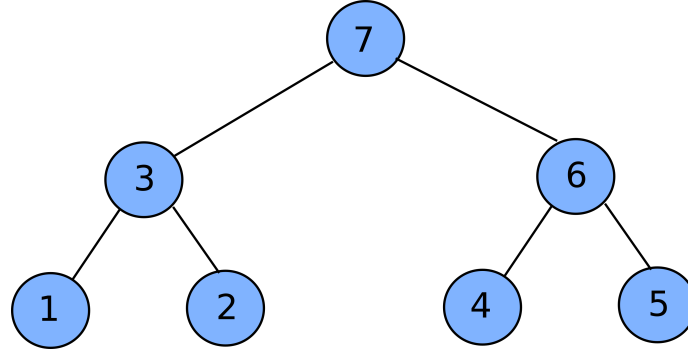


График 3.1: Бинарная куча

может быть реализована в языке Python, приведем теорему, результат который позволяет эффективно обходить бинарное дерево.

Теорема 7. В сбалансированном бинарном дереве левый потомок i -ого узла может быть найден под индексом $2i$, а правый потомок под индексом $2i + 1$.

Пусть нам дан узел дерева с индексом i (индексирование узлов начинается с 1). Тогда глубина этого узла будет равна $\lfloor \log_2(i) \rfloor$ (это очевидно, так как на каждом уровне количество узлов удваивается, см. График 3.1). Пусть n - это количество узлов, предшествующих узлу i (на том же уровне), а m - это общее количество узлов до текущего уровня $\lfloor \log_2(i) \rfloor$ включительно. Тогда индекс левого потомка можно вычислить как $2n + m + 1$. Но так как

$$n = i - \sum_{l=0}^{\lfloor \log_2(i) \rfloor - 1} 2^l - 1 = i - (2^{\lfloor \log_2(i) \rfloor} - 1) - 1$$

А так как

$$m = \sum_{l=0}^{\lfloor \log_2(i) \rfloor} 2^l = 2^{\lfloor \log_2(i) \rfloor + 1} - 1$$

Получаем

$$2n + m + 1 = 2(i - (2^{\lfloor \log_2(i) \rfloor} - 1) - 1) + 2^{\lfloor \log_2(i) \rfloor + 1} - 1 + 1 = 2i$$

Очевидно, что индекс правого потомка тогда будет равен $2i + 1$. Что и требовалось доказать.

Отметим способ, которым мы нашли сумму. Пусть $S = \sum_{l=0}^{\lfloor \log_2(i) \rfloor} 2^l$, тогда $2S = \sum_{l=1}^{\lfloor \log_2(i) \rfloor + 1} 2^l$, а $2S - S = 2^{\lfloor \log_2(i) \rfloor + 1} - 1$.

Рассмотрим добавление узла в бинарную кучу 3.2.

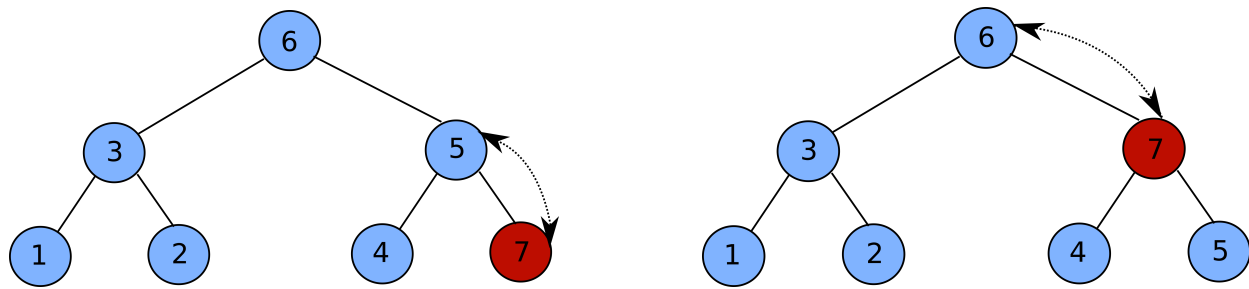


График 3.2: Добавление элемента к бинарной куче

```

class heap():
    def __init__(self):
        self.h = [0];
        self.length = 0;

    def size(self):
        return self.length;

    def _down(self):
        c = 1;
        while c * 2 <= self.length:
            if c * 2 + 1 <= self.length:
                if self.h[c * 2] < self.h[c * 2 + 1]
                   and self.h[c] < self.h[c * 2 + 1]:
                    v = self.h[c];
                    self.h[c] = self.h[c * 2 + 1];
                    self.h[c * 2 + 1] = v;
                    c = c * 2 + 1;
            elif self.h[c] < self.h[c * 2]:
                v = self.h[c];
                self.h[c] = self.h[c * 2];
                self.h[c * 2] = v;
                c = c * 2;
            else:
                break;
        else:
            if self.h[c] < self.h[c * 2]:
                v = self.h[c];
                self.h[c] = self.h[c * 2];
                self.h[c * 2] = v;
                c = c * 2;
            else:
                break;

```

```

def _up(self):
    c = self.length;
    while c > 1 and self.h[c] > self.h[floor(c / 2)]:
        v = self.h[c];
        self.h[c] = self.h[floor(c / 2)];
        self.h[floor(c / 2)] = v;
        c = floor(c / 2);

def pop(self):
    if self.length == 0:
        return None;
    self.length -= 1;
    v = self.h[1];
    if self.length == 0:
        self.h = [0];
        return v;
    self.h[1] = self.h[len(self.h) - 1];
    self.h = self.h[0:len(self.h) - 1];
    self._down();
    return v;

def push(self, v):
    self.length += 1;
    self.h.append(v);
    self._up();

```

В предыдущей главе мы рассмотрели очереди. Но иногда возникает необходимость в очереди с приоритетами. Например, в сетях передачи данных пакеты могут иметь различные приоритеты и соответственно передаваться должны первыми те пакеты, которые имеют наибольший приоритет. И тут уже не обойтись без очереди с приоритетами. Очереди с приоритетами легко реализовать с помощью куч. Приведём пример того, как это можно сделать.

```

class priority_queue():
    def __init__(self):
        self.h = heap();
    def enqueue(self, value):
        self.h.push(value);
    def dequeue(self):
        return self.h.pop();

```

Так как куча имеет свойство того, что максимальный элемент находится в корне дерева, то при удалении выбирается именно элемент с максимальным приоритетом. Зная, что свойства кучи можно восстановить за время $O(\log_2(n))$, то операции (добавление и удаление элементов в очередь с приоритетами) также

требуют $O(\log_2(n))$ времени. При этом объём занимаемой памяти можно определить как $O(n)$.

3.6 Графы

3.6.1 Направленные графы

3.6.2 Ненаправленные графы

3.6.3 Представление графов в Python

Самым простым способом представления графов в языке Python является матричное кодирование. Так, например, если дан граф $G = (E, V)$, то его можно представить как двумерный массив, в котором в каждой ячейки ставится 1, если между парой узлов (i, j) существует ребро. Если же между вершинами нет ребра, то соответствующий элемент массива будет равен 0. Если же каждому ребру соответствует еще и вес, то вместо 1 проставляется значение веса.

3.6.4 Обход графов

3.6.5 Поиск наикратчайшего пути между двумя вершинами

Поиск коротких путей в графе - это одна из часто встречающихся задач в программировании. Так, на практике эту задачу можно применить в компьютерных сетях, в логистических задачах и многих других. В связи с этим, в главе, посвященной теории конструирования алгоритмов, которую читатель встретит далее, мы приведём жадный алгоритм поиска пути между двумя вершинами. В главе же посвященной динамическому программированию мы приведём пример алгоритма Флойда-Воршела, который позволяет найти все короткие пути между любой парой узлов за время $O(n^3)$, где n - это количество вершин в графе. Здесь же приведем пример алгоритм A^* (читается A star). Этот алгоритм позволяет найти наикратчайший путь между двумя вершинами используя бинарную кучу. И, наконец, мы также рассмотрим алгоритм Дейкстры, который позволяет найти кратчайшие пути между заданным узлом и остальными вершинами в графе.

Алгоритм A*

A* (читается как A star) - алгоритм поиска наикратчайшего пути в ненаправленном графе. Данный алгоритм работает следующим образом. Для начала заведем кучу, в которой минимальный элемент находится в корне дерева (в куче будут храниться пары - индекс узла и расстояние от начального до данного узла, причем куча будет сортироваться по расстоянию). Очевидно, что нас интересует именно такая куча, так как мы ищем самый короткий путь от начального до конечного узла. Заведём ещё переменную `cost_so_far`. В этой переменной будем хранить текущее наименьшее расстояние до данного узла (от начального узла). И проинициализируем кучу начальным узлом.

Далее, открываем цикл, который будет работать до тех пор, пока в куче есть узлы или же мы достигнем конечный узел. В теле цикла мы выбираем тот узел, который имеет наименьшее расстояние от начального узла (это тривиально, так как мы используем кучу с минимальным значением в корне, или же `min heap`). Далее пробегаемся по всем узлам, с которыми связан данный узел: Если расстояние от текущего узла до начального узла плюс расстояние от текущего узла до выбранного дочернего узла меньше, чем расстояние от данного дочернего узла до начального узла (это значение хранятся в массиве `cost_so_far`), то мы обновляем переменную `cost_so_far` новым расстоянием и добавляем дочерний узел в кучу (как метрику мы выбираем полное расстояние от данного узла до начального, которое хранится в переменной `new_cost`). Полный алгоритм приведён ниже.

```
from math import inf

def a_star_search(graph, start, end):
    h = min_heap()
    cost_so_far = [inf] * len(graph)
    came_from = dict()
    h.push(hitem(start, 0))
    cost_so_far[start] = 0

    while h.size() > 0:
        current = h.pop()
        if current.value == end:
            break
        for i in range(0, len(graph[current.value])):
            if graph[current.value][i] == 0:
                continue
            new_cost = cost_so_far[current.value] + graph[current.value][i]
            if new_cost < cost_so_far[i]:
                cost_so_far[i] = new_cost
```



```
        h.push(hitem(i, new_cost));  
        came_from[i] = current.value;  
return came_from;
```

Давайте проанализируем данный алгоритм.

ГЛАВА 4

Базовые алгоритмы

В данном разделе мы рассмотрим основные алгоритмические приёмы для решения вычислительных задач.

4.1 Разделяй и властвуй

Основной подход алгоритмов данной категории заключается в деление входных данных на части до тех пор, пока задача не сведётся к тривиальной. После обработки данных, в зависимости от алгоритма, данные могут быть объединены воедино для решения поставленной задачи. Например, в алгоритмах сортировки, данные делятся на сегменты до тех пор, пока их размеры не будут настолько малы, что потребуют $O(1)$ времени на их обработку. Затем, результаты объединяются воедино для решения поставленной задачи. В эту же категорию попадают алгоритмы, которые делят входные данные пополам до тех пор пока не будет найдено решение. Примерами таких алгоритмов могут быть бинарный поиск и метод бисекций, которые мы рассмотрим далее.

4.1.1 Бинарный поиск

Бинарный поиск - это самый простой способ отыскания значения в отсортированном массиве. На практике данный алгоритм встречается достаточно часто. Приведём этот алгоритм.

```

a = quicksort(a);

def binary_search(a, v):
    target = v;
    start = 0;
    end = len(a) - 1;
    if len(a) == 0:
        return None;
    while True:
        if end - start == 1 or end == start:
            if a[start] == v:
                return (start, v);
            elif a[end] == v:
                return (end, v);
            else:
                return None;
        mid_point = floor((end + start) / 2);
        if target < a[mid_point]:
            end = mid_point;
        elif target > a[mid_point]:
            start = mid_point;
        elif target == a[mid_point]:
            return (mid_point, v);

binary_search(a, 10);

```

Как можно заметить, алгоритму изначально передаётся отсортированный массив и значение, которое требуется найти в массиве. Сначала выполнения алгоритма за начало берётся индекс 0, а конечный индекс выбирается равным длине массива минус единица. Далее запускается цикл и отыскивается середина массива: если искомое значение меньше чем значение массива в середине, то выбирается левый подмассив для дальнейшего поиска, иначе выбирается правый подмассив. Поиск продолжается до тех пор, пока не будет найдено значение, или же размер подмассива станет меньше, либо равным 2.

Проанализируем данный алгоритм. Так как на каждом шаге размер массива уменьшается вдвое, то можно составить следующее рекуррентное соотношение:

$$T(n) = T(n/2) + 1 = T(n/2^i) + i = O(\log_2(n))$$

При этом, объём оперативной памяти, который потребуется для поиска нужного значения равен $O(n)$.

4.1.2 Метод бисекции

Метод бисекции - это численный метод приближенного решения уравнений. Данный метод является хорошим примером того, как работает метод разделяй и властвуй: на каждом шаге размер входных данных уменьшается вдвое и алгоритм продолжает свое выполнение пока не будет найдено решение (точнее не будет достигнут порог).

```
def f(x):
    return x*x - 2*x;
def bisection(f, a, b, epsilon):
    while True:
        y0 = f(a);
        y1 = f(b);
        y2 = f((a+b)/2);
        if (y1 > 0 and y2 < 0) or (y1 < 0 and y2 > 0):
            a = (a+b)/2;
        elif (y0 > 0 and y2 < 0) or (y0 < 0 and y2 > 0):
            b = (a + b)/2;
        else:
            raise Exception("Signs are the same on both ends");
        if abs(a-b) <= epsilon:
            return (a + b)/2;

print(bisection(f, 0.1, 3, 0.000001));
```

Дадим более строгое определение методу половинного деления, или методу бисекции. Пусть функция $f(x)$ непрерывна на интервале $[a, b]$ и $f(a)f(b) < 0$, т.е. знаки функции в точках a и b разные. Разделим отрезок $[a, b]$ пополам и пусть γ есть середина этого отрезка. Тогда, если $f(\gamma) = 0$ (или близко к нулю), то γ и есть искомый корень (в нашем же случае мы останавливаем вычисления, если длина нового отрезка меньше заданного порога ϵ , что в принципе эквивалентно). Иначе, через $[a_1, b_1]$ обозначим ту из половин $[a, \gamma]$ или $[\gamma, b]$, на концах которой функция имеет противоположенные знаки, и алгоритм продолжается.

Проанализируем вычислительную сложность данного алгоритма. Пусть $|a - b| > 1$, тогда сложность алгоритма можно представить в виде следующей суммы: $\log_2(|a - b|) + |\log_2(\epsilon)|$. Но так как мы предполагаем, что $\log_2(|a - b|)$ является достаточно малой величиной, то сложность алгоритма можно выразить как $O(|\log_2(\epsilon)|)$.

4.1.3 Сортировка слиянием

Сортировка слиянием очень распространённый метод обработки данных. Его отличительная черта заключается в том, что он требует $O(n \log_2(n))$ времени на сортировку в худшем, среднем и лучшем случаях. Т.е., сложность алгоритма не зависит от входных данных.

Сортировка слиянием - это хороший пример того, как работает метод разделяй и властвуй. Полный код данного алгоритма мы приводим ниже. Здесь же поясним некоторые тонкости того, как он работает. Предположим, что изначально на вход функции `merge_sort` подается неотсортированный массив со значениями. Далее, массив разбивается на две части - правую и левую, так, что оба подмассива отличаются по длине максимум на единицу. Эти значения подаются рекурсивно тому же методу. Такое деление продолжается до тех пор, пока в массиве больше чем один элемент. Как только это условие не выполняется, вызывается метод `merge`, который объединяет оба массива таким образом, что конечный (но в зависимости от шага возможно не полный) массив становится отсортированным. Очевидно, что метод `merge` отрабатывает за время $O(n + m)$, где n - это размер подмассива a , а m - это размер подмассива b .

```
from math import floor

def merge(a, b):
    c = [];
    h = 0;
    l = 0;
    while h < len(a) and l < len(b):
        if a[h] < b[l]:
            c.append(a[h]);
            h += 1;
        else:
            c.append(b[l]);
            l += 1;
    if h < len(a):
        for j in range(h, len(a)):
            c.append(a[j]);
    if l < len(b):
        for j in range(l, len(b)):
            c.append(b[j]);
    return c;

def merge_sort(a):
```

```

if len(a) <= 1:
    return a;
midpoint = floor(len(a) / 2);
w = merge_sort(a[0:midpoint]);
v = merge_sort(a[midpoint:len(a)]);
return merge(w, v);

```

Рассмотрим сложность данного алгоритма. Пусть n - это размер входных данных. Из алгоритма приведённого выше следует, что на каждом шаге входные данные делятся на две равные части. Причём для каждого подмассива вызывается рекурсивно функция сортировки до тех пор, пока размер входных данных не станет меньше или равным единице. После вызова метода сортировки, подмассивы объединяются. Очевидно, что слияние на каждом шаге требует $O(n)$ времени. Таким образом мы можем составить следующее рекуррентное соотношение:

$$T(n) = 2T(n/2) + n = 2^i T(n/2^i) + in$$

Но так как алгоритм заканчивает рекурсивный вызов при $2^i = n$, мы имеем:

$$T(n) = 2T(n/2) + n = 2^i T(n/2^i) + in = nT(1) + n \log_2(n) = O(n \log_2(n))$$

Стоит заметить, что сложность данного алгоритма всегда одна и та же, т.е. в лучшем, худшем, и в среднем случаях сложность алгоритма будет равна $O(n \log_2(n))$. Причём сложность для памяти для нашего алгоритма будет равна $O(n \log_2(n))$ (читатель может самостоятельно привести реализацию, которая потребует $O(n)$ памяти).

4.1.4 Быстрая сортировка

Ещё один способ сортировки - это быстрая сортировка. Данный алгоритм также попадает в категорию разделяй и властвуй. Полный исходный код данного алгоритма мы приводим ниже.

```

def quicksort(a):
    if len(a) == 1:
        return a;
    if len(a) == 0:
        return [];
    midpoint = floor(len(a) / 2);
    smaller = [];
    larger = [];

```

```

for i in range(0, len(a)):
    if i == midpoint:
        continue;
    if a[midpoint] > a[i]:
        smaller.append(a[i]);
    if a[midpoint] <= a[i]:
        larger.append(a[i]);
left = quicksort(smaller);
right = quicksort(larger);
return left + [a[midpoint]] + right;

```

Однако, стоит заметить, что этот алгоритм не всегда будет делить массив на две части. Так, например, если значение массива в `a[midpoint]` всегда больше или меньше всех остальных значений, то один из подмассивов всегда будет пустым, а второй массив будет содержать все элементы (за исключением, пожалуй, одного). Давайте проанализируем данный алгоритм. Предположим для начала, что массив всегда делиться на две равные части, тогда будет справедливо следующее рекуррентное выражение (это рекуррентное будет выражать сложность алгоритма в лучшем случае):

$$T(n) = 2T(n/2) + n = 2(2T(n/4) + n/2) + n = 2^i T(n/2^i) + in = O(n \log_2(n))$$

Иными словами сложность алгоритма в лучшем случае такая же, как и у алгоритма слиянием. Но что будет, если мы всегда будем выбирать элемент, который больше или меньше всех остальных? Давайте составим рекуррентное выражение для этого случая:

$$\begin{aligned}
 T(n) &= T(n-1) + n = \\
 &\quad (T(n-2) + n-1) + n = \dots = \\
 &\quad (T(n-i) + n-i+1) + n + n-1 + \dots + n-i+2 = \\
 &\quad \sum_{i=1}^n i = O(n^2)
 \end{aligned}$$

Иными словами, в худшем случае алгоритм будет выполняться за время $O(n^2)$. Объем оперативной памяти, который потребуется для выполнения данного алгоритма будет равен $O(n \log_2(n))$ (при более продуманной реализации (если переставлять элементы в массиве на месте), объём необходимой оперативной памяти будет равен $O(n)$).

4.1.5 Сортировка кучей

Сортировка кучей достаточно изящный метод - так как по свойству куч наибольший элемент содержится в вершине дерева то, удаляя поочерёдно один за другим элементы из кучи, мы можем отсортировать массив в нужном порядке. Полный исходный код данного алгоритма сортировки мы приводим ниже.

```
from enum import Enum

class Direction(Enum):
    ASC = 1
    DESC = 2

def heap_sort(a, direction = Direction.ASC):
    h = heap();
    for i in a:
        h.push(i);
    b = [];
    for i in range(0, h.size()):
        b.append(h.pop());
    if direction == Direction.ASC:
        b.reverse();
    return b;

d = Direction(Direction.DESC);

heap_sort([2, 1, 4, 55, 42, 11], d);
```

Проанализируем данный алгоритм. Так как мы знаем, что восстановление свойств кучи занимает время $O(\log_2(n))$, а цикл в теле функции `heap_sort` выполняется n раз, то несложно выяснить, что вычислительная сложность алгоритма в худшем, лучшем и среднем случаях будет всегда занимать время $O(n \log_2(n))$. Также, заметим, что сложность памяти составляет $O(n)$ (это легко достижимо, если кодировать кучу одномерным массивом, как мы это делали в предыдущей главе).

4.2 Жадные алгоритмы

Жадные алгоритмы часто встречаются в программировании. Такое название эти алгоритмы получили из-за того, что на каждом шаге выбирается то решение, которое является оптимальным не в глобальном смысле, а лишь лучшим на данном шаге. Удивительно то, что выбор таких локальных оптимумов в

некоторых задачах в итоге приводит к оптимальному глобальному решению проблемы. Рассмотрим несколько примеров жадных алгоритмов. Так первым примером будет кодирование информации методом Хафмана, а после мы рассмотрим алгоритм нахождения пути между двумя узлами в ненаправленном графе.

4.2.1 Коды Хафмана

Коды Хафмана - это способ кодирования информации (без потери) оптимальным образом. В кодах Хафмана каждый код соответствует символу, причём ни один код не является префиксом любого другого кода, т.е. закодированное сообщение можно декодировать однозначно.

Рассмотрим пример. Пусть нам дано следующее предложение на английском языке:

4.3 Динамическое программирование

Динамическое программирование является мощным инструментом при разработке программ. Основная мысль данного подхода заключается в разбиении одной сложной задачи на более простые подзадачи и запоминание результатов вычислений этих подзадач в одномерном или двумерном массиве. После решения подзадач, можно перейти к решению более общей задачи и найти тем самым оптимальное решение для общей задачи. Самое главное преимущество динамического программирования заключается в том, что этот метод позволяет существенно снизить вычислительную сложность: так как для решения более общей подзадачи используются сохранённые решения подзадач, то вычислительная сложность заметно сокращается.

Рассмотрим применение динамического программирования на примере вычислений чисел Фибоначчи. Числа Фибоначчи могут быть вычислены рекурсивно следующим образом: $F_i = F_{i-1} + F_{i-2}$, где $F_0 = 0, F_1 = 1$. Например, на языке Python решение можно записать следующим образом:

```
def fib(n):  
    if n == 0:  
        return 0;  
    if n == 1:  
        return 1;  
    return fib(n - 1) + fib(n - 2);
```

Но рекурсия не эффективна в данном случае. Более того приведённый выше кусок кода является примером того, как не надо использовать рекурсию. Давайте проанализируем это рекурсивное решение. Очевидно, что:

$$T(n) = T(n-1) + T(n-2) + 1$$

Предполагая худший случай $T(n-2) = T(n-1)$, мы легко можем получить следующее решение:

$$\begin{aligned} T(n) &= 2T(n-1) + 1 = \\ 2(2T(n-2) + 1) + 1 &= \dots = \\ 2^i T(n-i) + 2^i - 1 &= \dots = \\ 2^{n-1} + 2^{n-1} - 1 &= 2^n - 1 \end{aligned}$$

Как видно, вычислительная сложность данного рекурсивного алгоритма может быть представлена показательной функцией, т.е. $O(2^n)$. Рекурсия может быть заменена динамическим программированием. Так например, если мы будем запоминать в массиве значения F_i , то мы сможем эффективно вычислить все последующие значения (F_{i+1} , F_{i+2} и т.д.), и вычислительная сложность будет линейной, т.е. $O(n)$. В языке Python задачу можно решить следующим образом:

```
def fib(n):
    if n == 0:
        return 0;
    if n == 1:
        return 1;
    F = [0, 1];
    for i in range(2, n + 1):
        F.append(F[i - 1] + F[i - 2]);
    return F[n];
```

Рассмотрим более сложную задачу - нахождение наибольшей общей подстроки в двух строках.

$$T[i][j] = \begin{cases} T[i-1][j-1] + 1 & \text{if } X[i] = Y[j] \\ 0 & \text{otherwise} \end{cases}$$

```
def LCS(a, b):
    table = [0] * (len(a) + 1);
    for i in range(0, len(a) + 1):
        table[i] = [0] * (len(b) + 1);
    max_length = 0;
    end = 0;
```

		A	B	C	A
	0	0	0	0	0
A	0	1	0	0	1
B	0	0	2	0	0
A	0	1	0	0	1

Таблица 4.1: Ход выполнения алгоритма нахождения наибольшей общей подстроки

```

for i in range(1, len(a) + 1):
    for j in range(1, len(b) + 1):
        if a[i - 1] == b[j - 1]:
            table[i][j] = table[i - 1][j - 1] + 1;
            if table[i][j] > max_length:
                max_length = table[i][j];
                end = i;
return a[end - max_length:end];

```

Очевидно что сложность данного алгоритма - $O(nm)$, где m и n - длины строк. Самая главная сложность в динамическом программировании - это увидеть оптимальную подзадачу и грамотно составить рекуррентное выражение.

Приведём ещё один пример и остановимся более детально на том, как составлять рекуррентное выражение. Для начала приведём описание проблемы. Пусть нам даны две строки, и мы хотим найти наименьшее число операций (таких как удаление, добавление или замена) необходимое для превращения одной строки во вторую.

$$T[i][j] = \min \begin{cases} T[i-1][j-1] + \text{diff}(T[i], T[j]) \\ T[i-1][j] + 1 \\ T[i][j-1] + 1 \end{cases}$$

ГЛАВА 5

Финальный проект

В данном разделе мы приведём финальный проект, который реализует построчное сравнение файлов. В данном проекте мы будем использовать принципы динамического программирования, библиотеки для создания графического интерфейса - tkinter, а также

```
def reverse_string(a):
    r = ""
    for i in range(len(a) - 1, -1, -1):
        r += a[i];
    return r;

def diff(a, b):
    table = LCS(a, b);
    m = len(a); # (rows)
    n = len(b); # (columns)
    r = "";
    while True:
        if n > 0 and m > 0 and a[m - 1] == b[n - 1]:
            r += a[m - 1];
            m = m - 1;
            n = n - 1;
        elif n > 0 and (m == 0 or table[m][n - 1] > table[m - 1][n]):
            r += "+" + b[n - 1];
            n = n - 1;
        elif m > 0 and (n == 0 or table[m][n - 1] <= table[m - 1][n]):
```

```
        r += "-" + a[m - 1];
        m = m - 1;
    else:
        break;
    return reverse_string(r);

def LCS(a, b):
    table = [0] * (len(a) + 1);
    for i in range(0, len(a) + 1):
        table[i] = [0] * (len(b) + 1);
    max_length = 0;
    end = 0;
    for i in range(1, len(a) + 1):
        for j in range(1, len(b) + 1):
            if a[i - 1] == b[j - 1]:
                table[i][j] = table[i - 1][j - 1] + 1;
            else:
                table[i][j] = max(table[i][j - 1], table[i - 1][j])
    return table;
```

Литература

- [1] J. Stewart. Calculus. Brooks/Cole, Cengage Learning, 2007.
- [2] N. Kremer. Probability theory and mathematical statistics. Unity, 2010.
- [3] J. Turner. Probability, statistics and operational research. The English University Press Ltd, 1970.
- [4] В. Кудрявцев and Б. Демидович. Краткий курс высшей математики. Наука, 1978.
- [5] M. A. Weiss. Data Structures and Algorithm Analysis in C++. Pearson, 2006.