# 66 problemas resueltos de Análisis y Diseño de Algoritmos

Rosa Arruabarrena Jesús Bermúdez

Informe interno: UPV/EHU /LSI / TR 8-99

REVISADO

15 de Octubre del 2000

# **PARTE I: Problemas**

- 1. Supuesto que  $\forall n \ge n_0$   $f(n) \ge g(n) \ge 0$  y que  $f(n), g(n) \in \Theta(h(n))$ , ¿qué puedes decir del orden de f(n)-g(n)?
- 2. Demuestra que  $\forall a,b \ (a,b>1 \Rightarrow \lg_a \ n \in \Theta(\lg_b \ n))$ . Si  $a\neq b$ , ¿es cierto  $2^{\lg_a \ n} \in \Theta(2^{\lg_b \ n})$ ?
- **3.** Justifica si son ciertas o falsas las afirmaciones siguientes, siendo f(n) y h(n) funciones de coste resultantes de analizar algoritmos:

```
(a) O(f(n)) = O(h(n)) \Rightarrow O(\lg f(n)) = O(\lg h(n))

(b) O(\lg f(n)) = O(\lg h(n)) \Rightarrow O(f(n)) = O(h(n))
```

**4.** Sea t(n) el número de líneas generadas por una realización del procedimiento G(n).

Calcula el orden exacto de la función t(n).

- 5. Un natural n≥1 es triangular si es la suma de una sucesión ascendente no nula de naturales consecutivos que comienza en 1. (Por tanto, los cinco primeros números triangulares son 1, 3=1+2, 6=1+2+3, 10=1+2+3+4, 15=1+2+3+4+5.)
  - (a) Escribe un programa que, dado un entero positivo n≥1, decida si éste es un número triangular con eficiencia incluida en O(n) y empleando un espacio extra de memoria constante.
  - (b) Analiza tu programa.

- 6. Supongamos que cada noche disponemos de una hora de CPU para ejecutar cierto programa y que con esa hora tenemos suficiente tiempo para ejecutar un programa con una entrada, a lo sumo, de tamaño n= 1 000 000. Pero el centro de cálculo tras una reasignación de tiempos decide asignarnos 3 horas diarias de CPU. Ahora, ¿cuál es el mayor tamaño de entrada que podrá gestionar nuestro programa, si su complejidad T(n) fuera (para alguna constante k<sub>i</sub>)?
  - (a)  $k_1$  n
  - (b)  $k_2 n^2$
  - (c)  $k_3 10^n$
- 7. Supongamos que cada noche disponemos de una hora de CPU para ejecutar cierto programa y que con esa hora tenemos suficiente tiempo para ejecutar un programa con una entrada, a lo sumo, de tamaño n= 1 000 000. En esta situación nuestro jefe compra una máquina 100 veces más rápida que la vieja. Ahora ¿cuál es el mayor tamaño de entrada que podrá gestionar nuestro programa en una hora, si su complejidad T(n) fuera (para alguna constante k<sub>i</sub>)?
  - (a)  $k_1$  n
  - (b)  $k_2 n^2$
  - (c)  $k_3 10^n$
- **8.** Escribe un algoritmo que calcule los valores máximo y mínimo de un vector con n valores realizando para ello menos de (3n/2)comparaciones entre dichos valores. Demuéstrese que la solución propuesta realiza menos comparaciones que las mencionadas.
- 9. Resuélvase la siguiente ecuación de recurrencia. ¿De qué orden es?

$$T(n) = \begin{cases} a & n = 1 \\ 2T\left(\frac{n}{4}\right) + \lg n & n > 1 \end{cases}$$

- **10.** Calcula el orden temporal de los siguientes programas:
  - function total(n:positivo)
    if n=1 then 1 else total(n-1) + 2 \* parcial(n-1)
    siendo
     function parcial (m:positivo)
     if m=1 then 1 else 2 \* parcial(m-1)
  - (b) function total(n,m:positivo)
     if n=1 then m else m + total (n-1, 2 \* m)

11. El siguiente algoritmo es utilizado por muchos editores de texto. Busca la primera aparición de un string (esto es, de un array de caracteres B(1..m) en el string A(1..n)), devolviendo el índice de A donde comienza B, si procede. El valor Limite=n-m+1 es la posición más a la derecha en A donde podría comenzar B.

```
procedure
           StringSearch (A,B: in String; Hallado: out boolean;
                          Comienzo: out Indice) is
                  N:= A'Length;
 M:= B'Length:
                  Limite:= n-m+1;
begin
  while not Encontrado and (Com ≤ Limite) loop
       I:= Com; J:= B'First;
       while J/=M+1 and then
                             (A(i)=B(j)) loop
             I := I+1; J := J+1;
       end loop;
       Encontrado:= (J=M+1);
       if not Encontrado then Com:= Com+1; end if;
  end loop;
  Hallado:= Encontrado;
  Comienzo:= Com:
end StringSearch;
```

¿Cuántas veces se ejecuta la comparación A(i)=B(j) en el peor caso? ¿Qué entradas dan lugar al peor caso? Obsérvese que, usando el lenguaje de programación Ada, el test sólo se comprueba una vez que es cierta la condición J/= M+1.

- **12.** Para ordenar el vector de n elementos <e<sub>1</sub>, e<sub>2</sub>, ...,e<sub>n</sub>> se utiliza una estrategia análoga al Mergesort pero dividiendo el vector en n/2 trozos de tamaño 2 y generalizando el Merge a n/2 secuencias.
  - escríbase la función de eficiencia temporal justificando cada uno de los sumandos de la misma, y
  - determinese el orden.
- **13.** Dado el algoritmo siguiente, que determina si una cadena C es palíndromo:

```
función PAL (C, i, j) devuelve booleano
  if i≥j then devuelve cierto
  elsif C(i)≠C(j) then devuelve falso
  else devuelve PAL(C, i+1, j-1)
```

Analiza la evaluación de PAL(C, 1, n) en el caso peor y en el caso medio, suponiendo equiprobabilidad de todas las entradas y siendo {a, b} el alfabeto que forma las cadenas.

14. Para resolver cierto problema se dispone de un algoritmo trivial cuyo tiempo de ejecución t(n) -para problemas de tamaño n- es cuadrático (i.e.  $t(n) \in \Theta(n^2)$ ). Se ha

encontrado una estrategia  $Divide\ y\ Vencer\'as$  para resolver el mismo problema; dicha estrategia realiza  $D(n)=n\ log\ n$  operaciones para dividir el problema en dos subproblemas de tamaño mitad y  $C(n)=n\ log\ n$  operaciones para componer una solución del original con la solución de dichos subproblemas. ¿Es la estrategia  $Divide\ y\ Vencer\'as$  más eficiente que la empleada en el algoritmo trivial?

**15.** Dado el siguiente algoritmo para calcular el máximo y el mínimo de un vector de enteros, determínese el Nº DE COMPARACIONES entre componentes del vector que se realizan en el caso peor.

**16.** Teniendo una secuencia de *n* claves distintas a ordenar, considérese la siguiente variación del algoritmo de Ordenación por Inserción:

Para  $2 \le i \le n$ : insertar S(i) entre  $S(1) \le S(2) \le ... \le S(i-1)$  empleando la búsqueda dicotómica para determinar la posición correcta donde debe ser insertado S(i).

Es decir, el algoritmo de inserción para *determinar la posición* donde debe insertarse S(i) hará uso del siguiente algoritmo:

Ejemplos:

Analizar lo siguiente de esta variante del algoritmo de Ordenación por Inserción.

a) Comparaciones entre claves:

¿Cuál es un caso peor?

¿Cuál es el orden del número de comparaciones entre claves que se harán en ese peor caso?

b) Movimientos de claves:

```
¿Cuál es el caso peor?
```

¿Cuántos movimientos de claves en total se harán en el peor caso?

- c) ¿Cuál es el orden del tiempo de ejecución del algoritmo en el peor caso?
- 17. Hemos diseñado la siguiente versión del algoritmo Mergesort con intención de evitar el uso de espacio extra de orden lineal.

Analice su eficiencia temporal.

siendo MERGE\_SOBRE\_VECTOR(V,I,X,J) un procedimiento que ordena el segmento V(I..J) del vector V cuando recibe dos segmentos ordenados que ocupan posiciones consecutivas V(I..X) y V(X+1..J)

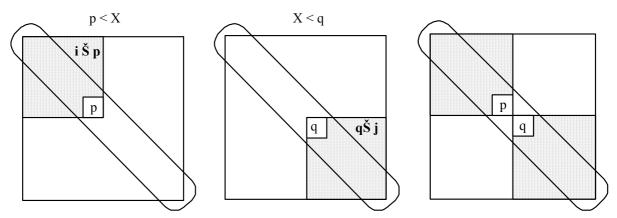
18. Suponga que vamos a utilizar el siguiente algoritmo para encontrar las k mayores claves de una lista de n claves.

```
Claves(J):= M(1);
    M(1):= M(n-J+1); -- trasladar el último a la raíz
    HUNDIR_RAIZ(M(1..n-J));
end loop;
return Claves;
end LAS K MAYORES CLAVES;
```

¿ De qué orden (en función de n) puede ser k para que este algoritmo sea de O(n)?

**19.** El siguiente algoritmo puede emplearse para buscar un nombre en un listín telefónico (Obviamente el listado está ordenado alfabéticamente):

- a) ¿Cuántas veces se ejecuta la comparación de Apellido con una componente de Lis en el peor caso? (Sirve la misma observación del ejercicio anterior. )
  Sabemos que BUSQUEDA\_LINEAL(Lis(X..Y),Apellido) produce Y-X comparaciones.
- b) ¿Cambiaría el orden del algoritmo si en vez de BUSQUEDA\_LINEAL invocásemos a BUSQUEDA\_DICOTOMICA(Lis(X..Y), Apellido) que produce 1+ log (Y-X) comparaciones?
- **20.** Para determinar si un ítem X se halla presente en una matriz cuadrada de ítems T(1..n,1..n) cuyas filas y columnas están ordenadas crecientemente (de izquierda a derecha y de arriba a abajo respectivamente), se utiliza el siguiente algoritmo: (Sea benevolente con el enunciado, admitiendo que siempre tenga sentido eso de "la diagonal")
  - Con búsqueda dicotómica se busca X en la "diagonal".
  - Si encontramos X, terminamos.
  - Si no, (encontramos p y q tales que p<X<q) descartamos los dos trozos de la matriz donde no puede estar X e invocamos recursivamente el mismo procedimiento sobre los dos trozos restantes.



¿De qué orden es este algoritmo en el caso peor?

- **21.** Un array T contiene *n* números naturales distintos. Queremos conocer los menores *m* números de T. Sabemos que *m* es mucho menor que *n*. ¿Cómo lo harías para que resultara más eficiente?:
  - (a) Ordenar T y tomar los m primeros.
  - (b) Invocar SELECCIONAR(T,k) para k=1, 2, ... y m.
  - (c) Usar algún otro método.

Justifica tu respuesta contrastando en tu estudio los análisis de caso peor y caso medio conocidos.

**22.** Una persona piensa un número entero positivo W. Escribe un algoritmo para que otra persona lo adivine realizándole preguntas con la relaciones de orden: <, >, =. El número de preguntas debe ser o(W).

### 23.

(a) Analiza el algoritmo siguiente, que transforma el array T(1..n) en un montículo.

```
proc crear_montículo (T(1..n))
para i := \lfloor n/2 \rfloor disminuyendo hasta 1 hacer hundir(T(1..n), i)
```

(b) Con el análisis del apartado (a) habrás descubierto que crear\_montículo(T(1..n)) es de O(n). Entonces, ¿por qué es incorrecto el razonamiento siguiente para analizar el algoritmo HeapSort?:

```
proc HeapSort (T(1..n))
  crear_monticulo (T(1..n))
  para i:= n disminuyendo hasta 2 hacer
  intercambiar T(1) y T(i)
  hundir(T(1..i-1), 1)
```

Yo veo que crear\_montículo (T(1..n)) realiza  $\lfloor n/2 \rfloor$  veces el procedimiento hundir, y que el bucle de n-1 iteraciones de HeapSort(T(1..n)) puede verse como 2 veces  $\lfloor n/2 \rfloor$  realizaciones del procedimiento hundir (más el intercambio que es de O(1)). Por tanto HeapSort(T(1..n)) realiza consecutivamente tres fragmentos de programa de O(n) cada uno y concluyo que HeapSort(T(1..n)) es de O(n).

24. Considérese el algoritmo de ordenación siguiente.

```
procedure TerciosSort (B: in out Vector; I,J: in Integer) is
   K: Integer:= \[ \left[ \frac{J-I+1}{3} \right];

begin
   if B(I) > B(J) then Intercambiar(B(I),B(J)); end if;
   if J-I+1 <= 2 then return; end if;
   TerciosSort (B, I, J-K);
   TerciosSort (B, I+K, J);
   TerciosSort (B, I, J-K);
end TerciosSort;</pre>
```

- (a) Analiza su tiempo de ejecución.
- (b) Compáralo con la eficiencia de *InsertionSort* y *HeapSort*.

Observaciones:

- Puedes considerar valores de n de la forma  $(3/2)^k$ .
- $\bullet \qquad \log_b a = \frac{\log_c a}{\log_c b}$
- $\log_3 2 = 0.63092$
- **25.** Completa el siguiente algoritmo para que calcule el k-ésimo mayor elemento de los n números enteros que el procedimiento **get-number** (X: **out** integer) irá generando. Nos interesa minimizar el espacio extra necesario, por tanto busca soluciones que no requieran siempre espacio extra de  $\Omega(n)$ .

**26.** Un mínimo local de un array A(a-1...b+1) es un elemento A(k) que satisface A(k-1)≥A(k)≤A(k+1). Suponemos que a≤b y A(a-1)≥A(a) y A(b)≤A(b+1); estas condiciones garantizan la existencia de algún mínimo local. Diseña un algoritmo que encuentre algún mínimo local de A(a-1...b+1) y que sea substancialmente más rápido que el evidente de O(n) en el peor caso. ¿De qué orden es tu algoritmo?

27.

a) Considera el algoritmo recursivo de búsqueda dicotómica en un vector ordenado:

(Si X no estuviera en el vector devuelve el índice 0):

```
proc
      BUSQ DICO (T[i..j], X, Ind)
  si
      i< j entonces
        k:= (i+j) div 2;
si T[k] = X e
                         entonces devolver Ind:= k;
        sino
               si T[k] < X entonces BUSQ_DICO(T[k+1..j], X, Ind);</pre>
               sino BUSQ DICO(T[i..k-1], X, Ind);
               fin si;
         fin si;
  sino si i=j y también T[i] = X
        entonces devolver Ind:= i;
        sino devolver Ind:= 0;
        fin si;
  fin si;
fin proc;
```

Considérense dos implementaciones distintas del mismo algoritmo, en las cuales en una el paso de parámetros se realiza por referencia y en la otra por copia (o valor) ¿Habría alguna diferencia en la eficacia temporal entre esas dos implementaciones?

- b) En el Mergesort, ¿habría alguna diferencia en la eficacia temporal entre las dos posibilidades de paso de parámetro antes mencionadas?
- **28.** Sea F(x) una función monótona decreciente y sea N el mayor entero que cumple  $F(N) \ge 0$ . Asumiendo que N existe, un algoritmo para determinar dicho N es el siguiente:

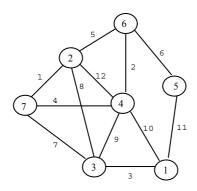
```
I:=0;
while F(I)•0 loop
    I:= I + 1;
end loop
N = I-1;
n+1
```

No obstante, esta solución tiene complejidad O(N). Escríbase un algoritmo cuyo comportamiento asintótico sea mejor en función de N.

**29.** Sea una red internacional de *n* ordenadores. Cada ordenador X puede comunicarse con cada uno de sus vecinos Y al precio de 1 doblón por comunicación. A través de las conexiones de Y y subsiguientes, X puede comunicarse con el resto de ordenadores de la red pagando a cada ordenador que utilice para la conexión el doblón correspondiente.

Describe un algoritmo que **calcule la tabla PRECIO(1..n)** tal que PRECIO(i) es el número mínimo de doblones que le cuesta al ordenador 1 establecer una conexión con el ordenador *i* 

**30.** Dado el siguiente grafo:



- (a) Escribe, en orden de selección, las aristas seleccionadas por el algoritmo de *Prim* sobre ese grafo.
- (b) Lo mismo que el apartado (a) pero con el algoritmo de *Kruskal*.
- 31. Supóngase que un grafo tiene exactamente 2 aristas que tienen el mismo peso.
  - (a) ¿Construye el algoritmo de *Prim* el mismo árbol de expansión mínimo, independientemente de cuál de esas aristas sea seleccionada antes?
  - (b) Lo mismo que el apartado (a) pero con el algoritmo de Kruskal.
- **32.** Estúdiese el siguiente algoritmo para calcular las componentes conexas de un grafo no dirigido G=(VERTICES, ARISTAS) usando la estructura de partición:

Si G tiene K componentes conexas, ¿cuántas operaciones BUSCAR se realizan? ¿Cuántas operaciones UNIR se realizan? Exprésese el resultado en términos de |VERTICES|, |ARISTAS| y K.

- **33.** Dado un grafo G no dirigido, el algoritmo de Kruskal determina el árbol de expansión mínimo de G empleando para ello la estructura partición UNION-FIND. El método comienza ordenando el conjunto de aristas del grafo en orden creciente según sus pesos, para pasar a continuación a tratar una a una estas aristas. Analícese una nueva versión de dicho algoritmo en la cual se emplea un montículo (heap) para almacenar las aristas, y de donde se irán cogiendo una a una para ser tratadas de la misma forma que en la versión original. Escríbase el algoritmo y calcúlese su orden en el caso peor.
- **34.** Considérese la información registrada en una agencia de viajes referente a los vuelos existentes entre todos los aeropuertos del mundo. Supongamos que toda conexión aérea es de ida y vuelta. Queremos resolver el siguiente problema: Dados los aeropuertos A y B ¿Cual es el mínimo número de transbordos en un viaje aéreo de A a B?
  - (a) De los algoritmos de recorrido de grafos conocidos, cuál elegirías para resolver este problema y por qué. Indica cual sería la modificación pertinente del algoritmo elegido.
  - (b) ¿Cuál es la complejidad temporal de cada uno de los algoritmos sobre grafos que conoces que resuelvan este problema?
  - (c) En conclusión, cuál de ellos elegirías y por qué.
- **35.-** Supongamos que tenemos un algoritmo CAM(G,v) que, dado un grafo G con pesos no negativos asociados a las aristas y un vértice v del mismo, nos devuelve las distancias mínimas para ir de v al resto de vértices del grafo G. ¿Es cierto CAM(G,v)= CAM(KRUSKAL(G),v)? Recuérdese que KRUSKAL(G) es un árbol de expansión mínimo de G.
- **36.** Tras haber visto el algoritmo de Dijkstra, el cual dado un grafo dirigido determina los costes de los caminos mínimos desde un vértice al resto, se pide modificar dicho algoritmo preservando el orden de manera que:
  - (a) calcule además el NUMERO de caminos mínimos y
  - (b) calcule lo suficiente para reconstruir esos caminos mínimos.

Justificar las respuestas.

#### [Pista:

Para que el algoritmo de Dijkstra original, además de determinar los costes de los caminos mínimos, calcule los propios caminos (secuencias de vértices), basta con añadirle otra tabla CAMINOS(1..n) que acumule dichos caminos de la siguiente forma: En CAMINOS(x) se registra la lista de vértices que preceden inmediatamente al vértice x en caminos mínimos de 1 a x. Por ejemplo si CAMINOS(x) = [x1, x2, x3]

esto significa que (x1, x), (x2, x) y (x3, x) son últimas aristas respectivas de caminos mínimos distintos de 1 a x.]

- **37.** El problema de encontrar un subconjunto T de aristas de un grafo conexo G de manera que todos los vértices del grafo queden conectados empleando tan sólo las aristas de T, y la suma de los pesos de las aristas de T sea la menor posible sigue teniendo sentido aún cuando el grafo G tenga aristas con pesos negativos. Sin embargo, la solución puede que ya no sea un árbol. Adáptese el algoritmo de Kruskal para que trabaje con grafos cuyas aristas pueden tener pesos negativos.
- 38. Sea un grafo dirigido acíclico con pesos no negativos en los arcos. Queremos un algoritmo que calcule la máxima distancia de un vértice origen a cada uno de los demás vértices. ¿Sería correcto un algoritmo voraz con la selección voraz siguiente?: Sea S el conjunto de vértices seleccionados (inicialmente S= {Origen}). Seleccionar el vértice v∉S cuyo camino especial sea de longitud máxima. (La noción de camino especial es la análoga a la usada en el algoritmo de Dijkstra de cálculo de caminos mínimos.)
- **39.** Sea un grafo dirigido con pesos mayores o iguales que cero en los arcos. En el algoritmo de Dijkstra, sea w un nodo fuera del conjunto de seleccionados S tras haber añadido un nuevo nodo v a S. ¿Es posible que algún camino especial mínimo del origen a w pase por v y después por algún otro nodo de S? La respuesta debe quedar justificada matemáticamente.
- **40.** Escriba y analice un algoritmo que, dado un árbol T, determine la profundidad K con el máximo número de nodos de T. Si hubiera varias de esas profundidades, determínese la mayor.
- **41.-** Sea la función recursiva

$$f(n, m) = \begin{cases} 0 & \text{si } m = 0 \\ n & \text{si } m = 1 \\ f\left(n, \left\lfloor \frac{m}{2} \right\rfloor \right) + f\left(n, \left\lceil \frac{m}{2} \right\rceil \right) & \text{si } m > 1 \end{cases}$$

- (a) Es evidente que un programa recursivo ingenuo que calcule f(n,m) repetirá cálculos. Al efecto de evitar estos cálculos redundantes, escribe el programa que calcula dicha función empleando para su diseño la técnica de programación dinámica.
  - Utilizando funciones con memoria.

- Utilizando una solución iterativa.
- (b) Analiza la complejidad de las soluciones del apartado anterior. ¿Encuentras alguna diferencia en el número de sumas a realizar?
- **42.** ¿Qué técnica usarías para escribir un programa eficiente que calcule  $f(n) = n + \frac{2}{n} \sum_{i=1}^{n-1} f(i)$  siendo f(1)=1? Justifica brevemente de qué orden sería ese programa.
- **43.-** Sea A: array (1..n) of integer con n>0, y sea la función

```
function SUMA?(A(1..i)) return boolean is
--i>0
   if i=1 \( \lambda \) A(1) \( \neq 0 \) then return false;
   elsif A(i) = suma(A(1..i-1)) then return true;
   else return SUMA?(A(1..i-1));

siendo
   function suma (A(1..k)) return integer is
        s:integer:=0;
        for j:=1 to k loop s:=s+A(j) end loop
        return s:
```

La evaluación de SUMA?(A(1..n)) devuelve un valor booleano que indica si alguno de los elementos del vector A(1..n) coincide con la suma de todos los elementos que le preceden. Analice la eficiencia de esta evaluación.

Utilice otra técnica para escribir un programa que resuelva el problema de un modo más eficiente. Analice la eficiencia de su propuesta.

- **44.-** Diseña y analiza un algoritmo que calcule la **clausura transitiva**  $\Re$  de una relación binaria R. Dada una relación binaria R,  $x\Re y \Leftrightarrow xRy \lor (\exists z. \ x\Re z \land z\Re y)$
- **45.** Describe un algoritmo de **programación dinámica** para el problema de selección de actividades: Subconjunto de máxima cardinalidad de los intervalos [s<sub>i</sub>,f<sub>i</sub>) 1 ≤ i ≤ n, y sin solapamientos dos a dos. Se basará en el cálculo **iterativo** de NUM<sub>i</sub> para i=1,2,..,n donde NUM<sub>i</sub> es el máximo número de actividades mutuamente compatibles del conjunto de actividades {1,2,..,i}. Supóngase que la entrada viene ordenada ascendentemente según los tiempos de finalización: f<sub>1</sub> ≤ f<sub>2</sub> ≤...≤ f<sub>n</sub>

**Compara** el tiempo que necesita este algoritmo frente al de la solución voraz: Selecciona el que antes termine y no se solape con los ya seleccionados.

**46.** Tenemos n objetos de pesos p<sub>1</sub>,...,p<sub>n</sub> y valores v<sub>1</sub>,...,v<sub>n</sub> y una mochila de capacidad C. Escriba y analice un algoritmo que determine un subconjunto de objetos cuyo peso total no exceda la capacidad de la mochila y cuyo valor total sea maximal. Todas las cantidades C, v<sub>i</sub> y p<sub>i</sub> para i=1,...,n son números naturales.

(No interesan soluciones que empleen el esquema de Backtracking.)

**47.** Dadas n clases de monedas  $v_1, v_2, ..., v_n$  y sabiendo que de cada clase se disponen de tantas monedas como se precisen, escríbase un algoritmo que determine cuantas combinaciones **distintas** de monedas hay para devolver una cierta cantidad C.

Ej.: Si las clases de monedas fueran:  $v_1$ = 25 ,  $v_2$  = 50,  $v_3$ =75 y  $v_4$  =100

Cantidad	Combinaciones distintas
100	5 formas: 25+75, 2 *50, 100, 4*25, 50+ 2 *25
116	0, no hay ninguna combinación

Observación: La combinación 25+75 es la misma que 75+25 y por ello es una única combinación a considerar.

**48.** Una *subsecuencia* de una secuencia S se obtiene retirando de S cualquier número de elementos de cualesquiera posiciones. Por ejemplo: acxb es una subsecuencia de bbacabxxb.

La función recursiva f siguiente define (por casos) una subsecuencia común de longitud maximal de dos secuencias:

```
f(R, \varepsilon) = \varepsilon

f(\varepsilon, S) = \varepsilon

f(a \cdot R, a \cdot S) = a \cdot f(R, S)

f(a \cdot R, b \cdot S) = la de mayor longitud entre <math>f(R, b \cdot S) y f(a \cdot R, S), (a \neq b)
```

## Por ejemplo:

```
f(promotor, prometedor)=promtor,
f(aturdido, tranquilo)= trio,
f(si, no)= \varepsilon.
```

Diseña un algoritmo, utilizando la técnica de programación dinámica (sin usar funciones con memoria), que calcule la longitud de la subsecuencia f(R, S). ¿De qué orden es el tiempo y espacio empleado por tu solución?

**49.** Sea G=(V,A) un grafo orientado con pesos no negativos en los arcos y | V |= n . Sea L la matriz de adyacencia que lo representa. Queremos calcular la distancia mínima entre cada par de vértices i,j ∈ V, usando la siguiente fórmula:

 $D_{ij}^p$  = distancia mínima de i a j cuando podemos dar, a lo sumo, p pasos.

Tenemos los valores básicos  $D_{ij}^1 = L_{ij}$  y para todos los i y j buscamos  $D_{ij}^{n-1}$  sabiendo que  $D_{ij}^p$  se define recursivamente:  $D_{ij}^p = \min_{k \text{ adyacente a i}} \left\{ D_{ij}^{p-1}, L_{ik} + D_{kj}^{p-1} \right\}$ 

Resuelve el problema expuesto empleando la técnica de la programación dinámica (sin funciones con memoria), la cual deberá recoger la definición recursiva arriba expuesta; es decir, se pide:

- (a) determinar la estructura de almacenamiento de las soluciones parciales que se va a emplear: vector o matriz, cada posición de la estructura qué recoge o representa, cuál es la inicialización de la estructura, cómo se irá rellenando, dónde está la solución.
- (b) algoritmo iterativo que calcula la definición recursiva sobre la estructura escogida y descrita en el apartado (a).
- (c) análisis del orden del coste temporal y espacial: O(T(n)) y O(MEE(n)).
- **50.-** Sea el siguiente programa, con X e Y números positivos:

```
function PRINCIPAL (Num: positive) return real is
  Tabla: array (integer range 1.. Num)
                                 of real:= (1=>X; 2=>Y; others=>0);
  function AUX (Num: natural) return real is
  begin
        if Tabla (Num-1) = 0
        then Tabla(Num-1):= AUX(Num-1);
        end if;
        if Tabla (Num-2) = 0
        then Tabla(Num-2):= AUX(Num-2);
        end if:
        Tabla(Num):= (Tabla(Num-1)+Tabla(Num-2)) / 2
  end AUX;
begin
  if Num≤2 then return Tabla(Num);
  else return AUX(Num);
  end if;
end PRINCIPAL;
```

- (a) Define la función que calcula PRINCIPAL(n).
- (b) Indica qué técnica se ha usado en el diseño del programa anterior.
- (c) Analiza el tiempo de ejecución de PRINCIPAL(n).
- (d) ¿Usarías este algoritmo si como datos de entrada tuviéramos X=1 e Y=1? ¿Por qué?

- **51.** Escribe un programa que decida si un natural dado N es producto de tres naturales consecutivos y cuyo orden temporal sea **o**(n). Calcula su orden temporal.
- **52.** Es conocido que la versión clásica del algoritmo QuickSort(T(1..n)) es de  $\Theta(n^2)$  en el caso peor. Usando los siguientes algoritmos, ambos de  $\Theta(n)$  en el caso peor: Mediana(T(1..n), M) que calcula la mediana M del vector de enteros T(1..n) y Clasificar(T(1..n), P) que permuta los elementos de T(1..n) de manera que, al final:

```
si T(i)<P y T(j)=P entonces i<j
si T(j)=P y T(k)>P entonces j<k
```

escribe y analiza otra versión de QuickSort(T(1..n)) cuya complejidad temporal sea  $o(n^2)$  en el caso peor.

- **53.** El algoritmo de Floyd calcula la distancia mínima entre cada par de nodos de un grafo orientado con pesos no negativos asociados a los arcos. Modificalo para que además calcule el número de caminos con distancia mínima que hay entre cada par de nodos.
- **54.** Imagina un robot situado sobre unos raíles sin fin, con posibilidad de movimiento de un paso a derecha o izquierda con *actualizar(situacion, sentido)* y con posibilidad de advertir la presencia de un objeto buscado con *esta\_en(situacion)*. El siguiente algoritmo mueve "pendularmente" al robot en busca del objeto citado, partiendo del origen 0.

```
limite:= 1
sentido:= derecha
loop
    situacion:= 0
    while situacion<limite loop
        actualizar(situacion, sentido)
        if esta_en(situacion)
            then return (situacion, sentido)
        end if
end loop
sentido:= cambiar(sentido)
for i in 1..limite loop
        actualizar(situacion, sentido)
end loop
limite:= 2*limite
end loop</pre>
```

Sabiendo que el objeto será encontrado, analiza el número de veces que se realizará la operación actualizar(situacion, sentido) en función de la distancia del objeto al origen.

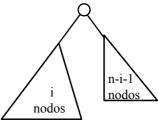
55.- ¿Cuántos árboles binarios distintos se pueden formar con n nodos? Sea C(n) ese número.

Sabemos que C(0)=1 -el árbol vacío-, C(1)=1 -un árbol con sólo raíz- y C(2)=2 los árboles:



Puedes dibujar los árboles para calcular C(3) y C(4).

(a) Encuentra una definición recursiva para calcular C(n) considerando el siguiente diagrama:



Puedes comprobarla con tus dibujos para n=3,4.

- (b) Escribe el algoritmo que calcule C(n) siguiendo tu recurrencia con la técnica de *Programación Dinámica* e indica su complejidad.
- 56. Escribe la recurrencia que sirve de fundamento para la aplicación de la técnica de programación dinámica al problema de minimización del número de productos escalares en la multiplicación de una serie de matrices A<sub>1</sub>A<sub>2</sub>...A<sub>n</sub>. El algoritmo que resuelve este problema calcula una tabla factor(1..n,1..n) tal que factor(i,j)=k si la factorización óptima es (A<sub>i</sub>...A<sub>k</sub>)(A<sub>k+1</sub>...A<sub>j</sub>). Escribe y analiza un algoritmo que, a partir de factor(1..n,1..n), imprima la parentización óptima del producto A<sub>1</sub>A<sub>2</sub>...A<sub>n</sub>.
- **57.** Di de qué orden es la siguiente recurrencia:

$$T(n) = \begin{cases} 1 & n \le 4 \\ T\left(\frac{n}{4}\right) + \sqrt{n} + 1 & n > 4 \end{cases}$$

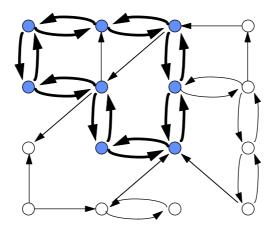
**58.** Es conocido que  $O(n) \subset O(n * lgn) \subset O(n * \sqrt{n}) \subset O(n^2) \subset O(n^3)$ . Clasifica O(T(n)) en esa cadena de inclusiones siendo:

17

$$T(n) = \begin{cases} 1 & n \le 1 \\ 4 * T\left(\frac{n}{3}\right) + n & n > 1 \end{cases}$$

Tal vez te resulte útil saber que: log3 4=1.26184

- **59.** Escribe un algoritmo que dados un vector de n enteros y un entero X, determine si existen en el vector dos números cuya suma sea X. El tiempo de tu algoritmo debe ser de O(n\*lgn). Analiza tu algoritmo y demuestra que es así.
- **60.** El **cuadrado** de un grafo dirigido G = (V, A) es el grafo  $G^2 = (V, B)$  tal que  $(u, w) \in B$  si y sólo si para algún  $v \in V$  tenemos que  $(u, v) \in A$  y  $(v, w) \in A$ . Es decir,  $G^2$  tiene un arco de u a w cuando G tiene un camino de longitud (exactamente) 2 de u a w. Describe algoritmos eficientes que calculen  $G^2$  a partir de G para las dos representaciones conocidas: matriz de adyacencia y lista de adyacencias. Analiza el tiempo de tus algoritmos.
- **61.** Dado un grafo dirigido, llamamos **anillo** a una serie de tres o más nodos conectados en forma de ciclo en los dos sentidos. Por ejemplo, en el grafo dirigido de la figura



se ha destacado el único anillo que contiene. Inspirándote en el método del recorrido en profundidad, diseña y analiza un algoritmo eficiente que indique si un grafo dirigido contiene o no al menos un anillo.

- **62.** Recuerda que Fib(0) = 0, Fib(1) = 1 y Fib(n) = Fib(n-1) + Fib(n-2) para  $n \ge 2$ .
  - 1. Supón que el coste de sumar, restar y multiplicar dos números es O(1), independientemente del tamaño de los números.

Escribe y analiza un algoritmo que calcule Fib(n) en tiempo O(n).

2. Escribe y analiza otro algoritmo que calcule Fib(n) en tiempo O(lgn) usando suma y multiplicación.

(Ayuda: Considera la siguiente matriz y sus potencias:  $\begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \text{fib } 0 & 1 \\ \text{fib}_1 & 1 \end{pmatrix}$ )

18

3. Supón ahora que para sumar dos números de  $\beta$  bits se necesita un tiempo en  $O(\beta)$  y que para multiplicarlos necesitamos tiempo en  $O(\beta^2)$ .

Analiza tu algoritmo del apartado (4.1) tomando el número de bits como tamaño de la entrada y considerando el correspondiente coste de las operaciones aritméticas.

Recuerda que Fib(n) 
$$\approx \left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^n$$
.

63. Dada una cantidad M ¿cuál es el máximo número X, con X≤M, que podemos calcular a partir de una cantidad inicial C y aplicando repetidamente las operaciones \*2, \*3, \*5? Emplea la técnica de la programación dinámica para determinar dicho número X y analiza el orden del algoritmo propuesto.

64.

- 1. Justifica que el algoritmo típico que usas para multiplicar dos números enteros A y B realiza O(m\*n) multiplicaciones *elementales* y O(m\*n) sumas *elementales*, siendo m y n el número de dígitos de A y B respectivamente. (Llamamos *elemental* a la multiplicación (resp. suma) de dos dígitos decimales.)
- 2. En realidad, las operaciones Ax10, \[ \begin{aligned} \B/10 \] y B mod 10 pueden considerarse de O(1) (consiste simplemente en añadir, eliminar o seleccionar una cifra decimal). Por tanto para realizarlas no necesitamos multiplicaciones ni sumas. Analiza el número de multiplicaciones elementales (resp. el número de sumas elementales) que se realizan con el siguiente algoritmo de multiplicación:

```
función Multiplicar (A,B)
    si B=0 entonces resultado 0
    sino resultado A*(B mod 10)+Multiplicar(Ax10, LB/10)
```

donde + y \* son las operaciones de suma y multiplicación típicas consideradas en el apartado (4.1). Fíjate que las operaciones "x10", "\*",y "Multiplicar" son tres operaciones diferentes.

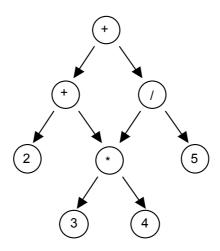
- **65.** Supongamos n clases de monedas. La moneda de clase i (para cada i=1..n) es de valor  $v_i$  y tenemos exactamente  $c_i$  monedas de esa clase. Escribe y analiza un algoritmo que determine de cuántas formas **distintas** podemos sumar un valor M con esas monedas.
  - Ej.: Si las clases de monedas fueran dos con las siguientes cantidades:

$$v_1 = 25$$
,  $c_1 = 10$ ;  $v_2 = 100$ ,  $c_2 = 2$ 

	Formas distintas
250	3 formas: 2*100 + 2*25, 1*100 + 6*25, 10*25
300	2 formas: 2*100 + 4*25, 1*100 + 8*25

La combinación 25+100 es la misma que 100+25, y por ello es una única a considerar.

**66.** Una expresión aritmética puede representarse mediante un DAG (gafo dirigido acíclico). Esta representación es más compacta que la de árbol, porque las subexpresiones repetidas sólo tienen que aparecer una vez. Por ejemplo, la expresión 2+3\*4+(3\*4)/5 podría representarse mediante el DAG de la figura. Cada operador (o nodo interno) tiene exactamente dos operandos (o arcos). Escribe y analiza un algoritmo lineal en el número de nodos que evalúe la expresión aritmética dada por un DAG de estas características.



# **PARTE II: Soluciones**

Supuesto que  $\forall n \ge n_0$   $f(n) \ge g(n) \ge 0$  y que  $f(n), g(n) \in \Theta(h(n))$ , ¿qué puedes decir del orden de **f(n)-g(n)**?

Ø:

Sin conocer la definición de las funciones, todos los comentarios han de ser hipotéticos. Si existieran los límites siguientes

• 
$$\lim_{n\to\infty} \frac{f(n)}{h(n)} = a$$
  
•  $\lim_{n\to\infty} \frac{g(n)}{h(n)} = b$ 

• 
$$\lim_{n\to\infty} \frac{g(n)}{h(n)} = b$$

Obsérvese que:
$$\lim_{n\to\infty} \frac{f(n)-g(n)}{h(n)} = \lim_{n\to\infty} \frac{f(n)}{h(n)} - \lim_{n\to\infty} \frac{g(n)}{h(n)} = a - b \text{ pudiendo concluir ahora:}$$
1)  $a=b \implies f(n)-g(n) \in O(h(n))$ 

1) 
$$a=b \Rightarrow f(n)-g(n) \in O(h(n))$$

2) 
$$a > b \implies f(n) - g(n) \in \Theta(h(n))$$

Pero obsérvese el ejemplo siguiente: si  $f(n)=2^n+2$  y  $g(n)=2^n+(-1)^n$  entonces  $f(n)-g(n) \in$ O(1); y si sustituimos en f(n) el 2 por una función  $p(n) \in o(f(n))$  entonces  $f(n)-g(n) \in$ O(p(n)).

2. Demuestra que  $\forall a,b \ (a,b>1 \Rightarrow \lg_a \ n \in \Theta(\lg_b \ n))$ .

Si 
$$a \neq b$$
, ¿es cierto  $2^{\lg a} \stackrel{n}{=} \Theta(2^{\lg b} \stackrel{n}{=})$ ?

Ø:

a) 
$$\lim_{n\to\infty} \frac{\lg a^n}{\lg b^n} = \lim_{n\to\infty} \frac{\frac{\ln n}{\ln a}}{\frac{\ln n}{\ln b}} = \frac{\ln b}{\ln a} \in \mathbb{R}^+$$
 ya que a,b>1. Y de aquí tenemos directamente  $\Theta(\lg_a n) = \Theta(\lg_b n)$ 

b) Contraejemplo: a=2 y b=4 puesto que 
$$2^{\lg 2} = n \notin \Theta(2^{\lg 4}) = \Theta(2^{\lg 2}) = \Theta(\sqrt[4]{n})$$

Justifica si son ciertas o falsas las afirmaciones siguientes, siendo f(n) y h(n) funciones de coste resultantes de analizar algoritmos:

(a) 
$$O(f(n)) = O(h(n)) \Rightarrow O(lgf(n)) = O(lgh(n))$$

(b) 
$$O(lgf(n)) = O(lgh(n)) \Rightarrow O(f(n)) = O(h(n))$$

Ø:

(a) 
$$O(f(n)) = O(h(n)) \Rightarrow O(\lg f(n)) = O(\lg h(n))$$

Justificamos  $O(\lg f(n)) \subseteq O(\lg h(n))$  y la inclusión inversa es análoga

```
\begin{split} g(n) &\in O(\lg f(n)) \\ &\Rightarrow \exists k \in R^+ \ no \in N \ \forall n \geq n0 \ g(n) \leq k \ \lg f(n) \\ &\Rightarrow \exists k \in R^+ \ no \in N \ \forall n \geq n0 \ g(n) \leq k \ \lg f(n) \leq k \ \lg (c \ h(n)) \\ &\Rightarrow \exists k \in R^+ \ no \in N \ \forall n \geq n0 \ g(n) \leq k \ \lg c + k \ \lg h(n) \\ &\Rightarrow \exists k \in R^+ \ no \in N \ \forall n \geq n0 \ g(n) \leq (1+k) \ \lg h(n) \\ &\Rightarrow \exists k \in R^+ \ no \in N \ \forall n \geq n0 \ g(n) \leq (1+k) \ \lg h(n) \\ &= [*] \ \forall n \geq n1 \ siendo \ n1 \in N \ t.q. \ k \ \lg c \leq \lg h(n) \\ &\Rightarrow g(n) \in O(\lg h(n)) \end{split}
```

- **(b)** La implicación es falsa. Contraejemplo:  $f(n)=2^n$  y  $h(n)=3^n$
- **4.** Sea t(n) el número de líneas generadas por una realización del procedimiento G(n).

Calcula el orden exacto de la función t(n).

Øı:

T(n)= nº de líneas escritas por el algoritmo:

```
T(0)= 0

T(1)= 1

T(n)= \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{i} 1 + 4T(n/2) = \sum_{i=1}^{n} i + 4T(n/2)
```

Puesto que nos piden calcular el orden del algoritmo y no el nº exacto de líneas que escribe, calcularemos el orden de la siguiente función f(n) cuyo orden es el mismo que el de T(n):

- 5. Un natural n≥1 es triangular si es la suma de una sucesión ascendente no nula de naturales consecutivos que comienza en 1. (Por tanto, los cinco primeros números triangulares son 1, 3=1+2, 6=1+2+3, 10=1+2+3+4, 15=1+2+3+4+5.)
  - (a) Escribe un programa que, dado un entero positivo n≥1, decida si éste es un número triangular con eficiencia incluida en **O**(n) y empleando un espacio extra de memoria constante.
  - (b) Analiza tu programa.

Ø:

Para comprobar que un número N es triangular podemos ir calculando uno a uno y ordenadamente por su valor los números triangulares. En cada paso:

- 1) generaremos el siguiente número triangular, NT.
- 2) si NT=N, habremos acabado con éxito; si no si NT>N, habremos terminado con fracaso; si no sucede que NT<N y N aún puede ser un número triangular y se procede como en el paso 1).

```
function TRIANGULAR? (N: positive) return boolean is
   NT:positive:=1; Ultimo_Sumando:=1;
begin
   while NT<N loop
        Ultimo_Sumando:= Ultimo_Sumando + 1;
        NT:= NT + Ultimo_Sumando;
   end loop;
   return (NT=N);
end function TRIANGULAR?;</pre>
```

Las operaciones del bucle requieren tiempo constante y éste se realiza hasta que NT es igual o mayor que N. Esto es, el número de veces que se realiza este bucle es igual al número de sumandos que tiene la sucesión ascendente no nula de naturales consecutivos que comienza en 1 y cuya suma es  $N = \sum_{i=1}^{K} i = \frac{(1+K)K}{2}$ . Así pues, si despejamos K de la ecuación  $K^2+K-2N=0$ , obtenemos el orden del número de veces que se ejecuta el bucle:  $\Theta(\sqrt{N})$ , tanto si consideramos que hemos salido del bucle con éxito como con fracaso.

Observación: si se ha salido del bucle por NT>N eso significa que en la iteración anterior NT aún era menor que N y tras realizar <u>una</u> suma más ha sucedido NT>N, pero el orden algoritmo sigue siendo el mismo.

Con respecto al espacio de memoria extra empleado, puesto que tan sólo se han empleado dos variables locales (NT y Ultimo\_Sumando), es de tamaño constante es  $\Theta(1)$ .

6. Supongamos que cada noche disponemos de una hora de CPU para ejecutar cierto programa y que con esa hora tenemos suficiente tiempo para ejecutar un programa con una entrada, a lo sumo, de tamaño n= 1 000 000. Pero el centro de cálculo tras una reasignación de tiempos decide asignarnos 3 horas diarias de CPU. Ahora, ¿cuál es el mayor tamaño de entrada que podrá gestionar nuestro programa, si su complejidad T(n) fuera (para alguna constante k<sub>i</sub>)?

- (a)  $k_1 n$
- (b)  $k_2 n^2$
- (c)  $k_3 10^n$

Øj:

T(n) representa el tiempo para procesar entradas de tamaño n.

Para determinar el tamaño de entrada más grande que va a poder gestionar la nueva máquina, basta con despejar n de las respectivas inecuaciones

$$T_i(n) < T_i(1\ 000\ 000) \times 3$$

(a) 
$$T_1(n) < T_1(1\ 000\ 000) \times 3$$
  
 $k_1\ n < k_1\ 1\ 000\ 000 \times 3 = 3\ k_1\ 10^6$   $\Rightarrow$   $n < 3\ 10^6$ 

(b) 
$$T_2(n) < T_2(1\ 000\ 000) \times 3$$
  
 $k_2 n^2 < k_2 (1\ 000\ 000)^2 \times 3 = 3 k_2 10^{12}$  ⇒  $n < \sqrt{3} \ 10^6$ 

(c) 
$$T_3(n) < T_3(1\ 000\ 000) \times 3$$
  
 $k_3\ 10^n < k_3\ (10)^{10^6} \times 3 \Rightarrow n < lg_{10}3 + 10^6$ 

- 7. Supongamos que cada noche disponemos de una hora de CPU para ejecutar cierto programa y que con esa hora tenemos suficiente tiempo para ejecutar un programa con una entrada, a lo sumo, de tamaño n= 1 000 000. En esta situación nuestro jefe compra una máquina 100 veces más rápida que la vieja. Ahora ¿cuál es el mayor tamaño de entrada que podrá gestionar nuestro programa en una hora, si su complejidad T(n) fuera (para alguna constante k<sub>i</sub>)?
  - (a)  $k_1$  n
  - (b)  $k_2 n^2$
  - (c)  $k_3 10^n$

Ø:

El tiempo t(n) se divide ahora por 100, y el tiempo de que disponemos es t(10<sup>6</sup>) Luego, para determinar el tamaño de entrada más grande que va a poder gestionar la nueva máquina, basta con despejar n de las respectivas inecuaciones

$$(T_i(n)/100) < T_i(1\ 000\ 000)$$

(a) 
$$T_1(n) \le T_1(1\ 000\ 000) \times 100$$
  
 $k_1\ n \le k_1\ 1\ 000\ 000 \times 100 = k_1\ 10^8$   
 $n \le 10^8$ 

(b) 
$$T_2(n) < T_2(1\ 000\ 000) \times 100$$
  
 $k_2\ n^2 < k_1\ (1\ 000\ 000)^2 \times 100 = k_2\ 10^{14}$   
 $n < 10^7$ 

(c) 
$$T_3(n) < T_3(1\ 000\ 000) \times 100$$
  
 $k_3\ 10^n < k_3\ (10)^{10^6} \times (10)^2$   
 $10^n < (10)^{10^6} \times (10)^2 = (10)^{10^6+2}$   
 $n < 1\ 000\ 002$ 

Interpretación de los resultados: cuanto más eficiente sea el algoritmo, al aumentar la potencia del ordenador, la ganancia en nº de operaciones que se podrán realizar en el mismo tiempo es mayor. Así, mientras en el caso lineal (a) se observa que de  $n=10^6$  se pasa a poder resolver instancias con tamaño  $n=10^8$ , en el caso cuadrático (b) la ganancia es menor, de  $n=10^6$  a  $n=10^7$ ; finalmente observamos que en el caso (c) la ganancia es mínima, de  $n=10^6$  a  $n=10^6+2$ .

**8.** Escribe un algoritmo que calcule los valores máximo y mínimo de un vector con n valores realizando para ello menos de (3n/2) comparaciones entre dichos valores. Demuéstrese que la solución propuesta realiza menos comparaciones que las mencionadas.

```
Ø:
    procedure MAX MIN (B: in Vector, MAX, MIN: out Valor) is
       MAX1, MAX2, MIN1, MIN2: Valor;
       MID: Indice:= B'First+(B'Last-B'First) div 2;
    begin
           B'Length<=2 then
       if
             if B(B'First) • B(B'Last)
             then MAX:=B(B'Last); MIN:=B(B'First);
             else MAX:=B(B'First); MIN:=B(B'Last);
             end if;
       else
             MAX MIN (B(B'First,MID),MAX1,MIN1);
             MAX MIN (B(MID, B'Last), MAX2, MIN2);
             if MAX1>MAX2 then MAX:= MAX1 else MAX:=MAX2;
             if MIN1<MIN2 then MIN:= MIN1 else MIN:=MIN2;</pre>
       end if:
    end;
```

El número de comparaciones entre elementos del vector que realiza el algoritmo Max\_Min propuesto se recoge en la siguiente ecuación de recurrencia: Suponiendo que n es potencia de 2

$$T(n) = \begin{cases} 1 & \text{si } n \le 2 \\ 2T\left(\frac{n}{2}\right) + 2 & \text{si } n > 2 \end{cases}$$

El número total concreto se obtiene fácilmente expandiendo dicha ecuación:

$$T(n) = 2T\left(\frac{n}{2}\right) + 2 = \dots = 2^{i}T\left(\frac{n}{2^{i}}\right) + \sum_{k=1}^{i} 2^{k}$$
 con  $\frac{n}{2^{i}} = 2$ ;  $\frac{n}{2} = 2^{i}$ 

Luego:

$$T(n) = 2^{i} + \frac{2^{i+1} - 2}{1} = \frac{n}{2} + n - 2 = \frac{3}{2}n - 2$$

Así pues, el número de comparaciones entre valores del vector realizadas por la solución propuesta es menor a (3/2 n).

9. Resuélvase la siguiente ecuación de recurrencia. ¿De qué orden es?

$$T(n) = \begin{cases} a & n = 1 \\ 2T\left(\frac{n}{4}\right) + \lg n & n > 1 \end{cases}$$

Ø:

$$\begin{split} T(n) &= 2 \ T(n/4) + \lg n \\ &= 2 \ (2 \ T(n/4^2) \ \lg(n/4)) + \lg n = 2^2 \ T(n/4^2) + 2 \ \lg(n/4) + \lg n \\ &= 2^2 \ (2T(n/4^3) + \lg (n/4^2) + 2 \ \lg(n/4) + \lg n = 2^3 \ T(n/4^3) + 2^2 \ \lg (n/4^2) + 2 \ \lg(n/4) + \lg n \\ &= ... = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg (n/4^{i-1}) + ... + 2^2 \ \lg (n/4^2) + 2 \ \lg(n/4) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + \sum_{k=0}^{i-1} 2^k \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + \sum_{k=0}^{i-1} 2^k \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + \sum_{k=0}^{i-1} 2^k \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + \sum_{k=0}^{i-1} 2^k \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + \sum_{k=0}^{i-1} 2^k \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + \lg n \\ &= 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^{i-1} \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n/4^i) + 2^i \ \lg \left(\frac{n}{4^k}\right) = 2^i \ T(n$$

- puesto que todos los logaritmos son del mismo orden, tomaremos logaritmos en base 4.
- **10.** Calcula el orden temporal de los siguientes programas:
  - function total(n:positivo)
    if n=1 then 1 else total(n-1) + 2 \* parcial(n-1)
    siendo
     function parcial (m:positivo)
     if m=1 then 1 else 2 \* parcial(m-1)
  - (b) function total(n,m:positivo)
     if n=1 then m else m + total (n-1, 2 \* m)

Ø:

(a) 
$$T_{parcial}(m) = b + T_{parcial}(m-1) \in \Theta(m)$$
  
 $T_{total}(n) = a + T_{total}(n-1) + T_{parcial}(n-1)$   
 $= a + \Theta(n) + T_{total}(n-1) \in \Theta(n^2)$ 

(b) Obsérvese que el tamaño del argumento m no afecta si consideramos elemental la operación producto.

$$T_{total}(n) = c1$$
 si n=1  
= c2+  $T_{total}(n-1)$  c.c

Por el método de expasión fácilmente se obtiene:  $T_{total}(n) \in \Theta(n)$ 

11. El siguiente algoritmo es utilizado por muchos editores de texto. Busca la primera aparición de un string (esto es, de un array de caracteres B(1..m) en el string A(1..n)), devolviendo el índice de A donde comienza B, si procede. El valor Limite=n-m+1 es la posición más a la derecha en A donde podría comenzar B.

```
procedure
            StringSearch (A,B: in String; Hallado: out boolean;
                             Comienzo: out Indice) is
  N:= A'Length;
                    Encontrado:= false;     I, J : Indice;
  M:= B'Length;
                    Limite:= n-m+1;
                                            Com:= A'First;
begin
  while not Encontrado and (Com ≤ Limite) loop
        I:= Com; J:= B'First;
        while J/=M+1 and then
                                (A(i)=B(j)) loop
              I := I+1; J := J+1;
        end loop;
        Encontrado:= (J=M+1);
        if not Encontrado then Com:= Com+1; end if;
  end loop;
  Hallado:= Encontrado;
  Comienzo:= Com:
end StringSearch;
```

¿Cuántas veces se ejecuta la comparación A(i)=B(j) en el peor caso? ¿Qué entradas dan lugar al peor caso? Obsérvese que, usando el lenguaje de programación Ada, el test sólo se comprueba una vez que es cierta la condición J/= M+1.

Ø:

La secuencia B de caracteres puede comenzar en A en (n-m+1) posiciones distintas, ocurriendo el caso peor cuando B se compara completamente (los m caracteres de B) a partir de cada una de ellas. Esto requerirá en el peor caso ((n-m+1) m) comparaciones entre caracteres de A y de B.

Las entradas que dan lugar al peor caso son:

$$\forall i, j \ (1 \le i, j \le n \Rightarrow A(i) = A(j)) \land \forall k, \ \forall j \ (1 \le k \le m-1 \land 1 \le j \le n \Rightarrow B(k) = A(j)) \land B(m) \ne A(1)$$

Un caso concreto sería, por ejemplo, A(1..7)=aaaaaaa y B(1..3)=aab

- **12.** Para ordenar el vector de n elementos <e1, e2, ...,en> se utiliza una estrategia análoga al Mergesort pero dividiendo el vector en n/2 trozos de tamaño 2 y generalizando el Merge a n/2 secuencias.
  - escríbase la función de eficiencia temporal justificando cada uno de los sumandos de la misma, y
  - determínese el orden.

Ø:

Sea t(n) la función de eficiencia temporal del algoritmo que sigue la estrategia marcada por el enunciado.

La parte recurrente de esta función debe considerar los sumandos siguientes:

- (a) Para resolver n/2 trozos de tamaño 2: (n/2)\*t(2).
- (b) Para la división del problema de tamaño n en n/2 subproblemas de tamaño 2: O(n).
- (c) Para la mezcla de los n/2 trozos en un vector de tamaño n:
  Siguiendo la analogía con el Mergesort clásico, debemos calcular -en cada iteración- el mínimo de n/2 elementos (los que están al frente de los n/2 trozos ordenados), ese cálculo es de O(n) si lo realizamos con el algoritmo trivial, y como hay que realizar O(n) iteraciones de esas, el resultado es O(n<sup>2</sup>).

En resumen, y simplificando los sumandos;  $t(n) \in O(n^2)$ .

Observación importante: El sumando (c) puede mejorarse hasta O(n lgn) si para calcular el mínimo de los elementos correspondientes utilizamos una estructura de montículo.

**13.** Dado el algoritmo siguiente, que determina si una cadena C es palíndromo:

```
función PAL (C, i, j) devuelve booleano
  if i≥j then devuelve cierto
  elsif C(i)≠C(j) then devuelve falso
  else devuelve PAL(C, i+1, j-1)
```

Analiza la evaluación de PAL(C, 1, n) en el caso peor y en el caso medio, suponiendo equiprobabilidad de todas las entradas y siendo {a, b} el alfabeto que forma las cadenas.

Ø1:

Sea n=j-i+1 el tamaño de la cadena. Estudiaremos, como operación característica, el número de comparaciones entre componentes  $(C(i)\neq C(j))$ . Es fácil ver que, en el caso peor, ese número viene dado por la función siguiente:

$$f(n) = \begin{cases} 0 & \text{si } n \le 1 \\ 1 + f(n-2) & \text{si } n > 1 \end{cases}$$

que resolviendo por expansión resulta ser  $f(n) = \left\lfloor \frac{n}{2} \right\rfloor$ .

En el caso medio, la equiprobabilidad de las entradas hace que la probabilidad de que los extremos sean distintos es  $\frac{1}{2}$  ya que el alfabeto es {a,b}, y en ese caso el número de comparaciones que se realizan es 1; en caso de que sean iguales - cuya probabilidad es  $\frac{1}{2}$ - se producirán el número promedio de comparaciones para una cadena de tamaño (n-2) más 1. Es decir:

$$t(n) = \begin{cases} 0 & \text{si } n \le 1 \\ \frac{1}{2} + \frac{1}{2}(1 + t(n-2)) & \text{si } n > 1 \end{cases}$$

$$t(n) = 1 + \frac{1}{2}t(n-2) = \dots = \sum_{k=0}^{i-1} \frac{1}{2^k} + \frac{1}{2^i}t(n-2i) \text{ que cuando } i = \frac{n}{2} \text{ resulta } t(n) = 2 - \frac{1}{2^{i-1}} = 2 - \frac{2}{\sqrt{2}^n} \in O(1)$$

14. Para resolver cierto problema se dispone de un algoritmo trivial cuyo tiempo de ejecución t(n) -para problemas de tamaño n- es cuadrático (i.e.  $t(n) \in \Theta(n^2)$ ). Se ha encontrado una estrategia Divide y Vencerás para resolver el mismo problema; dicha estrategia realiza  $D(n)=n \log n$  operaciones para dividir el problema en dos subproblemas de tamaño mitad y  $C(n) = n \log n$  operaciones para componer una solución del original con la solución de dichos subproblemas. ¿Es la estrategia Divide v Vencerás más eficiente que la empleada en el algoritmo trivial?

Øj:

La ecuación de recurrencia que recoge el tiempo que precisa el algoritmo nuevo es:

$$T(n) = \begin{cases} a & \text{si } n \le 1\\ 2T(n/2) + 2n \lg n & \text{si } n > 1 \end{cases}$$

Resolvemos la ecuación:

$$T(n) = 2T \binom{n}{2} + 2n \lg \frac{n}{2} +$$

Y puesto que

$$Lim_{n\to\infty} \frac{n (\lg n)^2}{n^2} = Lim_{n\to\infty} \frac{(\lg n)^2}{n} = Lim_{x\to\infty} \frac{2 (\lg x)}{1} = Lim_{x\to\infty} \frac{2 (\lg x)}{x \ln 2} = 0$$
concluimos con  $\Theta(n (\lg n)^2) \subseteq \Theta(n^2)$ ; i.e., la nueva versión es más eficiente.

15. Dado el siguiente algoritmo para calcular el máximo y el mínimo de un vector de enteros, determínese el Nº DE COMPARACIONES entre componentes del vector que se realizan en el caso peor.

```
proc MAX MIN (T[i..j], Max, Min)
   si T[i] • T[j] entonces Max:= T[j]; Min:= T[i];
   sino Max:= T[i]; Min:= T[j];
   fin si;
   si i+1 • j-1 entonces
           MAX_MIN (T[i+1..j-1], Aux_Max, Aux_Min);
si Max < Aux_Max entonces Max:= Aux_Max; fin si;
si Aux_Min < Min entonces Min:= Aux_Min; fin si;
   fin si;
fin proc;
```

Ø:

Las comparaciones entre componentes del vector son  $T[i] \le T[j]$ ,  $Max < Aux\_Max$  y  $Aux\_Min < Min$ .

El número de comparaciones que realiza el procedimiento MAX\_MIN sobre un vector de tamaño n es

$$t(n) = \begin{cases} 1 & n \le 2 \\ t(n-2) + 3 & n > 2 \end{cases}$$

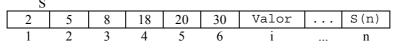
que resolviendo resulta t(n)=3n/2-2.

**16.** Teniendo una secuencia de *n* claves distintas a ordenar, considérese la siguiente variación del algoritmo de Ordenación por Inserción:

Para  $2 \le i \le n$ : insertar S(i) entre  $S(1) \le S(2) \le ... \le S(i-1)$  empleando la búsqueda dicotómica para determinar la posición correcta donde debe ser insertado S(i).

Es decir, el algoritmo de inserción para *determinar la posición* donde debe insertarse S(i) hará uso del siguiente algoritmo:

Ejemplos:



BUSQ DICOT POSICION(S(1..6), 1)  $\rightarrow$  Posición: 1

BUSQ DICOT POSICION(S(1..6), 3)  $\rightarrow$  Posición: 2

BUSQ DICOT POSICION(S(1..6), 9) → Posición: 4

BUSQ DICOT POSICION(S(1..6), 37)  $\rightarrow$  Posición: 7

Analizar lo siguiente de esta variante del algoritmo de Ordenación por Inserción.

a) Comparaciones entre claves:

¿Cuál es un caso peor?

¿Cuál es el orden del número de comparaciones entre claves que se harán en ese peor caso?

b) Movimientos de claves:

¿Cuál es el caso peor?

¿Cuántos movimientos de claves en total se harán en el peor caso?

c) ¿Cuál es el orden del tiempo de ejecución del algoritmo en el peor caso?

Øj:

(a) Cualquier caso es ejemplo de caso peor ya que siempre, salvo cuando la secuencia tiene tamaño unidad, se realiza llamada recursiva.

Sea t(i) el número de comparaciones de BUSQ\_DICOT\_POSICION(S(1..i), Valor). Se satisface la ecuación siguiente:

$$T(i) = \begin{cases} 1 & i = 1 \\ 1 + T\left(\left\lfloor\frac{i}{2}\right\rfloor\right) & i > 1 \end{cases}$$

Suponiendo que  $i=2^k$  y resolviendo: t(i)=t(i/2)+1=....=1+lg i

El número de comparaciones de claves del algoritmo de Ordenación será:

$$\sum_{i=1}^{n-1} (1+lgi) \in O(nlgn)$$

(b)Un caso peor es cuando el vector de entrada viene ordenado decrecientemente, porque obliga a mover el máximo número de claves en cada inserción.

En la inserción de la componente i-ésima movemos (nº de asignaciones de claves) i+1 claves: i-1 "traslaciones" más dos para la inserción.

Tenemos que realizar una inserción por cada valor de y desde 2 hasta n, por consiguiente el número de movimientos será

$$\sum_{i=2}^{n} (i+1) \in O(n^2)$$

(c)El orden de esta variante del algoritmo de ordenación por inserción es O(n²), debido a que el número de movimientos es de ese orden y esos movimientos son operaciones elementales críticas (es decir, adecuadas para el análisis del algoritmo).

17. Hemos diseñado la siguiente versión del algoritmo Mergesort con intención de evitar el uso de espacio extra de orden lineal.

Analice su eficiencia temporal.

siendo MERGE\_SOBRE\_VECTOR(V,I,X,J) un procedimiento que ordena el segmento V(I..J) del vector V cuando recibe dos segmentos ordenados que ocupan posiciones consecutivas V(I..X) y V(X+1..J)

```
procedure MERGE_SOBRE_VECTOR (V: in out VECTOR, I,X,J: in INDICE) is
```

Ø:

El procedimiento Merge\_Sobre\_Vector(V,i,x,j) es de  $O(n^2)$  siendo n=j-i+1 el tamaño del vector V[i..j]. Obsérvese que, en el caso peor, habrá que insertar n/2 elementos en V[x+1..j], realizando n/2 movimientos de componentes del vector cuando Aux deba colocarse en V(j).

Para analizar la eficiencia de MergeSort\_Sobre\_Vector(V,1,n) incluimos en la recurrencia sólo los sumandos fundamentales.

$$T(n) = \begin{cases} a & n = 1 \\ 2T(n/2) + T_{merge}(n) & n > 1 \end{cases} = \begin{cases} f_1 & n = 1 \\ 2T(n/2) + n^2 & n > 1 \end{cases}$$

Luego, con cualquiera de estas dos formas necesitaría de un tiempo lineal en el número de elementos que del vector., teniendo que repetir el proceso k veces. Así pues, el orden del Merge Sobre Vector dado vector con n elementos es  $O(n^2)$ :

$$\begin{split} T(n) &= 2T\left(\frac{n}{2}\right) + n^2 = 2\left(2T\left(\frac{n}{2^2}\right) + \left(\frac{n}{2}\right)^2\right) + n^2 = 2^2T\left(\frac{n}{2^2}\right) + n^2\left(1 + \frac{1}{2}\right) \\ &= 2^3T\left(\frac{n}{2^3}\right) + n^2\left(1 + \frac{1}{2} + \frac{1}{2^2}\right) & \text{tras 3 pasos} \\ &= 2^iT\left(\frac{n}{2^i}\right) + n^2\sum_{i=0}^{i-1}\frac{1}{2^i} & \text{tras i pasos} \end{split}$$

Haciendo n=2<sup>1</sup> llegamos al caso básico, y puesto que el otro sumando contiene a una progresión geométrica de razón 1/2:

$$= a n + n^{2} \left(2 - \frac{2}{n}\right) = 2n^{2} + (a - 2)n \in O(n^{2})$$

De todo esto se concluye que el intento de ahorrar algo de espacio de memoria frente al empleado por el MergeSort tradicional repercute en el orden temporal de la ejecución empeorándolo.

18. Suponga que vamos a utilizar el siguiente algoritmo para encontrar las k mayores claves de una lista de n claves.

```
M: VECTOR;
Claves: VECTOR(1..K);
begin
   Crear montículo M con las n claves;
   for J in 1 .. K loop
        Claves(J):= M(1);
        M(1):= M(n-J+1); -- trasladar el último a la raíz
        HUNDIR_RAIZ(M(1..n-J));
   end loop;
   return Claves;
end LAS K MAYORES CLAVES;
```

¿ De qué orden (en función de n) puede ser k para que este algoritmo sea de O(n)?

Øŋ.

Observado que el algoritmo consta de dos partes:

```
- construir montículo \in O(n)

- obtener los k mayores de un montículo que inicialmente tiene n elementos: \sum_{j=1}^k lg(n-j) \le k \ lg \ n \ , \ es \ decir, \ O(k \ log \ n)
```

y con objeto de que el algoritmo sea O(n), será necesario acotar superiormente el tiempo del bucle de extracción de los k mayores elementos por dicho valor:  $O(k \log n) \subseteq O(n)$ . Basta aplicar directamente la definción de O

```
\begin{split} k \log n &\in O(n) \\ &\iff \exists c \, \exists n 0 \, (\, (c \in R^+) \land (n_0 \in N) \land \forall n \, (n \geq n_0 \Rightarrow k \, \log n \leq c \, n)) \\ &\iff \exists c \, \exists n 0 \, (\, (c \in R^+) \land (n_0 \in N) \land \forall n \, (n \geq n_0 \Rightarrow k \leq c \, n/\log n)) \\ &\iff k \in O(n/\log n) \end{split}
```

**19.** El siguiente algoritmo puede emplearse para buscar un nombre en un listín telefónico (Obviamente el listado está ordenado alfabéticamente):

a) ¿Cuántas veces se ejecuta la comparación de Apellido con una componente de Lis en el peor caso? (Sirve la misma observación del ejercicio anterior. )

Sabemos que BUSQUEDA LINEAL(Lis(X..Y), Apellido) produce Y-X comparaciones.

b) ¿Cambiaría el orden del algoritmo si en vez de BUSQUEDA LINEAL invocásemos a BUSQUEDA DICOTOMICA (Lis(X..Y), Apellido) que produce 1+log (Y-X) comparaciones?

Ø:

Dependiendo de que n sea o no múltiplo de Salto, el mayor número de comparaciones será:

(a1) 
$$\left\lfloor \frac{n}{\text{salto}} \right\rfloor + \text{salto} - 1$$
 si n mod salto  $\neq 0$ 

(a1) 
$$\left\lfloor \frac{n}{\text{salto}} \right\rfloor + \text{salto} - 1$$
 si n mod salto  $\neq 0$   
(a2)  $\frac{n}{\text{salto}} - 1 + \text{salto} - 1$  si n mod salto  $= 0$ 

En el caso (a1) el peor caso es cuando Apellido está o bien en la posición  $\left(\left|\frac{n}{\text{salto}}\right| * \text{salto}\right) - 1$  o bien en la última posición (o penúltima, porque requiere el mismo nº de

comparaciones) si ésta es  $n = \left\lfloor \frac{n}{\text{salto}} \right\rfloor * \text{salto} + \text{salto} - 1$ , necesitando para cualquiera de los

casos el número de comparaciones anteriormente mencionadas.

Por lo tanto, el n<sup>a</sup> mayor de comparaciones es el máximo de (a1) y (a2).

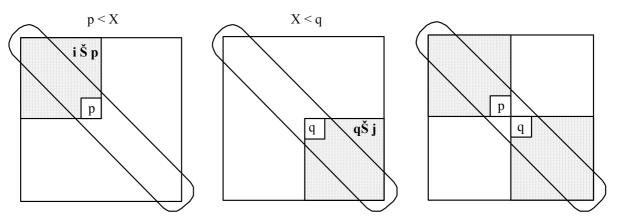
Por otro lado, mencionar que el orden del algoritmo puede cambiar si invocamos BUSQUEDA DICOTOMICA, dependiendo de la magnitud de salto:

(b1) 
$$\left\lfloor \frac{n}{\text{salto}} \right\rfloor + 1 + \lg \text{ salto}$$
 si n mod salto  $\neq 0$   
(b2)  $\frac{n}{\text{salto}} - 1 + 1 + \lg \text{ salto}$  si n mod salto  $= 0$ 

(b2) 
$$\frac{n}{\text{salto}} - 1 + 1 + \lg \text{ salto}$$
 si n mod salto = 0

Por ejemplo, si salto $\in \Theta(n)$  entonces el algoritmo pasaría a se  $O(\lg n)$ 

- 20. Para determinar si un ítem X se halla presente en una matriz cuadrada de ítems T(1..n,1..n) cuyas filas y columnas están ordenadas crecientemente (de izquierda a derecha y de arriba a abajo respectivamente), se utiliza el siguiente algoritmo: (Sea benevolente con el enunciado, admitiendo que siempre tenga sentido eso de "la diagonal")
  - Con búsqueda dicotómica se busca X en la "diagonal".
  - Si encontramos X, terminamos.
  - Si no, (encontramos p y q tales que p<X<q ) descartamos los dos trozos de la matriz donde no puede estar X e invocamos recursivamente el mismo procedimiento sobre los dos trozos restantes.



¿De qué **orden** es este algoritmo en el **caso peor**?

Ø:

El caso peor sucede cuando X no se halla en la diagonal, sucediendo p<X<q, y concretamente cuando esto sucede en la mitad de la diagonal, ya que ello conlleva a que tan sólo se desprecien dos trozos cada uno con un cuarto de elementos de la matriz. Ahora bien, hay dos posibles alternativas a la hora de considerar el tamaño de la entrada:

a) Sea n el número de filas (o columnas) puesto que la matriz es cuadrada. La búsqueda dicotómica requerirá tiempo lg n, mientras que las dos llamadas recursivas se harán con matrices de tamaño n/2.

$$T(n) = \begin{cases} a & n = 1 \\ lgn + 2T\left(\frac{n}{2}\right) & n > 1 \end{cases}$$

$$T(n) = lgn + 2T\left(\frac{n}{2}\right) \quad y \text{ haciendo } n = 2^k$$

$$T(2^k) = lg2^k + 2T\left(2^{k-1}\right) \quad T_k - 2T_{k-1} = k; \quad (x - 2)(x - 1)^2 = 0;$$

$$T_k = c1 \quad 2^k + c2 \quad 1^k + c3 \quad 1^k \quad k$$
que tras deshacer el cambio, obtenemos:  $T(n) = c1 \quad n + c2 + c3 \quad lg \quad n \in O(n)$ 

- b) Sea n el número de elementos de la matriz. En este caso, la búsqueda dicotómica requerirá tiempo lg √n, mientras que las dos llamadas recursivas se harán con matrices de tamaño n/4.
- 21. Un array T contiene *n* números naturales distintos. Queremos conocer los menores *m* números de T. Sabemos que *m* es mucho menor que *n*. ¿Cómo lo harías para que resultara más eficiente?:
  - (a) Ordenar T y tomar los m primeros.
  - (b) Invocar SELECCIONAR(T,k) para k=1, 2, ...y m.
  - (c) Usar algún otro método.

Justifica tu respuesta contrastando en tu estudio los análisis de caso peor y caso medio conocidos.

**L**ı:

- (a) 1<sup>a</sup> ordenar (HeapSort) ( $\Theta(n \lg n)$ ) + 2<sup>a</sup> seleccionar los m menores ( $\Theta(m)$ ):  $\Theta(n \lg n + m)$
- (b) SELECCIONAR\_K( T(1..N), K) lo ejecutamos m veces con K=1, K=2,... y K= m: - en el caso peor:  $T_p \in \Theta(m \ n^2)$

- en el caso medio:  $T_m \in \Theta(m n)$ 

- (c) Hay distintas posibilidades: la primera es la más sencilla y la peor. Las dos siguientes son mejores:
- (c1) 1°: escoger el menor entre n elementos n-1 comparaciones 2°: escoger el menor entre los n-1 restantes n-2 comparaciones ...

m°: escoger el menor entre los n-(m-1) restantes  $\underline{\text{n-m}}$  comparaciones  $\in \Theta(\text{n m})$ 

(c2) Se puede mejorar (c1) empleando montículos empleando la misma idea que en el HeapSort:

```
 \begin{array}{lll} \text{Crear\_Monticulo\_de\_Minimos}\left(T\left(1\ldots N\right)\right) & \in \Theta\left(n\right) \\ \text{for } \text{I in 1 } \ldots \text{ m loop} & \\ & \text{Intercambiar\_Raiz\_y\_Ultimo}\left(\text{ } T\left(1\ldots N\text{-I}\text{+}1\right)\right); & \\ & \text{Hundir\_Raiz}\left(T\left(1\ldots N\text{-I}\right)\right); & \in \Theta\left(\text{m lg } n\right) \\ \text{end loop}; & \\ & \text{Devolver\_los\_m\_elementos}\left(T\left(N\text{-M+1}\ldots N\right)\right) & \in \Theta\left(\text{m}\right) \\ & & \\ & & \in \Theta(n\text{+}m \lg n + m) = \Theta(n\text{+}m \lg n\right) \\ \end{array}
```

(c3) Se puede mejorar (c1) empleando SELECCIONAR K:

Una única llamada con SELECCIONAR\_K(T(1..N), m) nos devuelve en las primeras (m-1) posiciones de T los m-1 elementos menores o iguales del vector y el la posición m-ésima el m-ésimo más pequeño. Basta con luego devolver los m primeros elementos:

- en el caso peor:  $T_p \in \Theta(n^{2+} m)$  - en el caso medio:  $T_m \in \Theta(n+m)$ 

COTEJO: sabemos m<<<n

	<u>peor</u>	<u>medio</u>
(a)	$\Theta(n \lg n + m)$	$\Theta(n \lg n + m)$
(b)	$\Theta(m n^2)$	Θ(m n)
(c)		
(c1)	Θ(n m)	$\Theta(n m)$
(c2)	$\Theta(n+m \lg n)$	$\Theta(n m) \\ \Theta(n+m \lg n)$
(c3)	$\Theta(n^2+m)$	$\Theta(n+m)$

En el caso medio la mejor solución es (c3). En el peor caso la mejor solución es (c2).

OBS: Si no se os ha ocurrido (c3), la mejor solución tanto en el caso peor como en el medio es (c2).

Si tampoco se os ha ocurrido (c2), entonces la mejor solución dependerá del valor de m ya que, por ejemplo, en los casos medios:

$m = \sqrt{n}$	$O(n \lg n + m) \subseteq O(nm) = O(n\sqrt{n})$		
	(a) (b) y (c1)		
$m = \lg n$	O(n lg n + m )=O(n lg n) = O(nm)  (a) (b) v (c1)		

22. Una persona piensa un número entero positivo W. Escribe un algoritmo para que otra persona lo adivine realizándole preguntas con la relaciones de orden: <, >, =. El número de preguntas debe ser o(W).

#### **Ø**:

Ya que se pide hallar una solución de orden mejor que lineal en W, esto indica que la búsqueda del número W no se debe realizar por incrementos constantes (1,2 o en general c constante). Se intenta entonces buscarlo con saltos potencias de 2, hasta que hallemos W o el valor del salto exceda al mismo. Si sucede este último caso, buscamos dicotómicamente en el intervalo de número existentes entre el penúltimo y último salto. El realizar saltos potencias de 2 permite saber con exactitud el número de elementos (en este caso números) que hay en el intervalo que se realiza la búsqueda dicotómica, lo cual es imprescindible para determinar el orden de la misma.

### <u>Algoritmo</u>:

```
procedure Adivina (W) is

begin
    j:=0;
    while EsMenor?(2<sup>j</sup>,W) loop
        j:=j+1;
    end loop;
    if NoEs?(2<sup>j</sup>,W) then BusqDicotomica(2<sup>j-1</sup>+1,2<sup>j</sup>-1,W); end if;
    Escribir("El número que has pensado es: ", W);
end;
```

# Análisis del coste:

El algoritmo propuesto realiza el siguiente número de preguntas del tipo (<, =,...):

- 1. Si  $W=2^j$  entonces j preguntas o, lo que es lo mismo, (lg W).
- 2. Si 2<sup>j-1</sup><W<2<sup>j</sup> entonces j preguntas más las realizadas por la búsqueda dicotómica en (2<sup>j-1</sup>,2<sup>j</sup>). Como en dicho intervalo hay 2<sup>j-1</sup> elementos, se realizan O(log 2<sup>j-1</sup>) preguntas en la búsqueda dicotómica, o lo que es lo mismo, O(lg W) (por 2<sup>j-1</sup><W<2<sup>j</sup>)

Debido a que tanto en (1) como (2) el número de preguntas realizadas es  $O(\lg W)$  el orden de la solución propuesta es  $O(\lg W) \subset o(W)$ .

(a) Analiza el algoritmo siguiente, que transforma el array T(1..n) en un montículo.

(b) Con el análisis del apartado (a) habrás descubierto que crear\_montículo(T(1..n)) es de O(n). Entonces, ¿por qué es incorrecto el razonamiento siguiente para analizar el algoritmo HeapSort?:

```
proc HeapSort (T(1..n))
  crear_montículo (T(1..n))
  para i:= n disminuyendo hasta 2 hacer
  intercambiar T(1) y T(i)
  hundir(T(1..i-1), 1)
```

Yo veo que crear\_montículo (T(1..n)) realiza  $\lfloor n/2 \rfloor$  veces el procedimiento hundir, y que el bucle de n-1 iteraciones de HeapSort(T(1..n)) puede verse como 2 veces  $\lfloor n/2 \rfloor$  realizaciones del procedimiento hundir (más el intercambio que es de O(1)). Por tanto HeapSort(T(1..n)) realiza consecutivamente tres fragmentos de programa de O(n) cada uno y concluyo que HeapSort(T(1..n)) es de O(n).

**Ø**:

- (a) Sea  $p = \lfloor \lg n \rfloor$  la profundidad de un montículo con n elementos. En el caso peor el procedimiento hundir, hunde un nodo hasta convertirlo en hoja:
  - Por cada nivel que baja el elemento se realizan dos comparaciones (una entre los hijos y otra entre el hijo mayor y el elemento a hundir en cuestión).
  - Un nodo de nivel j cuando tras hundirlo se ha convertido en hoja, ha requerido pasar por (p-j) niveles. O lo que es lo mismo, era la raíz de un montículo de profundidad (p-j) y tras hundir se ha convertido en hoja de ese mismo montículo.
  - En cada nivel j, el número de nodos internos (nº de nodos a hundir) es 2<sup>j</sup>.

Agrupando los resultados anteriores tenemos que el número de comparaciones realizadas por el procedimiento hundir en el caso peor es:

$$T(n) = \sum_{j=0}^{p-1} 2 (p-j) 2^{j} = 2p \sum_{j=0}^{p-1} 2^{j} - 2 \sum_{j=1}^{p-1} j 2^{j} = 2p (2^{p} - 1) - 2((p-2)2^{p} + 2) = 2 2^{p} - 2p - 4 = 2 2^{\lfloor \lg n \rfloor} - 2 \lfloor \lg n \rfloor - 4 \le 2 n - 2 \lg n - 4$$

$$T(n) \in O(n)$$

(b) La incorrección del razonamiento está en "tres fragmentos de programa de O(n) cada uno", ya que no es cierto que realizar \[ \ln/2 \right] veces \[ \text{hundir} \] sea siempre de O(n), depende de los parámetros de \[ \text{hundir}. \] Obsérvese que \[ \text{hundir} \] (T(1..n),i) es de O(lg n-lg i) y, por ejemplo, \[ \text{hundir} \] n/2 veces una raíz -\[ \text{hundir} \] (T(1..n),1)- resulta O(n lgn). Concretamente, en el bucle del \[ \text{Heapsort} \] se hunde la raíz en montículos de tamaño (n-1), (n-2),..., y finalmente

de tamaño 2. Ello implica que el trabajo realizado por hundir es, en el peor de los casos: lg  $(n-1) + \lg (n-2) + ... + \lg 2 \in O(n \lg n)$ 

**24.** Considérese el algoritmo de ordenación siguiente.

```
procedure TerciosSort (B: in out Vector; I,J: in Integer) is
   K: Integer:= \[ \left[ \frac{J-I+1}{3} \right] ;

begin
   if B(I) > B(J) then Intercambiar(B(I),B(J)); end if;
   if J-I+1 <= 2 then return; end if;
   TerciosSort (B, I, J-K);
   TerciosSort (B, I+K, J);
   TerciosSort (B, I, J-K);
end TerciosSort;</pre>
```

- (a) Analiza su tiempo de ejecución.
- (b) Compáralo con la eficiencia de InsertionSort y HeapSort.

Observaciones:

- Puedes considerar valores de n de la forma  $(3/2)^k$ .
- $\bullet \qquad \log_b a = \frac{\log_c a}{\log_c b}$
- $\log_3 2 = 0.63092$

**Ø**:

El tiempo de ejecución de TerciosSort se ha recogido en la siguiente ecuación de recurrencia.

$$T(n) = \begin{cases} a & \text{si } n \le 2 \\ 3 & T\left(\frac{2}{3}n\right) + b & \text{si } n > 2 \end{cases}$$

Una vez desarrollada la ecuación de recurrencia se halla el patrón general:

$$T(n) = 3^{i} T\left(\left(\frac{2}{3}\right)^{i} n\right) + b \sum_{j=0}^{i-1} 3^{j}$$

Suponiendo que  $n = (3/2)^k$  y que el caso básico se obtiene cuando i=k, tenemos que:

$$T(n) = 3^k a + b \frac{3^k - 1}{2} = \left(a + \frac{b}{2}\right) 3^k - \frac{b}{2}$$

Como el orden de ejecución se tiene que dar en función de n, sustituimos k por su valor equivalente en función de n:

$$n = (3/2)^{k} = \log_{3} n = k \log_{3} \frac{3}{2}; \ k = \frac{\log_{3} n}{\log_{3} \frac{3}{2}} = \frac{\log_{3} n}{1 - \log_{3} 2} = \frac{1}{1 - \log_{3} 2} \log_{3} n = c \log_{3} n$$

Obsérvese el valor de  $c = \frac{1}{1 - \log_3 2} = \frac{1}{0,36908} = 2,7094$ ; así pues, 2<c<3.

Entonces:  $3^k = 3^{c \log_3 n} = n^c$  y por tanto  $T(n) \in O(n^c)$  con 2 < c < 3.

Por ello, concluimos que Tercios Sort es asintóticamente pe<br/>or que O(n log n) ya que O(n lg n)  $\subset$  O(n²). 25. Completa el siguiente algoritmo para que calcule el k-ésimo mayor elemento de los n números enteros que el procedimiento **get-number** (X: **out** integer) irá generando. Nos interesa minimizar el espacio extra necesario, por tanto busca soluciones que no requieran siempre espacio extra de  $\Omega(n)$ .

Øŋ.

Aprovecharemos que el k-ésimo mayor elemento de n números es también el (n-k+1)ésimo menor de los mismos. Para minimizar el espacio extra utilizaremos un vector de tamaño k si k≤n/2 o bien de tamaño (n-k+1) si K>n/2. Para realizarlo de modo eficiente, ese vector será un montículo:

- Si k≤n/2: Registraremos los k mayores elementos recibidos hasta el momento en un montículo de mínimos (valor de nodo padre menor o igual que el valor de nodo hijo).
- Si k>n/2: Registraremos los (n-k+1) menores elementos recibidos hasta el momento en un montículo de máximos.

Obsérvese que, en el caso  $k \le n/2$ , si el elemento recibido x es mayor que el valor de la raíz del montículo, nos interesa considerarlo. Por el contrario, en el caso k > n/2, nos interesa cuando x es menor que el valor de la raíz.

Buscando simplicidad en la expresión del algoritmo, presentamos la versión siguiente:

```
begin
  if k≤n/2
  then
    declare GRANDES: monticulo(1..k):= (others=>System.MIN INT);
              G: boolean:= true;
    end;
  else
    declare PEQUEÑOS:monticulo(1..n-k+1):=(others=>System.MAX INT);
              G: boolean:= false;
    end;
  end if;
  for I in 1..n loop
      Get Number(X);
      case
              if x>Raiz(GRANDES) then
        G:
                    GRANDES(1):=X; Hundir(GRANDES,1);
              end if;
        not G: if x<Raiz(PEOUEÑOS) then</pre>
                    PEQUEÑOS (1):=X; Hundir(PEQUEÑOS,1);
               end if;
      end case;
  end loop;
```

```
if G then K_ESIMO:= Raiz(GRANDES);
else K_ESIMO:= Raiz(PEQUEÑOS);
end if;
return K_ESIMO;
end;
```

Las operaciones de hundir raíz son las que determina la eficiencia de este algoritmo, el resto son operaciones elementales o de inicialización que no vana elevar el orden. En el peor caso hay que realizar n operaciones hundir en un montículo con min(k, n-k+1) elementos. Por lo tanto, O(n lg (k, n-k+1)).

**26.** Un mínimo local de un array A(a-1...b+1) es un elemento A(k) que satisface A(k-1)≥A(k)≤A(k+1). Suponemos que a≤b y A(a-1)≥A(a) y A(b)≤A(b+1); estas condiciones garantizan la existencia de algún mínimo local. Diseña un algoritmo que encuentre algún mínimo local de A(a-1...b+1) y que sea substancialmente más rápido que el evidente de O(n) en el peor caso. ¿De qué orden es tu algoritmo?

```
A(a-1) \ge A(a) son las condiciones que garantizan la existencia de un mínimo local.

A(b) \ge A(b+1)
```

Solución con la técnica "divide y vencerás":

- Si hay 3 elementos:  $A(a-1) \ge A(a) \le A(a+1)$ . El mínimo local está en la posición **a**
- Si hay más de 3 elementos:

Puesto que se pide un algoritmo mejor que lineal, hay que evitar comparar todos los elementos.

Si dividimos en dos partes iguales:

- si A((n/2)-1) ≥ A(n/2) ≤ A((n/2)+1) entonces el mínimo local está en la posición n/2
- si no -- alguna de las inecuaciones de la condición de arriba no es cierta
  - si A((n/2)-1) < A(n/2) entonces nos encontramos en las condiciones que garantizan la existencia de un mínimo local entre (a-1) y (n/2)
  - si no entonces nos encontramos en las condiciones que garantizan la existencia de un mínimo local entre ((n/2)-1) y (b+1)

En cuanto al orden del algoritmo fácilmente se puede observar que en el caso general se realiza una única llamada recursiva de tamaño (n/2). Por ello, podemos decir que a MIN\_LOCAL le corresponde la misma ecuación de recurrencia que al algoritmo de "búsqueda dicotómica" (T(n)=a+T(n/2)) concluyendo por ello que  $T(n) \in O(\lg n)$ .

27.

a) Considera el algoritmo recursivo de búsqueda dicotómica en un vector ordenado: (Si X no estuviera en el vector devuelve el índice 0):

```
BUSQ DICO (T[i..j], X, Ind)
     i< j entonces
       k := (i+j) \text{ div } 2;
        \mathbf{si} T[k] = X
                        entonces devolver Ind:= k;
               si T[k] < X entonces BUSQ_DICO(T[k+1..j], X, Ind);</pre>
               sino BUSQ DICO(T[i..k-1], X, Ind);
               fin si;
        fin si;
  sino si i=j
                 y también T[i] = X
        entonces devolver Ind:= i;
        sino devolver Ind:= 0;
        fin si:
  fin si;
fin proc;
```

Considérense dos implementaciones distintas del mismo algoritmo, en las cuales en una el paso de parámetros se realiza por referencia y en la otra por copia (o valor) ¿Habría alguna diferencia en la eficacia temporal entre esas dos implementaciones?

b) En el Mergesort, ¿habría alguna diferencia en la eficacia temporal entre las dos posibilidades de paso de parámetro antes mencionadas?

Øj:

(a.1) Paso del vector por referencia: Tiempo necesario para el paso O(1). Función temporal de BUSQ DICO:

$$t(n) = \begin{cases} a & n \le 1 \\ t\left(\frac{n}{2}\right) + b & n > 1 \end{cases}$$

Es conocido que  $t(n) \in O(\lg n)$ .

(a.2) Paso del vector por valor: Tiempo necesario para el paso O(n) si el vector es de tamaño n. Función temporal en este caso:

$$t(n) = \begin{cases} a & n \le 1 \\ t\left(\frac{n}{2}\right) + n & n > 1 \end{cases}$$

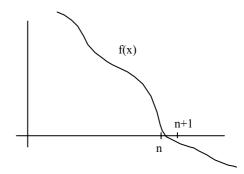
Que resolviendo resulta  $t(n) \in O(n)$ .

(b.1) Para el algoritmo Mergesort, el paso del vector por referencia determina una función temporal como la siguiente:

$$t(n) = \begin{cases} a & n \le 1 \\ 2t\left(\frac{n}{2}\right) + n & n > 1 \end{cases}$$

- (b.2) El paso del vector por valor, necesitaría un tiempo O(n) para vectores de tamaño n, pero la incidencia de esto en el orden de la función temporal es nula ya que sólo afecta al coeficiente que pueda multiplicar al sumando n de 2t(n/2) + n.
- **28.** Sea F(x) una función monótona decreciente y sea N el mayor entero que cumple  $F(N) \ge 0$ . Asumiendo que N existe, un algoritmo para determinar dicho N es el siguiente:

```
I:=0;
while F(I) •0 loop
    I:= I + 1;
end loop
N = I-1;
```



No obstante, esta solución tiene complejidad O(N). Escríbase un algoritmo cuyo comportamiento asintótico sea mejor en función de N.

Ø:

Ya que se pide hallar una solución de orden mejor que lineal en N, esto indica que la búsqueda del número N no se debe realizar por incrementos constantes (1,2 o en general c constante). Se intenta entonces buscarlo con saltos potencias de 2, hasta que hallemos N o lo superemos por primera vez. Si sucede este último caso, buscamos dicotómicamente en el intervalo de números existentes entre el penúltimo y último salto. El realizar saltos potencias de 2 permite saber con exactitud el número de elementos (en este caso, números) que hay en el intervalo en el que se realiza la búsqueda dicotómica, lo cual es imprescindible para determinar el orden de la misma..

### Algoritmo:

# Análisis del coste:

El algoritmo propuesto tiene el siguiente coste:

- 1. Si N= 2<sup>j</sup> entonces j iteraciones del while (cada una de O(1)) o, lo que es lo mismo, O(lg N).
- 2. Si  $2^{j-1} < N < 2^j$  entonces j iteraciones del while (cada una de O(1)) + las operaciones realizadas por la búsqueda dicotómica en  $(2^{j-1},2^j)$ . Como en dicho intervalo hay  $2^{j-1}$  elementos, se realizan O(log  $2^{j-1}$ ) preguntas en la búsqueda dicotómica, o lo que es lo mismo, O(lg N) (porque  $2^{j-1} < N < 2^j$ )

Debido a que tanto en (1) como (2) el número de operaciones realizadas es  $O(\lg N)$ , el orden de la solución propuesta es  $O(\lg N) \subset o(N)$ .

**29.** Sea una red internacional de *n* ordenadores. Cada ordenador X puede comunicarse con cada uno de sus vecinos Y al precio de 1 doblón por comunicación. A través de las conexiones de Y y subsiguientes, X puede comunicarse con el resto de ordenadores de la red pagando a cada ordenador que utilice para la conexión el doblón correspondiente.

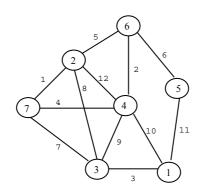
Describe un algoritmo que **calcule la tabla PRECIO(1..n)** tal que PRECIO(i) es el número mínimo de doblones que le cuesta al ordenador 1 establecer una conexión con el ordenador *i* 

Ø:

Basta un recorrido en anchura del grafo que representa a la red, partiendo del nodo 1.

Es evidente que el tiempo de este algoritmo es el mismo que el de un recorrido en anchura:  $\Theta(n+a)$ , siendo a el número de aristas (comunicaciones) del grafo.

30. Dado el siguiente grafo:



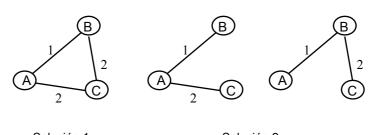
- (a) Escribe, en orden de selección, las aristas seleccionadas por el algoritmo de *Prim* sobre ese grafo.
- (b) Lo mismo que el apartado (a) pero con el algoritmo de Kruskal.

Ø:

- (a) Supongamos que el vértice de partida es el 1: (1,3),(3,7),(7,2),(4,7),(4,6),(5,6)
- (b) (2,7),(4,6),(1,3),(4,7),(5,6),(3,7)
- 31. Supóngase que un grafo tiene exactamente 2 aristas que tienen el mismo peso.
  - (a) ¿Construye el algoritmo de *Prim* el mismo árbol de expansión mínimo, independientemente de cuál de esas aristas sea seleccionada antes?
  - (b) Lo mismo que el apartado (a) pero con el algoritmo de Kruskal.

ØD:

No tiene porque construir el mismo árbol de expansión en ninguno de los dos casos. Véase el siguiente ejemplo. Tanto Kruskal como Prim podrían dar la solución Solución 1 ó Solución 2.



Solución 1 Solución 2.

**32.** Estúdiese el siguiente algoritmo para calcular las componentes conexas de un grafo no dirigido G=(VERTICES, ARISTAS) usando la estructura de partición:

Si G tiene K componentes conexas, ¿cuántas operaciones BUSCAR se realizan? ¿Cuántas operaciones UNIR se realizan? Exprésese el resultado en términos de |VERTICES|, |ARISTAS| y K.

Ø:

El número de operaciones BUSCAR es 2 por cada arista del grafo: 2\* ARISTAS |. El número de operaciones UNIR es VERTICES | -K.

Justificación: Comenzamos con VERTICES | "componentes conexas", y cada operación UNION reduce en 1 ese número. Si al final el número es K, el número de operaciones UNIR habrá sido VERTICES | -K.

**33.** Dado un grafo G no dirigido, el algoritmo de Kruskal determina el árbol de expansión mínimo de G empleando para ello la estructura partición UNION-FIND. El método comienza ordenando el conjunto de aristas del grafo en orden creciente según sus pesos, para pasar a continuación a tratar una a una estas aristas. Analícese una nueva versión de dicho algoritmo en la cual se emplea un montículo (heap) para almacenar las aristas, y de donde se irán cogiendo una a una para ser tratadas de la misma forma que en la versión original. Escríbase el algoritmo y calcúlese su orden en el caso peor.

```
Algoritmo KRUSKAL_MODIFICADO (G=(N, A),...)

Crear_Montículo(A, MONTON)

Inicializar_partición(N)

while Número de aristas seleccionadas ≠ n-1 loop

{u,v}← Mínimo(MONTON)

Eliminar_raíz(MONTON)

"SEGUIR IGUAL QUE KRUSKAL ORIGINAL"

end loop

end
```

- Crear Montículo(A, MONTON) es de O(a) siendo a el número de aristas de A.
- Inicializar partición(N) es de O(n) siendo n el número de vértices de N.
- Mínimo(MONTON) es de O(1).
- Eliminar\_raíz(MONTON) es de O(lg m) siendo m el número de elementos de MONTON.

Hay que realizar el mismo número de operaciones unir, buscar que en el algoritmo de Kruskal original, es decir O(alga); pero además hay que rehacer el montículo (Eliminar\_raíz(MONTON)) después de cada toma de la arista de menor peso, lo que en el caso peor significa hacerlo a veces. Como empezamos con a-1 aristas, esto resulta

$$\lg(a-1) + \lg(a-2) + \dots + \lg 1 \in O(a\lg a)$$

Concluyendo, esta variante del algoritmo de Kruskal es de  $O(a \lg a) = O(a \lg a)$ .

- **34.** Considérese la información registrada en una agencia de viajes referente a los vuelos existentes entre todos los aeropuertos del mundo. Supongamos que toda conexión aérea es de ida y vuelta. Queremos resolver el siguiente problema: Dados los aeropuertos A y B ¿Cual es el mínimo número de transbordos en un viaje aéreo de A a B?
  - (a) De los algoritmos de recorrido de grafos conocidos, cuál elegirías para resolver este problema y por qué. Indica cual sería la modificación pertinente del algoritmo elegido.
  - (b) ¿Cuál es la complejidad temporal de cada uno de los algoritmos sobre grafos que conoces que resuelvan este problema?
  - (c) En conclusión, cuál de ellos elegirías y por qué.

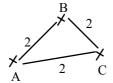
ØD:

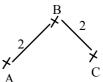
- (a) De los dos algoritmos de recorrido conocidos preferiría el de recorrido en anchura. Por que me parece más adecuado para resolver un problema de distancia mínima en este grafo. Iniciar el proceso partiendo del nodo A, y terminar el proceso, aunque no hayamos recorrido todo el grafo, en cuanto se visite el nodo B, dando la distancia correspondiente.
- (b) Recorrido en anchura O(n+a). Algoritmo de Dijkstra de cálculo de las distancias mínimas de un nodo a todos los demás  $O(n^2)$ . Algoritmo de Floyd que calcula las distancias mínimas entre cada par de vértices  $O(n^3)$ .
- (c) Con la modificación indicada en (a) el recorrido en anchura parece el más eficiente; aunque en este caso el algoritmo de Dijkstra realiza casi la misma tarea.(en cada selección voraz elige "al más cercano", y esa es precisamente la forma de trabajar del recorrido en anchura).
- **35.-** Supongamos que tenemos un algoritmo CAM(G,v) que, dado un grafo G con pesos no negativos asociados a las aristas y un vértice v del mismo, nos devuelve las distancias mínimas para ir de v al resto de vértices del grafo G. ¿Es cierto CAM(G,v)= CAM(KRUSKAL(G),v)? Recuérdese que KRUSKAL(G) es un árbol de expansión mínimo de G.

**L**1:

No es cierto. He aquí un contraejemplo: Dado el grafo

Una solución de Kruskal podría ser:





De manera que la distancia desde el vértice A al C es de 4 en esa solución. Ahora bien, el camino más corto de A a C tiene longitud 2, que sería el resultado que obtendríamos al hacer CAM(G,A).

- **36.** Tras haber visto el algoritmo de Dijkstra, el cual dado un grafo dirigido determina los costes de los caminos mínimos desde un vértice al resto, se pide modificar dicho algoritmo preservando el orden de manera que:
  - (a) calcule además el NUMERO de caminos mínimos y
  - (b) calcule lo suficiente para reconstruir esos caminos mínimos.

Justificar las respuestas.

## [Pista:

Para que el algoritmo de Dijkstra original, además de determinar los costes de los caminos mínimos, calcule los propios caminos (secuencias de vértices), basta con añadirle otra tabla CAMINOS(1..n) que acumule dichos caminos de la siguiente forma: En CAMINOS(x) se registra la lista de vértices que preceden inmediatamente al vértice x en caminos mínimos de 1 a x. Por ejemplo si CAMINOS(x) = [x1, x2, x3] esto significa que (x1, x), (x2, x) y (x3, x) son últimas aristas respectivas de caminos mínimos distintos de 1 a x.]

Ø:

Usaremos una tabla NCM(1..n) de números naturales para registrar el número de caminos mínimos del nodo 1 a cada nodo Y.

Indicamos la inicialización y la modificación pertinente del algoritmo.

Una vez seleccionado el vértice X, para cada uno de sus adyacentes no seleccionados Y habrá que realizar lo siguiente:

```
if D(Y) > D(X)+G(X, Y) then D(Y) > D(X)+G(X, Y)
```

```
\label{eq:ncm} \begin{array}{lll} NCM\left(Y\right) & := & NCM\left(X\right) \\ CAMINOS\left(Y\right) := & A\tilde{n}adir\left( & Lista\_vacía, & Nodo\left(X\right) \right) \\ & & --Cambiar la lista anterior por el vértice X \\ \textbf{elsif} & D\left(Y\right) & = & D\left(X\right) + G\left(X, & Y\right) & \textbf{then} \\ & NCM\left(Y\right) & := & NCM\left(Y\right) + NCM\left(X\right) \\ & CAMINOS\left(Y\right) := & A\tilde{n}adir\left( & CAMINOS\left(Y\right), & Nodo\left(X\right) \right) & --Caminos alternativos \\ \textbf{end} & \textbf{if} \end{array}
```

37. El problema de encontrar un subconjunto T de aristas de un grafo conexo G de manera que todos los vértices del grafo queden conectados empleando tan sólo las aristas de T, y la suma de los pesos de las aristas de T sea la menor posible sigue teniendo sentido aún cuando el grafo G tenga aristas con pesos negativos. Sin embargo, la solución puede que ya no sea un árbol. Adáptese el algoritmo de Kruskal para que trabaje con grafos cuyas aristas pueden tener pesos negativos.

Ø:

Para que la suma de pesos de las aristas de T sea mínima, deben incluirse en T todas las aristas negativas del grafo más las positivas (de menos peso) estrictamente necesarias para interconectar a todo los nodos del grafo. Una adaptación simple del algoritmo de Kruskal es la siguiente:

```
procedure KruskalExtendido (G: in Grafo; CA: out Aristas) is
begin
  L Aris:=Ordenar Crecientemente las Aristas del Grafo(ARISTAS(G));
  NumCompConexas: CuantosVertices(VERTICES(G));
  ConjuntoVacio(CA);
  Inic P conjuntos cada uno con un vértice del grafo (VERTICES (G),
                                                            Comp Conexas);
  Primera_arista_sin_considerar_y_eliminarla_del_cjto(L_Aris,(X,Y));
  while NumCompConexas>1 or Peso(G,(X,Y))<0 loop</pre>
         X_dentro:= Buscar<sub>3</sub>(Comp_Conexas, X);
Y_dentro:= Buscar<sub>3</sub>(Comp_Conexas, Y);
if Peso(G, (X,Y))<0</pre>
         then Añadir Arista Cnjto(CA, (X,Y));
                if Distintos(\overline{\text{Comp_Conexas}}, X_dentro, Y dentro)
                then NumCompConexas:= NumCompConexas-1;
                end if;
                Fusionar<sub>3</sub>(Comp Conexas, (X,Y));
         else
                if Distintos(Comp Conexas, X dentro, Y dentro)
                then Añadir_Arista_Cnjto(CA, (X,Y));
                       NumCompConexas:= NumCompConexas-1;
                       Fusionar, (Comp_Conexas, (X,Y));
                end if;
         end if;
         Primera_arista_sin_considerar_y_eliminarla_
                                                   del cjto(L Aris,(X,Y));
  end loop;
end:
```

Estudio del orden de ejecución de la solución propuesta:

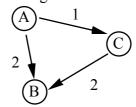
Ambas soluciones tan sólo difieren en el código del 'if' principal del bucle. Pero en ambas soluciones, las ramas más costosas de los mismos requieren el mismo orden. Por otro lado, también en ambas soluciones el caso peor resulta cuando es necesario añadir al conjunto solución la última arista tratada (por ejemplo, cuando todos las aristas tiene peso negativo).

Así pues, la solución propuesta, al igual que la original de Kruskal es de  $O((p+a) \log (p+a))$ .

38. Sea un grafo dirigido acíclico con pesos no negativos en los arcos. Queremos un algoritmo que calcule la máxima distancia de un vértice origen a cada uno de los demás vértices. ¿Sería correcto un algoritmo voraz con la selección voraz siguiente?: Sea S el conjunto de vértices seleccionados (inicialmente S= {Origen}). Seleccionar el vértice v∉S cuyo camino especial sea de longitud máxima. (La noción de camino especial es la análoga a la usada en el algoritmo de Dijkstra de cálculo de caminos mínimos.)

Øj:

La selección voraz no es correcta. Proponemos el siguiente contraejemplo: En el siguiente grafo, sea A el vértice origen



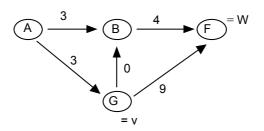
En el ejemplo primeramente existen dos caminos especiales máximos elegibles. |AB|=2 y |AC|=1. Puesto que el primero de ellos, es mayor, se escogería y admitiría éste, pasando así, el vértice B a pertenecer al conjunto S: S={A,B}. Puesto que el algoritmo sería voraz, ningún candidato previamente considerado se reconsideraría, obligando ello a que la distancia máxima hasta B calculada fuera 2, cosa que es falsa: |ACB|=3.

**39.** Sea un grafo dirigido con pesos mayores o iguales que cero en los arcos. En el algoritmo de Dijkstra, sea w un nodo fuera del conjunto de seleccionados S tras haber añadido un nuevo nodo v a S. ¿Es posible que algún camino especial mínimo del origen a w pase por v y después por algún otro nodo de S? La respuesta debe quedar justificada matemáticamente.

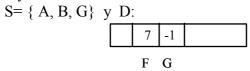
Ø1

Sí, es posible que cree un nuevo camino ESPECIAL MÍNIMO también que partiendo del origen llegue a V, atraviese vértices de S y finalmente llegue hasta W (tal que  $W \notin S$ ).

Ejemplo:



Se escoge G (que equivale al vértice V del enunciado) y se actualizan el conjunto solución S y la tabla de distancias D a:



Hay DOS caminos ESPECIALES MÍNIMOS hasta F: A-B-F y el nuevo A-G-B-F.

**40.** Escriba y analice un algoritmo que, dado un árbol T, determine la profundidad K con el máximo número de nodos de T. Si hubiera varias de esas profundidades, determínese la mayor.

Ø.

Los nodos se tratan en el orden del recorrido en anchura partiendo de la raíz. Así, cada vez que se encole un nodo j de profundidad k, encolamos tanto el nodo como su profundidad. El tratamiento de un elemento tomado de la cola consiste en actualizar las variables pertinentes y encolar todos sus hijos.

```
procedure PROF CON MAS NODOS (T:in ARBOL; Mayor Prof:out entero) is
  COLA: COLA TAD:=VACIA C;
                                   Adyacentes Y: L NODOS;
  Y, Z: VERTICE;
                                   Actual prof: entero;
                            --profundidad del nodo en curso
  Prof: entero:= 0;
  Cont: entero:=0;
                            --número de nodos contabilizados en Actual prof
                             --número de nodos en Mayor Prof
  Max: entero;
begin
      ES ARBOL VACIO(T)
                            then Mayor Prof:= -1;
  if
  else
         Mayor Prof:= 0;
                            Max := 1;
                                          Actual prof:= 0;
         AÑADIR COLA(COLA, (RAIZ(T), Prof));
                                                  --la profundidad de la raíz es 0
                                        loop
         while not (ES VACIA C (COLA))
                (Y, Prof) := C\overline{A}BEZA(COLA);
                RETIRAR PRIMERO DE (COLA);
                if Prof = Actual prof then Cont:= Cont+1
                else if Cont≥Max
                      then Max:= Cont; Mayor Prof:=Actual prof
                      end if
                      Actual prof:= Prof
                end if;
               Adyacentes_Y:= ADYACENTES(T, Y);
               while not ( ES VACIA L(Adyacentes Y))
                      Z:= CABEZA(Adyacentes_Y);
                      RESTO_L?(Advacentes_Y);
ANADIR_COLA(COLA, (Z,Prof+1));
                end loop;
         end loop;
  end if:
end PROF_CON MAS NODOS;
```

Análisis del orden del tiempo de ejecución:

Al recorrido en anchura tan sólo se le han añadido algunas operaciones, las cuales necesitan un tiempo constante de ejecución. Recordando que en un árbol A=N-1, el bucle es O(N), donde  $N=n^{\circ}$  de nodos y  $A=n^{\circ}$  de arcos.

41.- Sea la función recursiva

$$f(n, m) = \begin{cases} 0 & \text{si } m = 0 \\ n & \text{si } m = 1 \\ f\left(n, \left\lfloor \frac{m}{2} \right\rfloor\right) + f\left(n, \left\lceil \frac{m}{2} \right\rceil\right) & \text{si } m > 1 \end{cases}$$

- (a) Es evidente que un programa recursivo ingenuo que calcule f(n,m) repetirá cálculos. Al efecto de evitar estos cálculos redundantes, escribe el programa que calcula dicha función empleando para su diseño la técnica de programación dinámica.
  - Utilizando funciones con memoria.
  - Utilizando una solución iterativa.
- (b) Analiza la complejidad de las soluciones del apartado anterior. ¿Encuentras alguna diferencia en el número de sumas a realizar?

**Ø**:

Puesto que la recursión para que terminen los cálculos depende de un sólo argumento, m, bastará con almacenar los resultados intermedios en una tabla unidimensional: TAB(0..m).

(a.1) Ya que los cálculos intermedios de f(n,m) no generarán nunca el valor -1, se escoge dicho valor como valor por defecto. (Suponemos N $\geq$ 0, sino el valor por defecto a emplear podría ser  $\min(-1, N-1)$ .) Se inicializará toda la tabla con el mismo salvo las posiciones 0 y 1, las cuales se iniciarán con los valores 0 y n respectivamente. El resto de casillas que haya que rellenar, se rellenarán por demanda de las llamadas recursivas:

(a.2) En la solución iterativa es necesario rellenar una a una y de la posición 0 a la m todas las casillas de la tabla siguiendo la definición matemática de la función f:

```
function PRINCIPAL (M,N: integer) return integer is

Tab: array (integer range 0.. M) of integer:= (0=>0; 1=>N);

begin
   for P in 2 .. M loop
        Tab(P):= Tab(TECHO(P/2)) + Tab(SUELO(P/2));
   end loop;
   return Tab(M);
end PRINCIPAL;
```

- (b.1) El orden del tiempo de inicialización es  $\Theta(M)$ . Mientras que el cálculo de Tab(M) requerirá a lo sumo el relleno de M/2 celdas (ya que no es necesario calcular nuevamente los valores de las celdas de las posiciones [TECHO(P/2)+1..M-1]). Las que se calculan, tal y como indica la función f, necesitan tiempo constate: dos accesos a posiciones anteriores+ una suma + una asignación. Por tanto concluimos, que el orden de la solución con funciones con memoria es  $\Theta(M)+O(M)=\Theta(M)$ .
- **(b.2)** En este caso todas las celdas de la tabla se calculan una única vez. Cada posición necesita tiempo constante para ser calculada y almacenada. Por tanto, la solución iterativa es de  $\Theta(M)$ .

Siguiendo la argumentación de los dos puntos anteriores, fácilmente se puede observar que mientras que en la solución recursiva se necesitarán a lo sumo de M/2 sumas en la iterativa serán necesarias M-2.

**42.** ¿Qué técnica usarías para escribir un programa eficiente que calcule  $f(n) = n + \frac{2}{n} \sum_{i=1}^{n-1} f(i)$  siendo f(1)=1? Justifica brevemente de qué orden sería ese programa.

Øj:

Observado que la función esta definida mediante una ecuación recursiva y que el cálculo de ciertas sumas se reitera una y otra vez, la técnica de programación a emplear para obtener un programa eficiente sería la programación dinámica.

Aunque a primera vista parece suficiente con almacenar los valores intermedios f(i) ( $i \in [1,n]$ ) en una tabla, ello no evitaría el tener que calcular el sumatorio (y en consecuencia repetir muchas sumas) para cada nuevo valor de la función (en su rango correspondiente). Al no evitar recálculos de sumas, esta solución no se admitiría como programación dinámica.

No obstante, si tuviéramos una matriz bidimensional tal que:

Tabla F:

1	F(1)	F(I-1)	F(I)	F(n)
2	0	F(1)++F(I-1)	F(1)++F(I)	
	1	I-1	I	n

El relleno de la tabla se realizaría de izquierda a derecha de manera que en la iteración I bastaría con calcular:

```
Tabla_F(1)(I):= I+ 2/n Tabla_F(2)(I-1)
Tabla_F(2)(I):= Tabla_F(2)(I-1) + Tabla_F(1)(I)
```

Dichos cálculos requerirían tiempo constante. Puesto que habría que realizar n iteraciones, el cálculo de  $F(n) \in O(n)$ .

Obsérvese que en un nuevo refinamiento se podría evitar el tener una tabla bidimensional. Bastaría con dos variables, una para tener F(I) y la otra para tener F(1)+...+F(I) e irlas actualizando en cada iteración I. No obstante, el orden den tiempo de ejecución se mantendría, aunque el espacio extra de memoria empleado se reduciría ostensiblemente, hasta constate.

# **43.-** Sea A: array (1..n) of integer con n>0, y sea la función

```
function SUMA?(A(1..i)) return boolean is
--i>0
   if i=1 \( \lambda \)(1) \( \neq 0 \) then return false;
   elsif A(i) = suma(A(1..i-1)) then return true;
   else return SUMA?(A(1..i-1));

siendo
   function suma (A(1..k)) return integer is
        s:integer:=0;
   for j:=1 to k loop s:=s+A(j) end loop
   return s;
```

La evaluación de SUMA?(A(1..n)) devuelve un valor booleano que indica si alguno de los elementos del vector A(1..n) coincide con la suma de todos los elementos que le preceden. Analice la eficiencia de esta evaluación.

Utilice otra técnica para escribir un programa que resuelva el problema de un modo más eficiente. Analice la eficiencia de su propuesta.

Øn.

La función suma(A(1..i)) es, obviamente, de  $\Theta(i)$ . Por tanto, la función de coste de SUMA?(A(1..i)) viene determinada por la recurrencia siguiente:

En el peor caso, se comprueba A(i) = suma(A(1..i-1)) y se invoca recursivamente a SUMA?(A(1..i-1)).

$$t(n) = \begin{cases} a & n \le 1 \\ (n-1) + t(n-1) & n > 1 \end{cases}$$

Resolviéndola por expansión, se llega a una ecuación patrón  $f(n) = \sum_{i=1}^{k} (n-i) + t(n-k)$  que

```
cuando n-k=1 resulta resolver f(n) = \sum_{i=1}^{n-1} i + a; y por tanto f(n) = a + \frac{n(n-1)}{2} \in \Theta(n^2)
```

Para resolver el problema de modo más eficiente basta con dedicar una variable AUX:integer a registrar  $\sum_{i=1}^{k-1} a(i)$  para cada k pertinente.

```
end if;
end;
```

Este algoritmo es de  $\Theta(n)$  para i=n.

**44.-** Diseña y analiza un algoritmo que calcule la **clausura transitiva**  $\Re$  de una relación binaria R. Dada una relación binaria R,  $x\Re y \Leftrightarrow xRy \lor (\exists z. x\Re z \land z\Re y)$ 

Ø:

xRy puede representarse como un arco de un grafo dirigido. Esto significa que calcular la clausura transitiva equivale a determinar la existencia de un camino entre cada par de vértices de un grafo dirigido. Sea R la matriz de adyacencia de tal grafo:

$$R \times y = \begin{cases} rue & \text{si } xRy \\ false & \text{si } \neg (xRy) \end{cases}$$

Una recurrencia análoga a la del algoritmo de Floyd para el cálculo de caminos mínimos nos resuelve el problema.

Sea  $D_{ij}^k$  = true, si existe camino de i a j usando los nodos  $\{1,2,...,k\}$ ; y falso, si no.

Se satisface la recurrencia siguiente:

$$D_{ij}^{k} = D_{ij}^{k-1} \vee \left(D_{ik}^{k-1} \wedge D_{kj}^{k-1}\right) \quad \forall k > 1$$

$$D_{ij}^{1} = R_{ij}$$

Y deseamos calcular  $D_{ij}^n$  para cada i,j. Siguiendo el mismo estudio que el algoritmo de Floyd, podemos calcular  $D_{ij}^n$  con n iteraciones de proceso sobre la misma matriz D.

Este algoritmo, como el de Floyd, es de  $\Theta(n^3)$ .

**45.** Describe un algoritmo de **programación dinámica** para el problema de selección de actividades: Subconjunto de máxima cardinalidad de los intervalos [si,fi) 1 ≤ i ≤ n, y sin solapamientos dos a dos. Se basará en el cálculo **iterativo** de NUMi para i=1,2,..,n donde NUMi es el máximo número de actividades mutuamente compatibles del conjunto de actividades {1,2,..,i}. Supóngase que la entrada viene ordenada ascendentemente según los tiempos de finalización: f1 ≤ f2 ≤...≤ fn

**Compara** el tiempo que necesita este algoritmo frente al de la solución voraz: Selecciona el que antes termine y no se solape con los ya seleccionados.

Ø:

Definimos **NUM(i)** = el máximo número de actividades mutuamente compatibles del conjunto de actividades {1,2,..,i}, con la recurrencia siguiente:

$$NUM(0) = 0$$

$$NUM(i) = m\acute{a}ximo \{ NUM(i-1), NUM(j)+1 : f_i \le s_i \}$$

(el 1 sumado a NUM(j) representa a la actividad número i formando parte de la selección). Es evidente, con esta definición, que para toda actividad i≥1: NUM(i-1)≤NUM(i). Por tanto se satisface lo siguiente:

$$NUM(0) = 0$$

$$NUM(i) = maximo (NUM(i-1), NUM(k)+1) siendo f_k = max \{ f_j: f_j \le s_i \}$$

El cálculo de NUM(i) siguiendo esta definición sin ninguna optimización precisa determinar el valor k, cálculo que se podría efectuar dicotómicamente con un coste  $\Theta(\lg i)$  para cada i=1..n. Sin embargo, dicho cálculo es evitable, empleando espacio extra:

**F(i)** = hora de finalización mínima (la menos restrictiva) de la tareas que hacen máximo a Num(i).

$$\begin{split} [NUM(1),&F(1)] = [1,\,f_1] \\ [NUM(i),&F(i)] = [NUM(i-1)+1,\,f_1]) & \text{si } F(i-1) \leq s_i \\ &= [NUM(i-1),\,F(i-1)]) & \text{si } F(i-1) > s_i \end{split}$$

Esto permite un algoritmo simple de cálculo de NUM(n) en  $\Theta$ (n) y con MEE(n) en  $\Theta$ (n).

**46.** Tenemos *n* objetos de pesos p<sub>1</sub>,...,p<sub>n</sub> y valores v<sub>1</sub>,...,v<sub>n</sub> y una mochila de capacidad C. Escriba y analice un algoritmo que determine un subconjunto de objetos cuyo peso total no exceda la capacidad de la mochila y cuyo valor total sea maximal. Todas las cantidades C, v<sub>i</sub> y p<sub>i</sub> para i=1,...,n son números naturales.

(No interesan soluciones que empleen el esquema de Backtracking.)

ØĐ.

Obsérvese que las selecciones voraces siguientes no son correctas:

a) Seleccionar el objeto que menos pesa.

Contraejemplo: p<sub>1</sub>=1, v<sub>1</sub>=1 y p<sub>2</sub>=2, v<sub>2</sub>=2 y C=2.

(b) Seleccionar el objeto que más vale.

Contraejemplo: p<sub>1</sub>=2, v<sub>1</sub>=3 y p<sub>2</sub>=1, v<sub>2</sub>=2 y p<sub>3</sub>=1, v<sub>3</sub>=2 y C=2.

(c) Seleccionar el objeto con mayor proporción v<sub>i</sub>/p<sub>i</sub>.

Contraejemplo: p<sub>1</sub>=7, v<sub>1</sub>=8 y p<sub>2</sub>=5, v<sub>2</sub>=5 y p<sub>3</sub>=6, v<sub>3</sub>=6 y C=11.

El intento de especificar el beneficio máximo que buscamos como:

$$B(C) = \max [i:1..n] \{ v_i + B(C-p_i) / p_i \le C \}$$

no es adecuado ya que no se considera si B(C-p<sub>i</sub>) se conseguirá utilizando el objeto i.

Esto nos lleva a proponer la siguiente especificación

Sea TASA(C,k) el valor máximo que puede contener la mochila cuando sólo se pueden introducir en ella los objetos 1..k y sin exceder nunca la capacidad C.

Habrá que estudiar si el valor máximo para TASA(C, k) se consigue usando el objeto k o sin usarlo, y determinar los casos básicos:

```
TASA(0, k)=0

TASA(C, 0)=0

TASA(C, k)=0 si \forall(1\leqi\leqk). PESO(i)>C

TASA(C, k)= max { TASA(C, k-1), TASA(C-p<sub>k</sub>, k-1) + v<sub>k</sub> / p<sub>k</sub>\leqC }.
```

El valor deseado TASA(C, n) puede calcularse rellenando una matriz **tasa** (i:0..C, j:0..n) según la fórmula y en el orden siguiente: para cada j:0..n rellenar cada i:0..C.

Recogeremos en **objetos**(i, j) el objeto {j} si con él se consiguió el valor máximo para **tasa**(i, j) o bien {} en otro caso (Nótese que podría representarse con los valores booleanos **true** y **false** respectivamente) Necesitaremos, posteriormente, un algoritmo que recolecte los objetos seleccionados.

Sea OBJETOS(C, k) un subconjunto de objetos de 1..k que maximiza TASA(C, k)

El valor deseado OBJETOS(C, n) se calcula con la fórmula siguiente:

```
\begin{array}{ll} OBJETOS(C,0) &= \{ \} \\ OBJETOS(0,n) &= \{ \} \\ OBJETOS(C,k) &= OBJETOS(C,k-1) \ si \ \textbf{objetos}(C,n) = \{ \} \\ &= \{ n \} \ U \ OBJETOS(C-p_n,n-1) \ si \ p_n \leq C \ y \ \textbf{objetos}(C,n) = \{ n \} \end{array}
```

Por todo ello es fácil comprobar que el cálculo de OBJETOS(C, n) es de O(n) y el de TASA(C, n) es de O(Cn) y por tanto este último sería el orden de nuestro algoritmo. Asimismo, es obvio que el espacio extra utilizado es de O(Cn).

47. Dadas n clases de monedas  $v_1, v_2, ..., v_n$  y sabiendo que de cada clase se disponen de tantas monedas como se precisen, escríbase un algoritmo que determine cuantas combinaciones **distintas** de monedas hay para devolver una cierta cantidad C.

```
Ej.: Si las clases de monedas fueran: v_1= 25 , v_2 = 50, v_3=75 y v_4 =100
```

Cantidad	Combinaciones distintas
100	5 formas: 25+75, 2 *50, 100, 4*25, 50+ 2 *25
116	0, no hay ninguna combinación

Observación: La combinación 25+75 es la misma que 75+25 y por ello es una única combinación a considerar.

Ø:

Utilizaremos la técnica de programación dinámica. Planteamos la recurrencia siguiente para resolver el problema.

Sea COMB(C, k) el número de combinaciones distintas de monedas  $\{v_1, v_2, ..., v_k\}$  para sumar C.

-Para C>0 y k>0:

$$COMB(C, k) = COMB(C, k-1) + COMB(C-v_k, k-1) + .... + COMB(C-\lfloor C/v_k \rfloor v_k, k-1)$$

-Para C=0 y  $k \ge 0$ 

COMB(0, k) = 1 --La combinación es dar cero monedas de cada clase.

-Para C>0 y k=0

COMB(C, 0) = 0 --Si no hay monedas no hay forma de sumar algo mayor que cero.

Pero otra recurrencia posible es la siguiente

 $COMB(C, k) = COMB(C, k-1) + COMB(C-v_k, k)$  dejando la definición de los casos básicos como ejercicio para el lector. El valor que deseamos calcular es COMB(C, n). Para ello, rellenaremos una tabla indexada por 1..C y  $\{v_1, v_2, ..., v_k\}$  siguiendo la fórmula de esta segunda recurrencia. Necesitamos rellenar  $C^*n$  casillas y cada casilla podemos calcularla en tiempo constante. Por tanto el orden es  $O(C^*n)$ .

Analiza el algoritmo que resulta de utilizar la primera recurrencia tal cual está descrita.

**48.** Una *subsecuencia* de una secuencia S se obtiene retirando de S cualquier número de elementos de cualesquiera posiciones. Por ejemplo: acxb es una subsecuencia de bbacabxxb.

La función recursiva f siguiente define (por casos) una subsecuencia común de longitud maximal de dos secuencias:

```
f(R, \varepsilon) = \varepsilon

f(\varepsilon, S) = \varepsilon

f(a \cdot R, a \cdot S) = a \cdot f(R, S)

f(a \cdot R, b \cdot S) = la de mayor longitud entre <math>f(R, b \cdot S) y f(a \cdot R, S), (a \neq b)
```

# Por ejemplo:

```
f(promotor, prometedor)=promtor,
f(aturdido, tranquilo)= trio,
f(si, no)= \varepsilon.
```

Diseña un algoritmo, utilizando la técnica de programación dinámica (sin usar funciones con memoria), que calcule la longitud de la subsecuencia f(R, S). ¿De qué orden es el tiempo y espacio empleado por tu solución?

Ø:

Como toda solución que deba ser implementada con la técnica de la "programación dinámica" daremos:

- ecuación recursiva que resuelve el problema,
- tabla o matriz que se necesitará para almacenar las soluciones intermedias,
- algoritmo,
- orden tanto espacial como temporal requerido por la solución calculada.

```
(1) llcs(R, \varepsilon)=0

llcs(\varepsilon, S)=0

llcs(a \cdot R, a \cdot S)=1+llcs(R, S)

llcs(a \cdot R, b \cdot S)=max \{ llcs(R, b \cdot S), llcs(a \cdot R, S) \} si (a \neq b)
```

(2) Necesitamos una matriz n x m tal que n=R'Length y m= S'Length

TAB\_llcs

	ε	R(n)	R(n-1n)	j°: R(n-j+1n)	R(1n)
3	0	0	0		0
S(m)	0				
S(m-1m)	0				
i°: S(m-i+1m)				3	
S(1m)	0				

```
TAB_llcs(i,j)
```

= ③ = longitud de la subsecuencia común de mayor longitud de R(n-j+1..n) y S(m-i+1..m); es decir, los últimos j elementos de R y los últimos i elementos de S.

Primero, hay que inicializar a 0 las casillas de la fila 0 y la columna 0. Luego, la forma de rellenar la tabla es de arriba hacia abajo y de izquierda a derecha con los. La definición recursiva se recoge en la tabla de la forma siguiente:

```
\begin{split} TAB\_llcs(i,j) &= 1 + TAB\_llcs(i-1, j-1) & \text{si } R(n-j+1) = S(m-i+1) \\ &= \max \; \{ \; TAB\_llcs(i-1, j) \; , \; TAB\_llcs(i, j-1) \; \} & \text{si } R(j) \neq S(i) \end{split}
```

La solución a devolver es la cantidad que se obtenga en TAB llcs(m,n).

(3) Suponemos que las secuencias son S(1..m) y R(1..n). Puesto que se pide una solución iterativa:

```
function LONG_LCS (S,R: in Vector) return Integer is
   m :S'Length;   n: R'Length;
   TAB_llcs: array (0..m,0..n);
begin
   for I in 0..m loop TAB_llcs(I,0):= 0; end loop;
   for J in 0..n loop TAB_llcs(0,J):= 0; end loop;
   for I in 1..m loop
        for J in 1..n loop
        if S(m-I+1) = R(n-J+1)
             then TAB_llcs(I,J):= 1+ TAB_llcs(I-1,J-1);
        else TAB_llcs(I,J):= MAX( TAB_llcs(I-1,J-1);
        end if;
        end loop;
   end LONG LCS;
```

- (4) Suponemos que las secuencias son S(1..m) y R(1..n).
  - Orden temporal:  $T(m,n) \in \Theta(m+n+mn) = \Theta(mn)$
  - Orden espacial:  $MEE(m,n) \in \Theta(mn)$  debida a la matriz empleada para almacenar los resultados intermedios.

**49.** Sea G=(V,A) un grafo orientado con pesos no negativos en los arcos y | V | = n . Sea L la matriz de adyacencia que lo representa. Queremos calcular la distancia mínima entre cada par de vértices i,j ∈ V, usando la siguiente fórmula:

 $D_{ii}^p$  = distancia mínima de i a j cuando podemos dar, a lo sumo, p pasos.

Tenemos los valores básicos  $D_{ij}^1 = L_{ij}$  y para todos los i y j buscamos  $D_{ij}^{n-1}$  sabiendo que  $D_{ij}^p$  se define recursivamente:  $D_{ij}^p = \min_{\mathbf{k} \text{ adyacente a i}} \left\{ D_{ij}^{p-1}, L_{ik} + D_{kj}^{p-1} \right\}$ 

Resuelve el problema expuesto empleando la técnica de la programación dinámica (sin funciones con memoria), la cual deberá recoger la definición recursiva arriba expuesta; es decir, se pide:

- (a) determinar la estructura de almacenamiento de las soluciones parciales que se va a emplear: vector o matriz, cada posición de la estructura qué recoge o representa, cuál es la inicialización de la estructura, cómo se irá rellenando, dónde está la solución.
- (b) algoritmo iterativo que calcula la definición recursiva sobre la estructura escogida y descrita en el apartado (a).
- (c) análisis del orden del coste temporal y espacial: O(T(n)) y O(MEE(n)).

Øj:

- (a) Para calcular la fórmula del enunciado de forma directa son necesarias dos matrices nxn, D y D\_aux, puesto que una vez calculada la componente (i,j) en el paso p-ésimo (es decir,  $D_{ij}^p$ ) todavía se podría necesitar  $D_{ij}^{p-1}$  para calcular otra componente (h,j) del paso p-ésimo (es decir,  $D_{hj}^p$ ) si resulta que i es adyacente a h ya que  $D_{hj}^p = \min \left\{ D_{hj}^{p-1}, ..., L_{hi} + D_{ij}^{p-1}, ... \right\}$  Así pues, mientras que en la iteración p las distancias mínimas dando a lo sumo (p-1) pasos estarán almacenadas en la matriz D, en la otra se irán almacenando las distancias mínimas dando a lo sumo p pasos. Una vez, que todas las distancias mínimas con a lo sumo p paso se hayan calculado, estas se copiarán a la matriz D. Inicialmente la matriz D se iniciará con los valores de L, ya que  $D_{ij}^1 = L_{ij}$ . El valor de las celdas de la matriz D\_aux se pueden calcular de izquierda a derecha y de arriba a bajo. De esta forma, fijados un p, un i y un j tras operar  $D(i,j) = D_{ij}^{p-1}$  y  $D_aux(i,j) = \min_{k \text{ adyacente i}} \left\{ D_{ij}^{p-1}, L_{ik} + D_{kj}^{p-1} \right\}$ .
- **(b)** El siguiente algoritmo calcula las distancias mínimas entre pares de vértices tal y como lo indica el enunciado y empleando/rellenando las matrices descritas en el apartado anterior es el siguiente.

```
procedure Dist_Minimas (L: in MAT_REAL; D: out MAT_REAL) is
   Aux: FLOAT;
   D_aux: MAT_REAL;
```

```
begin
  D:=L;
  for p in D'RANGE(1)
        for i in D'RANGE(1)
              for
                   j in D'RANGE(1)
                                       loop
                    Aux:=D(i,j);
                    para k adyacente desde i hacer
                          Aux:= min(Aux, L(i,k)+D(k,j);
                    fin para;
                    D aux(i,j) := Aux;
              end loop;
        end loop;
        D:=D aux;
  end loop;
end;
```

- (c) Es obvio que el algoritmo es de  $O(n^4)$ . Por otro lado, y ya que el algoritmo ha necesitado de la matriz auxiliar D\_aux para calcular resultados intermedios, el orden de memoria extra consumida es cuadrático en n, esto es,  $O(MEE(n^2))$ .
- **50.-** Sea el siguiente programa, con X e Y números positivos:

```
function PRINCIPAL (Num: positive) return real is
  Tabla: array (integer range 1.. Num)
                                 of real:= (1=>X; 2=>Y; others=>0);
  function AUX (Num: natural) return real is
  begin
        if Tabla (Num-1)=0
        then Tabla(Num-1):= AUX(Num-1);
        end if;
        if Tabla (Num-2) = 0
        then Tabla(Num-2):= AUX(Num-2);
        end if;
        Tabla(Num):= (Tabla(Num-1)+Tabla(Num-2)) / 2
  end AUX:
begin
  if Num≤2 then return Tabla(Num);
  else return AUX(Num);
  end if;
end PRINCIPAL;
```

- (a) Define la función que calcula PRINCIPAL(n).
- (b) Indica qué técnica se ha usado en el diseño del programa anterior.
- (c) Analiza el tiempo de ejecución de PRINCIPAL(n).
- (d) ¿Usarías este algoritmo si como datos de entrada tuviéramos X=1 e Y=1? ¿Por qué?

$$PRINCIPAL(n) = \begin{cases} X & si \ n = \\ Y & si \ n = \\ PRINCIPAL(n-1) + PRINCIPAL(n-2) & si \ n > \\ Y & Si \ n = \\ Y$$

(b) La técnica empleada es programación dinámica con funciones con memoria. Tabla es estructura de memoria donde se acumulan los resultados parciales a partir de los cuales se general resultado de subproblemas de tamaño mayor.

- (c) Claramente se distinguen los siguientes bloques de operaciones con sus respectivos órdenes:
  - La inicialización de las n posiciones de Tabla requiere  $\Theta(n)$ .
  - Las posiciones [3..n] se rellenan una vez más. Para calcular el valor a asignar a una de esas posiciones (i) hay que acceder a las dos posiciones anteriores (i-2) e (i-1)), hacer una suma y una división y luego asignar el valor resultante en la posición (i). Todo ello requiere tiempo constante. Pero como se realiza (n-2) veces, estas operaciones necesitan también en total Θ(n).
  - La devolución necesita tiempo constante.

Aplicando la regla de la suma el algoritmo es  $\Theta(n)$ .

- (d) No. Ya que en ese caso calcula PRINCIPAL(n) es la función constante 1( i.e. bastaría con para cualquier entrada n positiva devolver 1), para lo cual es suficiente con  $\Theta(1)$ .
- **51.** Escribe un programa que decida si un natural dado N es producto de tres naturales consecutivos y cuyo orden temporal sea **o**(n). Calcula su orden temporal.

**Ø**:

Nos piden determinar si existe cierto natural Y, que verifique Y \* (Y+1) \* (Y+2) =N siguiendo una técnica dicotómica. De la ecuación anterior se desprende que en caso de que exista, Y  $\in$  [0..N].

La estrategia del programa anterior es claramente dicotómica puesto que el intervalo de búsqueda del natural Y se reduce en cada llamada recursiva a un intervalo de tamaño mitad. Además, ya que para cada intervalo el número de operaciones a realizar requieren tiempo constante, el orden de la solución expuesta aquí es  $O(\lg N) \subseteq o(N)$ .

**52.** Es conocido que la versión clásica del algoritmo QuickSort(T(1..n)) es de  $\Theta(n^2)$  en el caso peor. Usando los siguientes algoritmos, ambos de  $\Theta(n)$  en el caso peor: Mediana(T(1..n), M) que calcula la mediana M del vector de enteros T(1..n) y Clasificar(T(1..n), P) que permuta los elementos de T(1..n) de manera que, al final:

```
si T(i) < P y T(j) = P entonces i < j
```

```
si T(j)=P y T(k)>P entonces j < k
```

escribe y analiza otra versión de QuickSort(T(1..n)) cuya complejidad temporal sea  $o(n^2)$  en el caso peor.

En el peor caso (1)+(2)+(3)+(4) es de  $\Theta(n)$  y la función temporal de QuickSort\_mediana (T(1..n)) responde a la recurrencia siguiente  $f(n) = 2f(n/2) + \Theta(n)$  que pertenece a  $\Theta(n)$  lg n).

**53.** El algoritmo de Floyd calcula la distancia mínima entre cada par de nodos de un grafo orientado con pesos no negativos asociados a los arcos. Modificalo para que además calcule el número de caminos con distancia mínima que hay entre cada par de nodos.

**Ø**1:

La recurrencia definida por Floyd es:  $C_{i,j}^k = min \left\{ c_{i,j}^{k-1}, C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1} \right\}$  la cual indica:

- $C_{i,j}^k = min \left\{ c_{i,j}^{k-1}, C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1} \right\}$  el coste más barato para ir de i a j atravesando a lo sumo los vértices [1..k]
- $C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1}$  indica el coste de ir i a j atravesando k.

Al igual que se calcula en la matriz C los costes, podemos emplear otra matriz N (con las mismas dimensiones) para determinar el nº de caminos con distancias mínimas que hay entre cada par de nodos. LA misma habrá que actualizarla de la siguiente forma:

- Hay que iniciar N correctamente. Primeramente, sólo se puede ir de i a j si hay arco entre i y j. Esto es, si  $C_{i,j}^0 < \infty$  y en este caso el camino es único (suponemos que la no existencia de arco está señalizado con peso  $\infty$ ).
- $\begin{array}{lll} \bullet & \text{Si } C_{i,j}^{k-1} = C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1} \ y \ (i \neq k \ y \ k \neq j) \\ & \text{entonces } C_{i,j}^{k} = C_{i,j}^{k-1} \ y \ N_{i,j}^{k} = N_{i,j}^{k-1} + N_{i,k}^{k-1} * N_{k,j}^{k-1} \,. \end{array}$
- Si  $C_{i,j}^{k-1} > C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1}$  entonces  $C_{i,j}^{k} = C_{i,k}^{k-1} + C_{k,j}^{k-1}$  y  $N_{i,j}^{k} = N_{i,k}^{k-1} * N_{k,j}^{k-1}$ .

 $\bullet \quad \text{ Si } C_{i,j}^{k\text{-}1} < C_{i,k}^{k\text{-}1} + C_{k,j}^{k\text{-}1} \text{ entonces } C_{i,j}^{k} = C_{i,j}^{k\text{-}1} \ \, \text{y } N_{i,j}^{k} = N_{i,j}^{k\text{-}1} \, .$ 

Esto significa que el algoritmo de Floyd retocado sería:

```
procedure FloydRetocado
                           (Dist: in MAT REAL; C: in out MAT REAL;
                                 N: in out MAT REAL) is
begin
  C:= Dist;
  Iniciar_A_Ceros Y Unos(C, N);
  for K in D'RANGE(1) loop
        for I in D'RANGE(1)
                                loop
              for
                   J in D'RANGE(1)
                    if C(i,j) = C(i,k)+C(k,j)
                    then N(i,j) := N(i,j) + N(i,k)*N(k,j);
                    elsif C(i,j) > C(i,k)+C(k,j)
                    then C(i,j) := C(i,k) + C(k,j);
                                N(i,j) := N(i,k) *N(k,j);
                    end if;
              end loop;
        end loop;
  end loop;
end;
```

**54.** Imagina un robot situado sobre unos raíles sin fin, con posibilidad de movimiento de un paso a derecha o izquierda con *actualizar(situacion, sentido)* y con posibilidad de advertir la presencia de un objeto buscado con *esta\_en(situacion)*. El siguiente algoritmo mueve "pendularmente" al robot en busca del objeto citado, partiendo del origen 0.

```
limite:= 1
sentido:= derecha
loop
  situacion:= 0
  while situacion<limite loop
        actualizar(situacion, sentido)
        if esta_en(situacion)
        then return (situacion, sentido)
        end if
  end loop
  sentido:= cambiar(sentido)
  for i in 1..limite loop
        actualizar(situacion, sentido)
  end loop
  limite:= 2*limite
end loop
```

Sabiendo que el objeto será encontrado, analiza el número de veces que se realizará la operación actualizar(situacion, sentido) en función de la distancia del objeto al origen.

**Ø**:

Los bucles (1) y (2) son, respectivamente, de ida y vuelta. Sumados, realizan 2\*limite veces la operación.

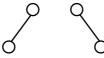
Supongamos que la distancia al origen es d siendo  $2^{k-1} < d \le 2^k$ . Entonces, en el peor caso, el número de veces que se realiza la operación es el siguiente (obsérvese que al principio limite=1)

 $2 + 2*2 + 2*2^2 + \dots + 2*2^{k-1} + 2^k = 2*(2^k - 1) + 2^k = 3*2^k - 2$ 

Siendo  $d = 2^k$  tenemos el número de realizaciones de la operación es  $\Theta(d)$ .

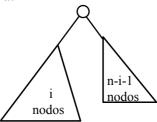
**55.-** ¿Cuántos árboles binarios distintos se pueden formar con n nodos? Sea C(n) ese número.

Sabemos que C(0)=1 -el árbol vacío-, C(1)=1 -un árbol con sólo raíz- y C(2)=2 los árboles:



Puedes dibujar los árboles para calcular C(3) y C(4).

(a) Encuentra una definición recursiva para calcular C(n) considerando el siguiente diagrama:



Puedes comprobarla con tus dibujos para n=3,4.

(b) Escribe el algoritmo que calcule C(n) siguiendo tu recurrencia con la técnica de *Programación Dinámica* e indica su complejidad.

**Ø**:

(a) Obsérvese que por cada árbol binario que podamos formar con i nodos tenemos C(n-i-1) posibilidades en la parte derecha. Por tanto tenemos:

```
C(0) = 1
C(1) = 1
C(n) = \sum_{i=0}^{n-1} (C(i) * C(n - i - 1)) \quad \text{si } n \ge 2
```

(b) En esta ocasión hemos optado por la programación dinámica iterativa:

```
end N ARBIN;
```

Obs: Se podría incluso haber evitado el uso de la variable auxiliar Suma lo cual requeriría acumular directamente sobre C(K) y hacer sucesivos accesos y asignaciones a posiciones de la tabla C.

La complejidad de la solución viene determinada por el sumatorio

$$T(n) = \sum_{K=2}^{n} \sum_{i=0}^{k-1} 1 = \sum_{K=2}^{n} K \in \Theta(n^{2})$$

Y el espacio extra de memoria consumido lo determina la tabla C empleada, i.e.,  $\Theta(n)$ .

56. Escribe la recurrencia que sirve de fundamento para la aplicación de la técnica de programación dinámica al problema de minimización del número de productos escalares en la multiplicación de una serie de matrices A<sub>1</sub>A<sub>2</sub>...A<sub>n</sub>.
El algoritmo que resuelve este problema calcula una tabla factor(1..n,1..n) tal que factor(i,j)=k si la factorización óptima es (A<sub>i</sub>...A<sub>k</sub>)(A<sub>k+1</sub>...A<sub>j</sub>). Escribe y analiza un

factor(i,j)=k si la factorización óptima es  $(A_i...A_k)(A_{k+1}...A_j)$ . Escribe y analiza un algoritmo que, a partir de factor(1..n,1..n), imprima la parentización óptima del producto  $A_1A_2...A_n$ .

**&**1:

```
\begin{split} M(i,j) &= \text{m\'inimo}\left[i \leq k \leq j-1\right] \left\{ M(i,k) + M(k+1,j) + d_{i-1} \ d_k \ d_j \ \right\} \ \text{para} \ 1 \leq i < j \leq n \\ M(i,i) &= 0 \\ \text{siendo} \ d_{i-1} \ d_i \ \text{la dimensi\'on la matriz} \ A_i. \end{split}
```

```
proc IMPRIME_PARENTESIS (i, j)
if i<j then
   Imprime("(")
   IMPRIME_PARENTESIS (i, factor(i,j))
   Imprime("*")
   IMPRIME_PARENTESIS (factor(i,j)+1, j)
   IMPRIME_PARENTESIS (factor(i,j)+1, j)
   Imprime(")")
else --i=j
   Imprime("A<sub>i</sub>")
```

Es un recorrido en inorden del árbol binario de análisis de la expresión parentizada. Por tanto es lineal en el número de nodos de ese árbol que es  $\Theta(n)$ .

**57.** Di de qué orden es la siguiente recurrencia:

$$T(n) = \begin{cases} 1 & n \le 4 \\ T\left(\frac{n}{4}\right) + \sqrt{n} + 1 & n > 4 \end{cases}$$

Ø:

Se opta por resolver una simplificación de la ecuación propuesta  $T(n) = \begin{cases} 1 & n \leq 4 \\ T\left(\frac{n}{4}\right) + \sqrt{n} & n > 4 \end{cases}$ , puesto que en cuanto a orden son equivalentes:

$$\begin{split} T(n) &= T(n/4) + \sqrt{n} \\ &= T(n/4^2) + \sqrt{\frac{n}{4}} + \sqrt{n} \\ &= T(n/4^3) + \sqrt{\frac{n}{4^2}} + \sqrt{\frac{n}{4}} + \sqrt{n} \\ &= ... = T(n/4^i) + \sqrt{\frac{n}{4^{i-1}}} + ... + \sqrt{\frac{n}{4^2}} + \sqrt{\frac{n}{4}} + \sqrt{n} \\ &= T(n/4^i) + \sqrt{n} + \sqrt{n} \sum_{k=1}^{i-1} \frac{1}{\sqrt{4^k}} = T(n/4^i) + \sqrt{n} + \sqrt{n} \sum_{k=1}^{i-1} \frac{1}{2^k} \\ &\bullet n = 4^i; \ \sqrt{n} = 2^i; \ \lg \sqrt{n} = i \\ &= 1 + \sqrt{n} + \sqrt{n} \left(1 - \frac{2}{\sqrt{n}}\right) = 1 + 2\sqrt{n} - 2 \in \Theta(\sqrt{n}) \end{split}$$

**58.** Es conocido que  $O(n) \subset O(n * \lg n) \subset O(n * \sqrt{n}) \subset O(n^2) \subset O(n^3)$ . Clasifica O(T(n)) en esa cadena de inclusiones siendo:

$$T(n) = \begin{cases} 1 & n \le 1 \\ 4 * T\left(\frac{n}{3}\right) + n & n > 1 \end{cases}$$

Tal vez te resulte útil saber que: log3 4 = 1.26184

- puesto que todos los logaritmos son del mismo orden, tomaremos logaritmos en base 3
- $n=3^{i}$ ; lg3 n = i; =  $4^{i} + 3n \frac{4^{i}}{3^{i}} - 3n = 4^{lg}3^{n} + 34^{lg}3^{n} - 3n$ =  $4 n^{lg}3^{4} - 3n = 4 n^{1.26184} - 3 n \in \Theta(n^{1.26})$

En lo referente a la clasificación del resultado, es sabido que:

$$O(n*\sqrt{n}) = O(n^{1.5})$$

$$O(n*lgn) \subset O(n^{1+a}) \qquad \forall a > 0$$

Luego,  $O(n*lgn) \subset O(n^{1.26}) \subset O(n*\sqrt{n})$ 

**59.** Escribe un algoritmo que dados un vector de n enteros y un entero X, determine si existen en el vector dos números cuya suma sea X. El tiempo de tu algoritmo debe ser de O(n\*lgn). Analiza tu algoritmo y demuestra que es así.

ø:

Se propone el siguiente algoritmo:

```
function buscarYZ (Val: in Tabla(1..N); X: in Integer) return
Integer is
  Y, Z: Integer; Hallado:boolean;
  Valor: Tabla(1..N);
begin
  MergeSort (Val, Valor);
  for Ind in 1..N-1 loop
         Y:=Valor(Ind);
         Z := X - Y;
         BUSQUEDA_DICOTOMICA(Valor(Ind+1..N, Z, Pos);
         if Valor First <= Pos and Pos <= Valor Last</pre>
         then return Pos; --naturalmente la pareja es (Ind, Pos)
         end if;
  end loop;
                       -- suponiendo que 0 no sea índice válido de Val, o bien
  return 0;
                       -- podría devolverse Val'First-1
end;
```

Análisis del orden del algoritmo:

- 1. La ordenación de n enteros mediante el MergeSort es  $\Theta(n \lg n)$
- 2. Se repetirá a lo sumo *n* veces un bucle cuyo coste temporal es:
  - Dos asignaciones + sentencia if requieren O(1)
  - La búsqueda dicotómica es logarítmica en el número de elementos: O(lg i) (y concretamente ∀i(i≤n→ O(lg i) ⊆ O(lg n))

Luego, el bucle es O(n lgn)

Así pues, y aplicando la regla de la suma, la solución propuesta tiene orden: Θ(n lgn)

**60.** El **cuadrado** de un grafo dirigido G = (V, A) es el grafo  $G^2 = (V, B)$  tal que  $(u, w) \in B$  si y sólo si para algún  $v \in V$  tenemos que  $(u, v) \in A$  y  $(v, w) \in A$ . Es decir,  $G^2$  tiene un arco de u a w cuando G tiene un camino de longitud (exactamente) 2 de u a w. Describe algoritmos eficientes que calculen  $G^2$  a partir de G para las dos representaciones conocidas: matriz de adyacencia y lista de adyacencias. Analiza el tiempo de tus algoritmos.

#### **L**ı:

Podemos usar la misma idea con cualquiera de las dos representaciones. Llamemos V al conjunto de adyacentes de u y W al conjunto de los adyacentes de los nodos de V. El conjunto W son los adyacentes de u en el nuevo grafo  $G^2$ .

### • matriz de adyacencia

El enunciado no indica nada si el grafo es pesado o no, ni si la matriz de adyacencia es de booleanos o numérica, ni si tiene ciclos de longitud 1 o no. Las siguientes suposiciones no restringen generalidad alguna de la solución:

- 1. Supondremos que la matriz de adyacencia es booleana, tal que si el vértice v es adyacente de u entonces G(u,v)=True, y False en caso contrario.
- 2. Supondremos que no hay ciclos de longitud 1; es decir, para cualquier vértice u del grafo G(u,u)=False.

## Algoritmo propuesto:

## Análisis del orden:

Es evidente que el orden es cúbico en el número de vértices de G, que es el mismo que el de G2.

#### • lista de adyacencias

### Algoritmo propuesto:

Análisis del orden: G tiene n vértices y a arcos.

Bucle de inicialización: O(n), ya que la creación de una lista vacía precisa de tiempo constante

Primer bucle: En el caso peor para cada nodo u de G tenemos (n-1) vértices adyacentes.

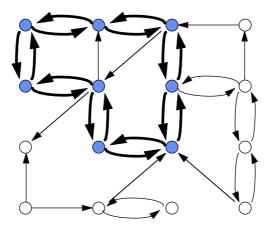
- suponemos que se puede hacer en tiempo constante *a* el acceso a los adyacentes a un vértice y la concatenación de dos listas. Ref. (1) en el programa
- hay que eliminar vértices repetidos. Puede haber n vértices distintos a lo sumo, y en cada iteración del while, sólo puede tener dicha lista longitud 2n. Sabiendo esto, se puede eliminar las repeticiones en tiempo O(n), usando un vector ESTA de tamaño n donde registramos lo siguiente:

ESTA(i)= true  $\Leftrightarrow$  el nodo i está en la lista actual de adyacentes de u en G2. Ref. (2) del programa

Luego, el primer bucle requiere:  $O(n * n * (a + bn)) = O(n^3)$ 

Concluimos pues que el orden de dicha solución es O(n<sup>3</sup>) en el peor caso.

**61.** Dado un grafo dirigido, llamamos **anillo** a una serie de tres o más nodos conectados en forma de ciclo en los dos sentidos. Por ejemplo, en el grafo dirigido de la figura



se ha destacado el único anillo que contiene. Inspirándote en el método del recorrido en profundidad, diseña y analiza un algoritmo eficiente que indique si un grafo dirigido contiene o no al menos un anillo.

#### **Ø**D:

### Observaciones:

- Nos interesa que el grafo venga dado mediante matriz de adyacencia para determinar en tiempo constante si existe doble-arco entre dos vértices (esto es, dos arcos en direcciones opuestas)
- Nos basamos en el recorrido en profundidad. Es preciso controlar:
  - si un vértice ha sido ya visitado o no (para ello se empleará una tabla que llamaremos Marca)
  - estando en un vértice ya visitado, desde dónde habíamos llegado hasta él (para ello se empleará una tabla que llamaremos Padre), con vistas a avanzar en profundidad

y no ciclar en el recorrido entre dos vértices conectados mediante un doble-arco. Hay que evitar esto por varios motivos:

- (a) por riesgo a ciclar indefinidamente en entre dos vértices:  $v \rightarrow w \rightarrow v \rightarrow w \dots$
- (b) por riesgo a concluir que existe anillo, cuando realmente sólo se ha comprobado:  $v \leftrightarrow w$

## Adaptación del recorrido en profundidad sobre grafos:

```
procedimiento EXISTE ANILLO (G: Grafo; Hay anillo: Boolean)
  Marca, Padre: array (RANGO(G));
  procedimiento Marcar Prof (v: Vértice)
  empezar
    Marca(v):= Cierto;
    para cada w \in ADYACENTES A(v) hacer -- equivale a que existe v \rightarrow w
        si v ES ADYACENTE A w;
                                               -- equivale a "existe?" v \leftarrow w
        entonces
               si Marca(w) = Falso entonces
                    Padre(w):=v; MARCAR PROF(w);
               sino -- w está marcado
                     si Padre(v)≠w -- ¡HAY ANILLO!
                     entonces Hay Anillo:= Cierto; Salir;
               fin si:
        fin si:
    fin para;
  fin procedimiento;
empezar
                                         - - aún no se ha encontrado ningún anillo
        Hay Anillo:=Falso;
        para cada v ∈ VÉRTICES(G) hacer
               Marca(v):= Falso; Padre(v):= "*"
        fin para;
        para cada v ∈ VÉRTICES(G) hacer
               si Hay_Anillo
               entonces Salir;
               sino si Marca(v) = Falso; entonces MARCAR PROF(v);
         fin para;
fin procedimiento;
```

### Análisis del coste temporal de la solución propuesta:

- Suponemos que el grafo tiene *n* vértices y *a* arcos.
- En el caso peor se tratan todos los vértices y todos los arcos. Cada fila de la matriz de adyacencia sólo se recorre una vez y tan sólo a veces habrá que efectuar algún tratamiento de O(1) (el tratamiento recursivo es una forma de controlar las operaciones, pero no modifica el número de las mismas).

Así pues, el orden de la solución propuesta es  $O(n^2)$ .

- **62.** Recuerda que Fib(0) = 0, Fib(1) = 1 y Fib(n) = Fib(n-1) + Fib(n-2) para  $n \ge 2$ .
  - 1. Supón que el coste de sumar, restar y multiplicar dos números es O(1), independientemente del tamaño de los números.

Escribe y analiza un algoritmo que calcule Fib(n) en tiempo O(n).

2. Escribe y analiza otro algoritmo que calcule Fib(n) en tiempo O(lgn) usando suma y multiplicación.

(Ayuda: Considera la siguiente matriz y sus potencias:  $\begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \text{fib } 0 & 1 \\ \text{fib}_1 & 1 \end{pmatrix}$ )

3. Supón ahora que para sumar dos números de  $\beta$  bits se necesita un tiempo en  $O(\beta)$  y que para multiplicarlos necesitamos tiempo en  $O(\beta^2)$ .

Analiza tu algoritmo del apartado (4.1) tomando el número de bits como tamaño de la entrada y considerando el correspondiente coste de las operaciones aritméticas.

```
Recuerda que Fib(n) \approx \left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^n.
```

La solución propuesta es evidentemente lineal en el valor de la entrada, n: O(n)

62.2) Proponemos una solución sencilla basada en cálculo de operaciones (sin repetición) de las potencias de una cierta base, la cual, en este caso, es la matriz sugerida:

```
function Fibonacci62.2 (N: in Integer) return Integer is
  Sol, M: MatCuadra2:= \begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix}
                               (F: in MatCuadra; Y: in Exponente)
  function potenciaFib
                               return MatCuadra is
         Aux: MatCuadra;
  begin
         if Y=1 then return F;
         else Aux:= potenciaFib (F, Y div 2);
                Aux:= Producto_MatCuadrada(Aux, Aux);
                 if Impar(Y)
                 then return Producto MatCuadrada (Aux, M);
                 else return Aux;
                 end if;
         end if:
  end;
begin
   if N=0 then return 0;
  else Sol:= PotenciaMat\begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix}, N);
         return Sol(2,1);
  end if;
end;
```

Análisis del orden temporal:

```
\begin{split} &T_{potencia}\left(y\right) \!\!=\! a \!\!+\! T_{potencia}\!\left(y/2\right) \in \, O(\lg\,y\,\,) \\ &T_{fib}\left(n\right) \!\!=\! a \!\!+\! T_{potencia}\!\left(n\right) \in \, O(\lg\,n\,\,) \end{split}
```

62.3) Sabemos que:

• Fib(n)  $\approx \left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^n$ . Si A es un número:  $\lceil \lg_2 A \rceil$  es el número de bits del valor A y  $\lceil \log A \rceil$  es el número de dígitos de A. Luego, Fib(n) tiene  $\lceil \lg_2 \left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^n \rceil$  bits, esto es, n  $\lceil \lg_2 \left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right) \rceil$  bits o en notación asintótica O(n).

Entonces, en el algoritmo de 62.1, al sumar los **valores** Fib(i) i=0..n, el orden con respecto al número de bits de los valores responde a la suma

$$1+2+...+i+...n \in O(n^2)$$
.

Observa que si el tamaño en número de bits de una entrada es  $\beta$  entonces su **valor** es de  $O(2^B)$ .

De modo que si el **valor** de la entrada (que es n) tiene tamaño  $\beta$ , el orden -en función de ese tamaño- es

$$O(2^B *2^B) = O(4^B).$$

63. Dada una cantidad M ¿cuál es el máximo número X, con X≤M, que podemos calcular a partir de una cantidad inicial C y aplicando repetidamente las operaciones \*2, \*3, \*5? Emplea la técnica de la programación dinámica para determinar dicho número X y analiza el orden del algoritmo propuesto.

**#**1:

Para darle solución un problema con la técnica de la programación dinámica los pasos a seguir son siempre:

- a) Definición de la ecuación de recurrencia que da solución al problema
- b) Definición de la estructura que almacenará las soluciones intermedias. Determinar claramente qué almacena cada posición de la estructura, cómo se inicializará, en qué orden ha de completarse y como a partir de ella se obtiene el resultado del problema original
- c) Algoritmo recursivo o iterativo que implementa lo expresado por la ecuación del punto 1, recogiendo los resultado parciales sobre la estructura definida en 2 y evitando a toda costa repetir cálculos realizados con anterioridad.
- d) Análisis del orden de la solución propuesta.

Una solución posible a nuestro problema es la siguiente es:

a) Supongamos V,L≥0 y L≥V tanteo(V,L)

```
= \max \left\{ tanteo(2*V,L), tanteo(3*V,L), tanteo(5*V,L) \right\} \qquad \text{si } L \ge 5*V \\ = \max \left\{ tanteo(2*V,L), tanteo(3*V,L) \right\} \qquad \text{si } 5*V > L \ge 3*V \\ = tanteo(2*V,L) \qquad \text{si } 3*V > L \ge 2*V \\ tanteo(V,L) = V \qquad \text{si } 2*V > L
```

**b)** Los resultado intermedios los almacenaremos en una tabla unidimensional:



donde

TApuestas(i): es el valor más cercano y no superior a M que se pueda obtener partiendo de i y tan sólo aplicándole productos \*2, \*3, \*5

Inicialización de la estructura:

- por la segunda ecuación de tanteo, sabemos ∀j (M≥j≥LM/2\_+1->tanteo(j,M)=j), luego para esos valores j: TApuestas(j)=j
- el resto se inicializa a -1, que indicará que aún el valor no se ha calculado

El resultado: TApuestas(C)

```
c)
     procedure Apuestas (C,M: in integer; X: out Integer) is
       TApuestas: array (C..M) of Integer; function Tanteo (V,L) is
       begin
                 TApuestas (V) = -1 and 2*V>L then
              then TApuestas(V):= V; return TApuestas(V);
              else if 5*V<=L</pre>
                    then if TApuestas (5*V) = -1
                          then t5:= Tanteo(5*V,L);
                          else t5:= TApuestas(5*V);
                          end if;
                    else t5:=0;
                    end if;
                    if 3*V<=L
                    then if TApuestas(3*V)=-1
                          then t3:= Tanteo(3*V,L);
                          else t3:= TApuestas(3*V);
                          end if;
                    else t3:=0;
                    end if;
                    if 2*V<=L
                    then if TApuestas(2*V)=-1
                           then t2:= Tanteo(2*V,L);
                          else t2:= TApuestas(2*V);
                          end if;
                    else t2:=0;
                    end if;
                    TApuestas(V) := max(t2, t3, t5);
                    return TApuestas(V);
              end if;
     begin
       for J in C .. (M div 2) loop TApuestas(J):=-1; end loop;
       for J in (M div 2)+1.. M loop TApuestas(J):=J; end loop;
       X := Tanteo(C, M);
     end;
```

### d) Análisis del orden:

El número de celdas a rellenar son M-C+1

- La inicialización rellena una vez y en tiempo constante cada una de las celdas. En total, O(M-C+1)
- Sólo se hacen llamadas recursivas cuando el subproblema aún no ha sido calculado (no se hacen llamadas inútiles. Se recalculan a lo sumo M/2 celdas (aquellas inicializadas con valor -1). Para calcular el valor a almacenar en cada una de éstas celdas se ejecutan

3 sentencias if en tiempo constante, se obtiene el máximo de tres valores y se almacena y devuelve dicho valor. Esto es, a los sumo el valor de M/2 celdas se recalcula nuevamente en tiempo constante cada una de ellas. Esto requiere O(M)

Concluimos añadiendo que la solución propuesta tiene orden O(M).

64.

- 1. Justifica que el algoritmo típico que usas para multiplicar dos números enteros A y B realiza O(m\*n) multiplicaciones *elementales* y O(m\*n) sumas *elementales*, siendo m y n el número de dígitos de A y B respectivamente. (Llamamos *elemental* a la multiplicación (resp. suma) de dos dígitos decimales.)
- 2. En realidad, las operaciones Ax10, \[ \begin{aligned} \B/10 \] y B mod 10 pueden considerarse de O(1) (consiste simplemente en añadir, eliminar o seleccionar una cifra decimal). Por tanto para realizarlas no necesitamos multiplicaciones ni sumas. Analiza el número de multiplicaciones elementales (resp. el número de sumas elementales) que se realizan con el siguiente algoritmo de multiplicación:

donde + y \* son las operaciones de suma y multiplicación típicas consideradas en el apartado (4.1). Fíjate que las operaciones "x10", "\*",y "Multiplicar" son tres operaciones diferentes.

**4**1.

1. supongamos m≥n (el otro caso es análogo)

nª máximo de multiplicaciones:

- una multiplicación entre dos dígitos lleva tiempo constante.
- para obtener cada fila se precisan hacer m multiplicaciones.
- hav n filas

el na de multiplicaciones a realizar precisa tiempo O(n\*m)

na máximo de sumas:

• las sumas se hacen por columnas.

- en cada columna a lo sumo hay n dígitos, uno por cada fila (+1 si hubiera llevada de la columna anterior). Sumar todos ellos requiere O(n), considerando que la suma de dos dígitos tiene orden O(1).
- a lo sumo hay O(n+m) columnas (orden del número de dígitos del valor resultante) el na de sumas a realizar precisa tiempo  $O((n+m)*n)=O(n^2+m*n)=O(m*n)$
- 2. NM(m,n)=nº de multiplicaciones que se realizan cuando el primer número tiene m dígitos y el segundo n.

```
NM(m,n)= m + NM(m+1, n-1)= m+ NM(m+1, n-1) si n>1

NM(m,1)= m
```

Cálculo del orden:

NM(m,n)

```
= m + NM(m+1, n-1) = m + (m+1) + NM(m+2, n-2)
= m + (m+1) + (m+2) + NM(m+3, n-3) = ...
= m + (m+1) + (m+2) + ... + (m+(n-2)) + NM(m+(n-1), n-(n-1))
= m + (m+1) + ... + (m+(n-2)) + NM(m+n-1, 1)
= m + (m+1) + (m+2) + ... + (m+(n-2)) + m
= n * m + (1+2+3+...+n-2) \in O(n*m) + O(n^2) =_{(sup m>n)} O(n*m)
```

La multiplicación de A y B con |A|=m y |B|=n dígitos nos puede dar un nº con O(m+n) dígitos.

NS(m,n)=nº de sumas que se realizan cuando el primer número tiene m dígitos y el segundo n.

No nos interesa el número exacto de sumas, pero sí el orden.

$$NS(m,n) = O(m+n) + NM(m+1, n-1) = \sup_{(\sup m \ge n)} m + NM(m+1, n-1)$$
 si  $n \ge 1$   
 $NS(m,1) = m+1$ 

No es preciso repetir los cálculos para determinar el orden del número de sumas realizadas ya que la ecuación simplificada obtenida es igual a la del subapartado anterior. Así pues, el orden de sumas que realizará dicha solución es O(n\*m).

- **65.** Supongamos n clases de monedas. La moneda de clase i (para cada i=1..n) es de valor  $v_i$  y tenemos exactamente  $c_i$  monedas de esa clase. Escribe y analiza un algoritmo que determine de cuántas formas **distintas** podemos sumar un valor M con esas monedas.
  - Ej.: Si las clases de monedas fueran dos con las siguientes cantidades:

$$v_1 = 25$$
,  $c_1 = 10$ ;  $v_2 = 100$ ,  $c_2 = 2$ 

	Formas distintas
250	3 formas: 2*100 + 2*25, 1*100 + 6*25, 10*25
300	2 formas: 2*100 + 4*25, 1*100 + 8*25

La combinación 25+100 es la misma que 100+25, y por ello es una única a considerar.

**Ø**:

Se opta resolver el problema mediante la técnica de programación dinámica:

Para darle solución a un problema con dicha técnica los pasos a seguir son:

- 1. Definición de la ecuación de recurrencia que da solución al problema.
- 2. Definición de la estructura que almacenará las soluciones intermedias. Determinar claramente qué almacena cada posición de la estructura, cómo se inicializará, en qué orden ha de completarse y como a partir de ella se obtiene el resultado del problema original.
- 3. Algoritmo recursivo o iterativo que implementa lo expresado por la ecuación del punto 1, recogiendo los resultados parciales sobre la estructura definida en 2 y evitando a toda costa repetir cálculos realizados con anterioridad.
- 4. Análisis del orden de la solución propuesta.

Una solución posible a nuestro problema es la siguiente:

1. Suponemos que de la clase i de monedas V(i) es el valor y que exactamente tenemos C(i) monedas. Sea

CombiRes(j,i): el número de combinaciones distintas existentes para sumar el valor j empleando las clases [1..i] de monedas, sabiendo que:

$$\forall p \ (i \ge p \ge 1 \longrightarrow V(p) = valor \ numérico \ de \ la moneda \ de \ la clase \ p \land C(p) = cantidad \ de monedas \ disponibles \ de \ la clase \ p)$$

$$\begin{aligned} & \text{CombiRes}(0,i) = & 1 \\ & \text{-- La combinación empleada para devolver la cantidad 0 es no emplear moneda alguna} \\ & \text{CombiRes}(B,0) = & 0 & \text{-- El valor B no es descomponible} \\ & \text{CombiRes}(B,i) = & \text{CombiRes}(B,i-1) + \text{CombiRes}(B-V(i),i-1) + \text{CombiRes}(B-2V(i),i-1) + \dots \\ & & + \text{CombiRes}(B-j\ V(i),i-1) & \text{con\ j=min}\{\ C(i), \left\lfloor B/V(i) \right\rfloor\} \end{aligned}$$

2. Los resultados intermedios los almacenaremos en una matriz bidimensional: Comb

	0	1		j		M
0	1	0	0	0	0	0
1	1					
	1					
i	1					
	1					
n	1					

donde Comb(j,i) = CombiRes(j,i)

Inicialización de la estructura:

- por la primera ecuación de recurrencia:  $\forall i \ (n \ge i \ge 0 \rightarrow Comb(0, i) = 1)$
- por la segunda ecuación de recurrencia:  $\forall j \ (M \ge j \ge 1 \rightarrow Comb(j, 0) = 0)$
- el resto se inicializa a -1, que indicará que aún el valor no se ha calculado

El resultado en: Comb(M,n):

Completado: mediante llamadas recursivas efectivas (= que calculan el valor por primera y única vez). La primera llamada provocará el completado de la matriz y en concreto el de la casilla solución a devolver.

```
3.
     procedure CombinacionesDistintas (M: in Integer;
                                         V, C: in Tabla(1..N))
                                          return Integer is
       Comb: array (0..M,0..N) of Integer:=(others=>(others=>-1));
       procedure Combinaciones (Val: in Integer; K: in Integer) is
       begin
              -- Comb(Val, K) = -1
              if Comb(Val, K-1) = -1 then Combinaciones(Val, K-1); end if;
              AcumulaCombDistintas:= Combinaciones(Val, K-1);
              for Veces in 1.. Minimo{}C(K), M div V(K)) loop
                    if Comb(Val - Veces*V(K) , K-1)=-1
then Combinaciones(Val - Veces*V(K) , K-1);
                    end if:
                    AcumulaCombDistintas:= AcumulaCombDistintas
                                              + Comb(Val - Veces*V(K), K-1);
              end loop;
              Comb(Val, K):= AcumulaCombDistintas;
       end;
     begin
       for I in 0 .. N loop Comb(0, I) :=1; end loop;
       for J in 1 .. M loop Comb(J,1) := 0; end loop;
       if Comb(M,N)=-1 then Combinaciones(M, N);
       return Comb(M,N);
     end;
```

#### 4. Análisis del coste temporal:

La matriz Comb con M\*n celdas:

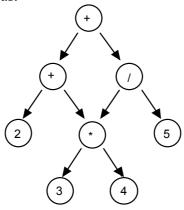
- Se inicializa cada celda en tiempo constante, O(1)
- El valor de O(M\*n) celdas se calcula una vez más, según la ecuación tercera de la definición recursiva. El coste temporal para completar la celda Comb(j,i) depende de la cantidad j, del valor V(i) de las monedas de la clase i y de la cantidad de monedas C(i) que se disponen de dicha clase. Así pues, en el caso peor, cuando j es máximo (M) el número mayor de veces que se repetirá el bucle con índice Veces se efectuará

$$\begin{split} \max & \left\{ \min \left( \left\lfloor \frac{\text{Val}}{V(1)} \right\rfloor, C(1) \right), \min \left( \left\lfloor \frac{\text{Val}}{V(2)} \right\rfloor, C(2) \right), \dots, \min \left( \left\lfloor \frac{\text{Val}}{V(n)} \right\rfloor, C(n) \right) \right\} \\ &= \max_{1 \le i \le n} \left\{ \min \left( \left\lfloor \frac{\text{Val}}{V(i)} \right\rfloor, C(i) \right) \right\} \end{split}$$

Concluimos que el orden temporal de la solución propuesta es:

$$O\left(M*n*max_{1} \le i \le n \left\{ min\left(\left\lfloor \frac{Val}{V(i)} \right\rfloor, C(i) \right) \right\} \right)$$

**66.** Una expresión aritmética puede representarse mediante un DAG (gafo dirigido acíclico). Esta representación es más compacta que la de árbol, porque las subexpresiones repetidas sólo tienen que aparecer una vez. Por ejemplo, la expresión 2+3\*4+(3\*4)/5 podría representarse mediante el DAG de la figura. Cada operador (o nodo interno) tiene exactamente dos operandos (o arcos). Escribe y analiza un algoritmo lineal en el número de nodos que evalúe la expresión aritmética dada por un DAG de estas características.



` B

Supongamos que los nodos (internos o no) están numerados.

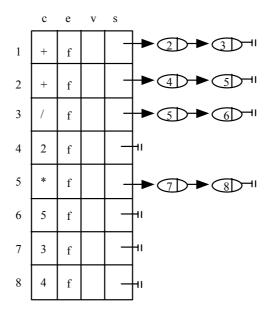
¿Es conocido el índice o numeración del nodo raíz? Supondremos que nos lo da la función Raíz(G).

Idea del proceso general a seguir para calcular el valor de un dag:

- si el vértice a examinar ya ha sido evaluado, devolvemos dicho valor
- si el vértice aún no ha sido evaluado su valor se obtiene de la siguiente forma
  - si el vértice es hoja: devolvemos su valor numérico
  - si el vértice no es hoja: evaluamos, si son precisos, sus subgrafos izquierdo y derecho y operamos dichos valores con el operador almacenado en el vértice

Es decir, lo que realizamos es un recorrido en profundidad en un grafo que de partida sabemos quién es su raíz y que cada nodo interno tiene exactamente dos subgrafos adyacentes, denominados izquierdo y derecho. Es imprescindible llevar constancia de si un subgrafo ha sido o no ya evaluado (=marcado) para evitar repetir cálculos.

Optamos por una representación del siguiente estilo:



Cada vértice o nodo i del grafo tiene cuatro componentes:

- c: contenido del vértice i: valor numérico u operador binario aritmético.
- e: indicará si el subgrafo con raíz el nodo i ha sido (t) o no (f) evaluado.
- v: valor del subgrafo con raíz el nodo i; campo con valor asociado siempre y cuando el nodo i haya sido previamente evaluado.

s: si el nodo i es hoja entonces la lista vacía, si no, la lista de sus dos subgrafos adyacentes (siguientes), primero representará al operando izquierdo y el segundo al operando derecho del operador aritmético que está en el campo c de i.

# Algoritmo:

```
begin
  Inicializar campos E a no evaluados(G);
  evaluar nodo(G,Raiz(G));
                                        -- Raiz(G): da el índice del nodo raíz de G
  return devolver valor del subgrafo con raiz(G, Raiz(G));
                                         -- el campo v del nodo r
end;
<u>evaluar nodo(G,k)</u>
if Es numérico(G,k)
                                   -- Es una hoja
        Almacenar valor en el campo v(G,k,Campo C(G,k))
        AI:=Adyacente Izquierdo(G,k); -- índice del nodo-izquierdo del nodo k
else
  AD:= Advacente Derecho(G,k);
  if No_Evaluado(G, AI) then evaluar_nodo(G, AI); end if;
  if No Evaluado(G, AD) then evaluar nodo(G, AD); end if;
  Res:= operar(Campo C(G,k),
                 devolver_valor_del_subgrafo_con_raiz(G,AI),
                 devolver_valor_del_subgrafo_con_raiz(G,AD));
  Almacenar valor en el campo v(G,k,Res);
  end if;
Marcar Evaluado(G,k)
                                  -- almacenar a true en el campo E
```

## Análisis del orden:

G tiene n vértices y a arcos, pero por las características de nuestros dag, a<2n

- Raiz(G): Si es conocido se precisa tiempo constante. Si no es conocido hay que recorrer cada uno de los nodos y cada uno de sus arcos una sola vez para calcular el indegree del grafo y devolver aquel nodo que no tenga ningún arco entrante. Es conocido que este proceso se puede hacer en tiempo O(n+a), luego en nuestro caso O(n).
- Se inicializan los n nodos a no evaluados en tiempo constante cada uno, luego: O(n)
- Cada nodo se evalúa una sola vez operando de la siguiente forma:
  - si es hoja: acceso a un campo, obtener valor y almacenarlo en otro campo del nodo: O(1)
  - si es nodo interno: se obtienen los valores de los subgrafos izquierdo y derecho, se obtiene el operador aritmético y se opera. El resultado se almacena en otro campo del nodo. Todo ello se realiza en O(1)
  - La evaluación total de todos los nodos precisa tiempo O(n).
  - No obstante, un nodo podría ser visitado más de una vez; esto es, tantas veces como predecesores (arcos entrantes) tenga (de hecho, tantas veces como se repita la subexpresión aritmética que representa en la expresión aritmética total). Pero cada arco se trata también una sola vez (en tiempo constate) y estos son menos de 2n.

Concluimos pues, que la evaluación de dags propuesta requiere O(n+a)=O(n+2n)=O(n)