

IDENTIFICACIÓN DE PROTEÍNAS Y RUTAS METABÓLICAS ASOCIADAS A LA RESPUESTA NEUROPROTECTORA MEDIADA POR LA TIBOLONA EN ASTROCITOS BAJO UN MODELO INFLAMATORIO INDUCIDO.

Daniel Camilo Osorio

Agosto 14, 2015

Maestría en Bioinformática

Universidad Nacional de Colombia

Laboratorio de Bioquímica Computacional y Bioinformática

Pontificia Universidad Javeriana

- Son moléculas formadas por cadenas lineales de aminoácidos.

- Son moléculas formadas por cadenas lineales de aminoácidos.
- Realizan funciones enzimáticas, estructurales y de transducción de señales entre otras.

- Son moléculas formadas por cadenas lineales de aminoácidos.
- Realizan funciones enzimáticas, estructurales y de transducción de señales entre otras.
- Están determinadas mayoritariamente por la genética de los organismos.

- Son moléculas formadas por cadenas lineales de aminoácidos.
- Realizan funciones enzimáticas, estructurales y de transducción de señales entre otras.
- Están determinadas mayoritariamente por la genética de los organismos.
- El conjunto de las proteínas expresadas en una circunstancia determinada es denominado *proteoma*.

- Es el equivalente proteínico del *genoma*.
- Es la totalidad de proteínas expresadas en una célula bajo ciertas condiciones ó etapa de desarrollo específicas.

TITLE=01-02.734.734.3 File:"01-02.RAW",
NativeID:"controllerType=0 controllerNumber=1
scan=734"

BEGIN IONS

RTINSECONDS=810.6452

PEPMASS=423.252593994141 12337.3798828125

CHARGE=3+

129.1288300 52.872806549

149.1461182 3.9003605843

157.1478424 2.5976366997

163.1104431 7.5093927383

174.8226013 9.9194545746

193.2301788 2.1630632877

.

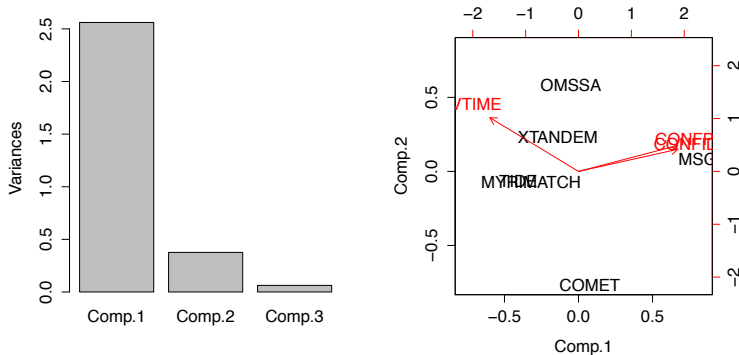
.

.

MÉTODO PARA LA IDENTIFICACIÓN DE PROTEÍNAS

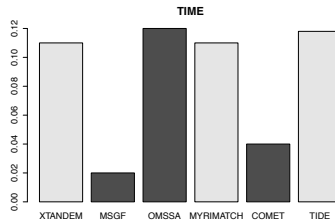
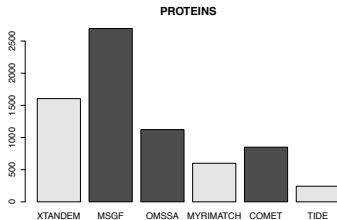
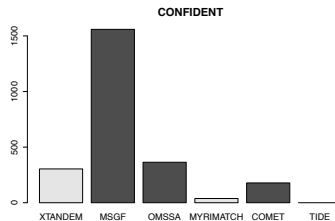
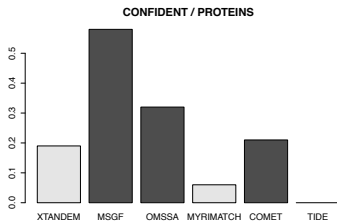
SELECCIÓN DE MOTORES DE BÚSQUEDA: PCA

MODELO: *CONFPROT* + *CONFIDENT* + *INVTIME*



SELECCIÓN DE MOTORES DE BÚSQUEDA

SELECCIONADOS: MSGF + COMET + OMSSA



PROTEÍNAS IDENTIFICADAS

REDES		
REGULACIÓN	SEÑALIZACIÓN	METABOLISMO

¿PREGUNTAS?