

Dominika Dolik, 235853

Prowadzący: dr inż. Dariusz Banasiak

Termin: środa, 17:25

Projektowanie Efektywnych Algorytmów

Zadanie Projektowe nr 1

Przegląd zupełny i programowanie dynamiczne dla problemu komiwojażera

Wstęp teoretyczny

Problem komiwojażera (ang. travelling salesman problem, TSP) jest zagadnieniem optymalizacyjnym. Nazwa pochodzi od typowej ilustracji problemu, przedstawiającego go z punktu widzenia wędrownego sprzedawcy (komiwojażera): dane jest n miast, które komiwojażer ma odwiedzić oraz odległość między tymi miastami/koszt podróży. Celem jest znalezienie najkrótszej/najtańszej ścieżki łączącej wszystkie miasta, zaczynającej się i kończącej w jednym punkcie.

Problem komiwojażera jest problemem NP-trudnym, co oznacza, że złożoność obliczania poprawnego rozwiązania wzrasta wykładniczo i nie są znane sposoby rozwiązywania go w czasie wielomianowym.

W terminologii grafów rozwiązanie problemu komiwojażera polega na odnalezieniu w nim cyklu Hamiltona – cyklu, w którym każdy wierzchołek jest odwiedzany dokładnie jeden raz. Znalezienie cyklu Hamiltona o minimalnej sumie wag krawędzi jest równoważne rozwiązaniu problemu komiwojażera.

Wykorzystane algorytmy

- **Przegląd zupełny (Brute Force)**

Pierwszym i najprostszym rozwiązaniem jest przegląd zupełny (Brute Force). Znajduje on wszystkie możliwe cykle Hamiltona w grafie, co oznacza, że zawsze zostanie znalezione rozwiązanie optymalne. Jego podstawową wadą jest złożoność czasowa $O(n^n)$ i konieczność sprawdzenia $(n-1)!$ możliwych ścieżek. Z tego względu znalezienie minimalnej ścieżki potrafi zająć naprawdę długi czas.

Implementacja tego sposobu polegała na permutacji zbioru n -elementowego (gdzie n jest liczbą wierzchołków grafu – tutaj: liczbą miast), a następnie na obliczaniu wartości ścieżki dla danego podciągu i porównanie go z ostatnią najmniejszą znaną wartością ścieżki. Jeśli ścieżka ma mniejszą wagę – jest ona przypisywana jako najmniejsza znaleziona i jednocześnie jako rozwiązanie optymalne.

- **Programowanie dynamiczne**

Programowanie dynamiczne jest strategią projektowania algorytmów i jednocześnie alternatywą dla zagadnień rozwiązywanych za pomocą algorytmów zachłanych. Opiera się na podziale rozwiązywanego problemu na podproblemy względem kilku parametrów. W tym przypadku rozwiązanie polega na podziale zbioru wierzchołków, przez które chcemy przejść na mniejsze podzbiory, a następnie na obliczaniu wartości cząstkowych dla najmniejszych podproblemów i wykorzystaniu ich dla wyników największych. Algorytm ten zatem działa rekurencyjnie.

Najlepszym algorytmem wykorzystującym metodę programowania dynamicznego jest algorytm Helda-Karpa. Złożoność czasowa tej metody jest znacznie mniejsza od przeglądu

zupełnego – wynosi $O(n^2 2^n)$. Opiera się on przede wszystkim na funkcji określającej koszt ścieżki według następującego wzoru:

jeżeli $\text{set} = 1$, to $\text{cost}(\text{set}, p) = \text{wadze krawędzi określonej w macierzy jako } d(0, p)$

jeżeli $\text{set} > 1$, to $\text{cost}(\text{set}, p) = \min_x (\text{cost}(\text{set} - \{v\}, x) + d(x, v))$

gdzie set jest zbiorem wierzchołków, a v punktem kończącym ścieżkę. Stosując ten algorytm, można rozważyć przykład dla czterech miast:

$$\text{cost}_{1,2} = \text{cost}_{2,1} = 30$$

$$\text{cost}_{1,3} = \text{cost}_{3,1} = 36$$

$$\text{cost}_{1,4} = \text{cost}_{4,1} = 40$$

$$\text{cost}_{2,3} = \text{cost}_{3,2} = 20$$

$$\text{cost}_{2,4} = \text{cost}_{4,2} = 50$$

$$\text{cost}_{3,4} = \text{cost}_{4,3} = 67$$

Startując od wierzchołka 1, w kolejnych iteracjach rozważamy zbiory:

- 1-elementowe:

$$\text{cost}(\{2\}, 2) = d_{1,2} = 30$$

$$\text{cost}(\{3\}, 3) = d_{1,3} = 36$$

$$\text{cost}(\{4\}, 4) = d_{1,4} = 40$$

- 2-elementowe:

$$\text{cost}(\{2, 3\}, 2) = \min(\text{cost}(\{3\}, 3) + d_{3,2}) = \min(36 + 20) = \min(56) = 56$$

$$\text{cost}(\{2, 3\}, 3) = \min(\text{cost}(\{2\}, 2) + d_{2,3}) = \min(30 + 20) = \min(50) = 50$$

$$\text{cost}(\{2, 4\}, 2) = \min(\text{cost}(\{4\}, 4) + d_{4,2}) = \min(40 + 50) = \min(90) = 90$$

$$\text{cost}(\{2, 4\}, 4) = \min(\text{cost}(\{2\}, 2) + d_{2,4}) = \min(30 + 50) = \min(80) = 80$$

$$\text{cost}(\{3, 4\}, 3) = \min(\text{cost}(\{4\}, 4) + d_{4,3}) = \min(40 + 67) = \min(107) = 107$$

$$\text{cost}(\{3, 4\}, 4) = \min(\text{cost}(\{3\}, 3) + d_{3,4}) = \min(36 + 67) = \min(103) = 103$$

- 3-elementowe

$$\text{cost}(\{2, 3, 4\}, 2) = \min(\text{cost}(\{3, 4\}, 3) + d_{3,2}, \text{cost}(\{3, 4\}, 4) + d_{4,2}) = \min(107 + 20, 103 + 50) = \min(127, 153) = 127$$

$$\text{cost}(\{2, 3, 4\}, 3) = \min(\text{cost}(\{2, 4\}, 2) + d_{2,3}, \text{cost}(\{2, 4\}, 4) + d_{4,3}) = \min(90 + 20, 80 + 67) = \min(110, 147) = 110$$

$$\text{cost}(\{2, 3, 4\}, 4) = \min(\text{cost}(\{2, 3\}, 2) + d_{2,4}, \text{cost}(\{2, 3\}, 3) + d_{3,4}) = \min(56 + 50, 50 + 67) = \min(106, 117) = 106$$

- Zbiory 3-elementowe są w tym przypadku największymi możliwymi zbiorami (ponieważ rozważane są cztery wierzchołki, a jeden z nich jest wierzchołkiem startowym). W ten sposób można wyznaczyć wzór końcowy:

$$\min(\text{cost}(\{2, 3, 4\}, 2) + d_{2,1}, \text{cost}(\{2, 3, 4\}, 3) + d_{3,1}, \text{cost}(\{2, 3, 4\}, 4) + d_{4,1}) = \min(127 + 30, 110 + 36, 106 + 40) = \min(157, 146, 146) = 146$$

W ten sposób możemy uzyskać wartość liczbową, reprezentującą minimalne wagi krawędzi, które tworzą w grafie cykl Hamiltona. By uzyskać kolejność wierzchołków tworzących najkrótszą ścieżkę, należy przejść po kolejnych iteracjach algorytmu.

Implementacja algorytmów i dane testowe

Projekt został napisany z użyciem języka C++. Pomiar czasu dokonywany był za pomocą biblioteki `std::chrono` i klasy `high_resolution_clock`, mierzącej czas z dokładnością do mikrosekund. Dane wczytywane były z plików za pomocą klasy `Reader` i przechowywane odpowiednio w zmiennej (ilość wierzchołków/miast), tablicy jedno- (kolejne wierzchołki) i dwuwymiarowej (macierz sąsiedztwa z uwzględnieniem odległości między punktami). Na wczytanych danych operowały funkcje `bruteForce()` i `dynamicProgramming()`, rezultat zwracany był jako struktura `Path`, przechowująca koszt i najkrótszą ścieżkę w grafie.

Pliki użyte do testowania algorytmów pochodzą ze strony dr. Jarosława Mierzwy i strony uniwersytetu w Heidelbergu. Każdy z plików posiadał jednakową strukturę: w pierwszej linii liczbę wierzchołków grafu, następnie przedstawiona jest macierz sąsiedztwa, w której i-ty wiersz odpowiada wierzchołkowi początkowemu, a j-ta kolumna wierzchołkowi docelowemu.

Ze względu na czas wykonania, dla algorytmu przeglądu zupełnego wykorzystano instancje 6, 10, 12 i 13 elementowe. Dla programowania dynamicznego dodatkowo testowane były instancje dla $n = 14, 15, 17$. Z biblioteki TSPLIB wykorzystany był tylko plik dla 17 wierzchołków. Algorytmy dla większych instancji trwały za długo (dla przeglądu zupełnego) lub brakowało pamięci operacyjnej. Dla każdej instancji problemu wykonano 10 pomiarów, a wyniki w tabelach zostały uśrednione.

Wyniki pomiarów

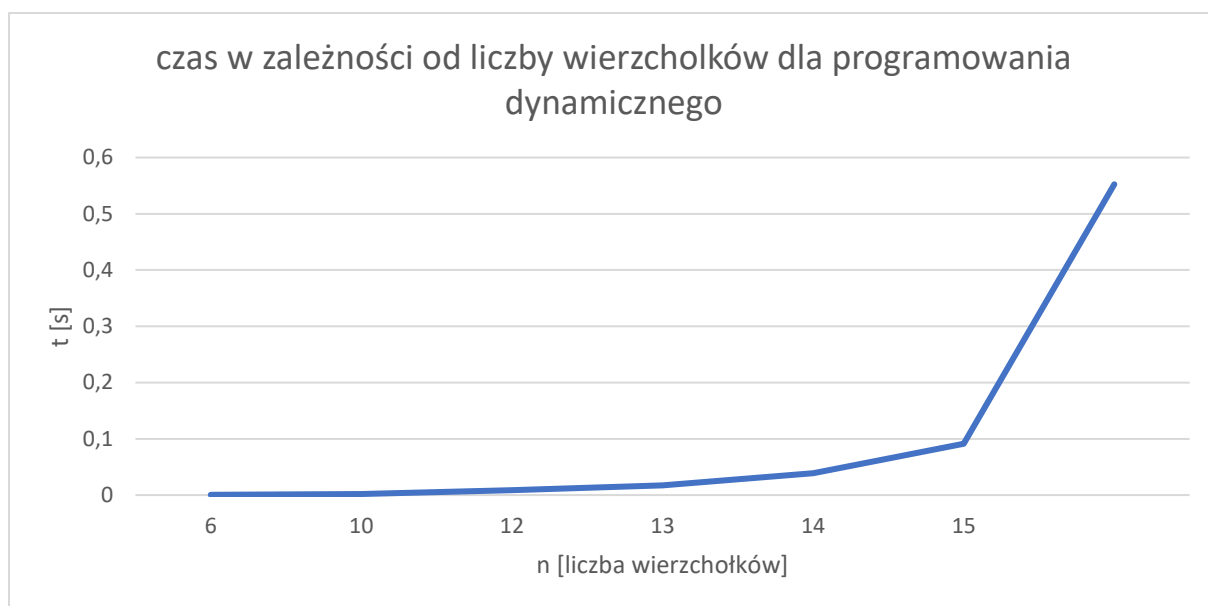
- Przegląd zupełny

| instancja | wierzchołki | rozwiązanie | uzyskana wartość | t [μs] | t [s] |
|-------------|-------------|-------------|------------------|------------|-------------|
| tsp_6_2.txt | 6 | 80 | 80 | 201 | 0,000201 |
| tsp_10.txt | 10 | 212 | 212 | 1001642 | 1,001642 |
| tsp_12.txt | 12 | 264 | 264 | 146240367 | 146,240367 |
| tsp_13.txt | 13 | 269 | 269 | 1679780099 | 1679,780099 |



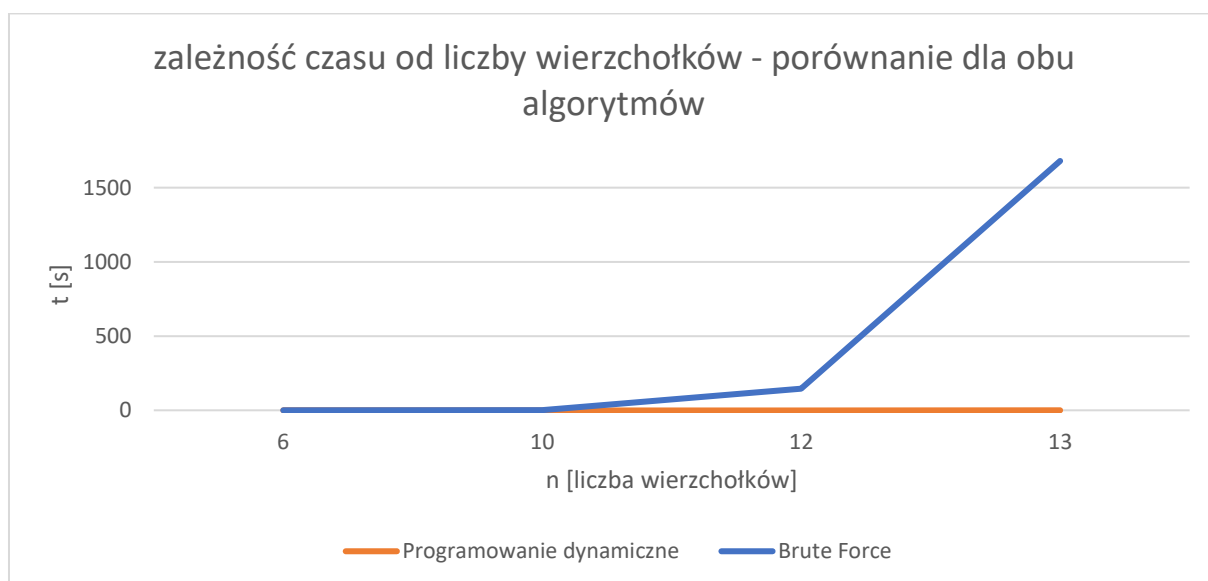
- Programowanie dynamiczne

| instancja | wierzchołki | rozwiązanie | uzyskana wartość | t [μs] | t[s] |
|-------------|-------------|-------------|------------------|--------|----------|
| tsp_6_2.txt | 6 | 80 | 80 | 468 | 0,000468 |
| tsp_10.txt | 10 | 212 | 212 | 1753 | 0,001753 |
| tsp_12.txt | 12 | 264 | 264 | 8394 | 0,008394 |
| tsp_13.txt | 13 | 269 | 269 | 17326 | 0,017326 |
| tsp_14.txt | 14 | 282 | 282 | 38709 | 0,038709 |
| tsp_15.txt | 15 | 291 | 291 | 90961 | 0,090961 |
| gr17.txt | 17 | 2085 | 2085 | 552479 | 0,552479 |



- Porównanie obu sposobów

| wierzchołki | czas wykonania: t[s] | | stosunek procentowy między czasami wykonania algorytmów |
|-------------|----------------------|--------------------------|---|
| | przegląd zupełny | programowanie dynamiczne | |
| 6 | 0,000201 | 0,000468 | 42,95% |
| 10 | 1,001642 | 0,001753 | 57138,73% |
| 12 | 146,240367 | 0,008394 | 1742201,18% |
| 13 | 1679,780099 | 0,017326 | 9695140,82% |



Wnioski

Dla dużych zbiorów danych przegląd zupełny jest całkowicie niewydatnym algorytmem, ze względu na jego złożoność czasową i obliczeniową. Wykorzystanie programowania dynamicznego wykazuje się krótszym czasem wykonania, rośnie znacznie wolniej w stosunku do ilości wczytanych danych. Z tego powodu też przegląd zupełny nie nadaje się do użytku przy dużych grafach.

Przy implementacji programowania dynamicznego przydaje się zastosowanie masek bitowych – reprezentacji zbioru w postaci ciągu bitów. Na pierwszy rzut oka może się ten sposób wydawać trudny, lecz znacznie ułatwia on operowanie na zbiorach przy mniejszej ilości wierzchołków (dla mojego rozwiązania – maksymalnie 32 wierzchołki).

Źródła

- http://algorytmy.ency.pl/artukul/problem_komiwojazer
- http://algorytmy.ency.pl/artukul/algorytm_helda_karpa
- https://eduinf.waw.pl/inf/alg/001_search/0140.php
- https://www.purepc.pl/technologia/ameby_w_biokomputerze_rozwiazaly_problemiwojazer
- <http://informatyka.wroc.pl/node/227?page=0,1>