

- Triki Bilelle
- Cornede Cédric
- Cintra Paul
- Abichou Asma
- Amrane Lydia
- Nait Larbi Takfarinas





15.000.000 décès par an

Les cancers qui tuent le plus sont les cancers du poumon, du foie et de l'estomac.

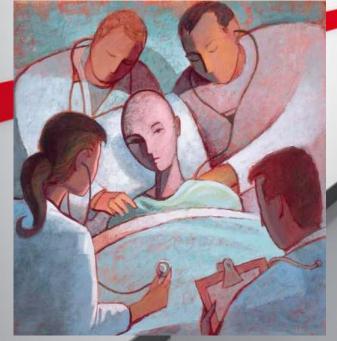
Depuis 1989, en France, les cancers sont la première cause de décès chez l'homme.

Entre 1980 et 2005, le nombre cancers a augmenté de 90 %



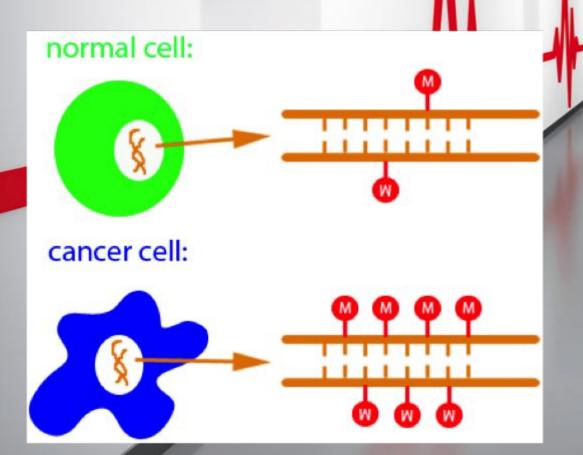


## HADACA Heath Data Challenge





Objectif: classifier des images de tumeurs dans différentes catégories, représentant différents stages de l'avancement de la maladie et observer quel stade de cancer est atteint en fonction de la quantité de deux composants

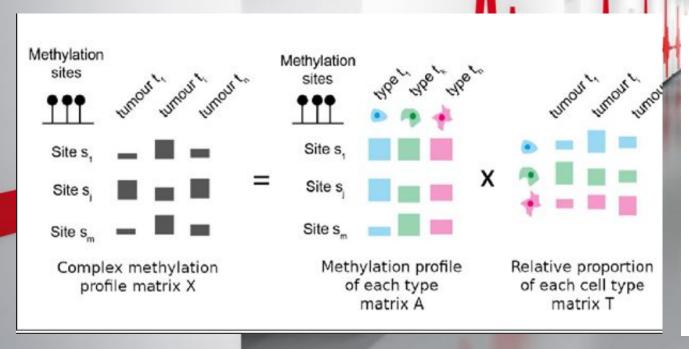


	component_1	component_2
count	4.000000e+03	4.000000e+03
mean	4.465317e-16	5.067821e-17
std	4.725506e+00	2.550824e+00
min	-1.104236e+01	-7.132201e+00
25%	-2.633585e+00	-1.746279e+00
50%	5.914811e-01	-4.387208e-01
75%	3.394194e+00	1.436839e+00
max	1.362695e+01	1.145453e+01

	Methylation #1	Methylation #2	7.73	Methylation #n	Stage du cancer
Patient #1	0.43	0.23	623	0.12	stage ib
Patient #2	0.45	0.66	-	0.20	stage i
Patient #3	0.32	0.64	-	0.42	stage ilia

- → stage ib
- → stage ia
- → stage i
- → stage iib
- → stage iv
- → stage iiia
- → not reported
- → stage iia
- → Nan
- → stage iiib

Étape 1: Preprocessing Prétraitement des données pour les transformer en un format qui sera traité plus facilement et efficacement par le modèle d'apprentissage



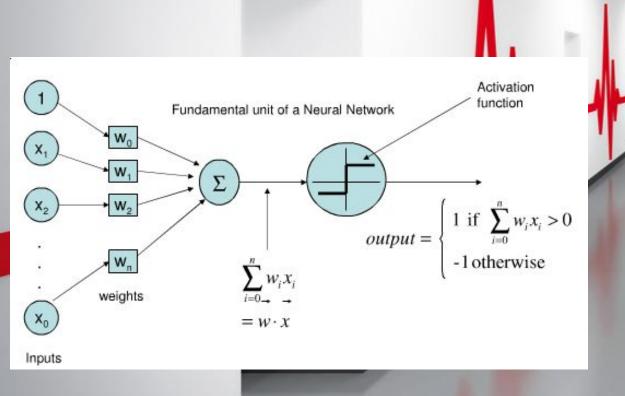
## Pseudo-code pour le preprocessing :

Factorisation-mat (matriceBrute[x][y], t) {
 nb\_feature = TruncatedSVD(n\_components = t)
 data-reduice =
 svdfit\_transformation(matriceBrute[x][y])
 variance = svdcomponent(matriceBrute[x][y])
 D-matrix = np.dot(data-reduice, variance)
 calculerletauxd'erreursentrematriceBrute
 et D-matrix
 retourner data-reduce, variance

// matriceBrute[x][y] c'est la matrice qui contient les donnée brutes & t est le nombre de patients (

//data-reduice c'est la matrice de factorisée // np.dot c'est pour faire le produit entre x et y //variance est la matrice qui s'occupe de stocker la variance max de chaque donnée

## Étape 2: Preprocessing Améliorer le taux de classification en classifiant les données qui viennent d'être traitées



res = 0;

for i in images[]:

bestdist=0

predictedLabel=0

for j in labels[]:

if dist(images[i],labels[j])>bestdist:

bestdist=dist(images[i],[labels[j])

predictedLabel=labels[j]

if(predictedLabel==images[i].trueLabel):

res=res+1

print("efficacité de " (res/images[].length)\*100
"%")

#et un label est grande plus la probabilité que cette image appartienne

#à ce label est grande

#nombre d'image bien classées

# pour parcourir toutes les images # distance max entre image et un label

# le label ayant la plus grande distance avec

# parcourir toute les labels ( les classes )

# On cherche à trouver la distance max par image

# si label prédit , est égale au vrai label de l'image on

#augmente le résultat de

1.

#le pourcentage de réussite!

## Étape 3: Affichage Représentation graphique des données

