ALGORITMI E STRUTTURE DATI

LAUREA TRIENNALE IN SCIENZE INFORMATICHE

Magliani Andrea Perego Luca

Università degli studi di Milano-Bicocca

INDICE

Problema Computazionale e Algoritmi	5
1.1 Problema Computazionale	5
1.2 Istanza	5
1.3 Algoritmo	5
1.4 Analisi degli Algoritmi	5
1.5 Struttura dati	5
Correttezza & Efficienza	6
2.1 Dimostrazione di Correttezza	6
2.2 Calcolo dell'Efficienza	6
Notazioni Asintotiche	7
3.1 O-Grande	7
3.2 Ω-Grande	7
3.3 θ-Grande	7
3.4 Gerarchie di crescita Asintotica	7
Caratteristiche degli Algoritmi	8
4.1 Stabile	8
4.2 In-Place	
Algoritmi di Ordinamento	8
5.1 Definizione	8
5.2 Struttura del problema	8
Teorema dell'esperto	9
6.1 Enunciato	9
Selection sort	10
7.1 Pseudocodice	10
7.2 Funzionamento	10
7.3 Correttezza	11
7.4 Tempi di calcolo	
7.5 Caratteristiche	11
Insertion sort	12
8.1 Pseudocodice	
8.2 Funzionamento	
8.3 Correttezza	13
8.4 Tempi di calcolo	13
8.5 Caratteristiche	13
Mergesort	14
9.1 Pseudocodice	14
9.2 Funzionamento	15
9.3 Tempi di calcolo	15
Ricerca Dicotomica	16
10.1 Pseudocodice	16
10.2 Tomni di calcolo	16

Problema di selezione	17
11.1 Pseudocodice	17
11.2 Tempi di calcolo	17
Counting sort	18
12.1 Pseudocodice	18
12.2 Tempi di calcolo	18
Radix sort	19
13.1 Funzionamento	19
13.2 Pseudocodice	19
Heap Binario	20
14.1 Definizione	20
14.2 Proprietà	20
14.3 Nomenclatura	21
14.4 Max Heapify	21
14.5 Build heap	22
14.6 Heap sort	23
Coda con priorità	24
15.1 Procedure	24
15.2 Extract max	24
15.3 Increase key	
15.4 Insert	25
Strutture dati dinamiche	26
16.1 Operazioni	
16.2 Implementazione	26
Liste concatenate	
17.1 Struttura	
17.2 List search	27
17.3 List insert	28
17.4 List delete	
Liste doppiamente concatenate	
18.1 Struttura	29
18.2 DL List Insert	
18.2 DL List Delete	30
Stack / Pile	31
19.1 Definizione	
19.2 Tempi di calcolo	
19.3 Stack search	
19.4 Stack delete element	33
19.5 Stack sorted insert	34
Queue / Coda	
20.1 Definizione	
20.2 Tempi di calcolo	
20.3 Queue search	
20.4 Queue sorted insert	36

ΑI	bero binario di ricerca	. 38
	21.1 Definizione	.38
	21.2 Inorder visit	.38
	21.3 Preorder visit	. 39
	21.4 Postorder visit	.39
	21.5 Bst search	40
	21.6 Bst min / max	.41
	21.7 Bst successor	. 42
	21.8 Bst insert	43
	21.9 Bst delete	44
	21.10 Contrazione nodo	. 44
Gr	afi	. 45
	22.1 Definizione	.45
	22.2 Rappresentazione	. 45
	22.3 Tempi di calcolo	.46
	22.4 Stampa cammino	46
	22.5 Visita in ampiezza (BFS)	. 47
	22.6 Visita in profondità (DFS)	. 48
	22.7 Teorema: Struttura di parentesi	. 49
	22.8 Classificazione archi	.49
	22.9 Ordinamento topologico di un DAG	.49

Problema Computazionale e Algoritmi

1.1 Problema Computazionale

Relazione matematica tra input e output. Un problema è definito come: $\pi \subseteq input \times output$

1.2 Istanza

Set di input specifici legati ad un determinato problema.

1.3 Algoritmo

Descrizione finita, composta da una sequenza di istruzioni elementari e non ambigue che, se eseguita, trasforma gli input in output.

1.4 Analisi degli Algoritmi

Gli algoritmi vengono **analizzati** per valutarne diversi aspetti:

- Correttezza: verificata con test e dimostrazioni;
- Efficienza: verificata misurando i tempi e lo spazio occupato;

Un algoritmo che risolve un problema per ogni sua istanza in un tempo finito è detto **corretto**.

Un algoritmo che, per almeno una delle istanze, non risolve correttamente il problema è detto **non corretto**.

1.5 Struttura dati

Un modo per memorizzare e manipolare dati.

Correttezza & Efficienza

2.1 Dimostrazione di Correttezza

<u>Invariante di ciclo</u>: metodo per dimostrare la correttezza di un algoritmo contenente un loop. L'invariante di ciclo si divide in 3 fasi:

- Inizializzazione: dimostra la correttezza per la prima iterazione;
- **Conservazione**: l'algoritmo è corretto per ogni valore di *i* e questa incrementa correttamente ad ogni iterazione;
- Conclusione: assumendo la condizione del ciclo False, l'algoritmo termina restituendo il risultato corretto;

2.2 Calcolo dell'Efficienza

Un algoritmo efficiente utilizza il minor **tempo** e **risorse** possibili. È necessario definire una funzione T(n), ovvero il tempo di calcolo impiegato per gestire un input di lunghezza n.

Ad ogni tipo di istruzione viene assegnato un **valore temporale** di esecuzione, per poi contarne le occorrenze nel codice.

T(n) equivale alla somma delle occorrenze di tutti i valori temporali.

In un algoritmo è presente:

 $\underline{\texttt{Caso Migliore}} \colon \ T_{migl}(n) \ \rightarrow$

Sottoinsieme delle istanze in cui l'algoritmo impiega meno.

Caso Peggiore: $T_{pegg}(n) \rightarrow$

Sottoinsieme delle istanze in cui l'algoritmo impiega di più.

Notazioni Asintotiche

3.1 O-Grande

O(n) rappresenta il **limite superiore** [asintoticamente] della funzione T(n) di un algoritmo.

$$O(g(n)) \ = \ \Big\{ f(n) \ | \ \exists \ c, \ n_0 > 0, \ f(n) \le c \cdot g(n) \ \ \forall n > n_0 \Big\} \qquad \qquad f(n) \in N \ \land \ f(n) > 0 \ def.$$

3.2 Ω -Grande

 $\Omega(n)$ rappresenta il **limite inferiore** [asintoticamente] della funzione T(n) di un algoritmo.

$$\Omega(g(n)) \ = \ \left\{ f(n) \ | \ \exists \ c, \ n_0 > 0, \ 0 \le c \cdot g(n) < f(n) \quad \forall n > n_0 \right\}$$

3.3 θ-Grande

 $\theta(n)$ rappresenta la funzione che **delimita superiormente** ed **inferiormente** la funzione T(n) di un algoritmo.

$$\theta(g(n)) \ = \left\{ f(n) \mid \exists \ c_1, c_2, n_0 > 0, \quad 0 \le c_2 \cdot g(n) \le f(n) \ \le f(n) \le c_1 \cdot g(n) \ \forall n > n_0 \right\}$$

3.4 Gerarchie di crescita Asintotica

La crescita di T(n) varia in base alla funzione a cui è associata. La **scala di crescita** è:

$$c \rightarrow log n \rightarrow \sqrt{n} \rightarrow n \rightarrow n log n \rightarrow n^{a}[a > 1] \rightarrow a^{n} \rightarrow n! \rightarrow n^{n}$$

Caratteristiche degli Algoritmi

4.1 Stabile

Algoritmo che, se nel vettore di input sono presenti due valori **uguali**, mantiene l'ordine tra di loro anche nel vettore ordinato di output.

4.2 In-Place

Algoritmo che non utilizza una **struttura dati ausiliaria**, ma lavora direttamente sull'input.

Algoritmi di Ordinamento

5.1 Definizione

Gli algoritmi di ordinamento sono utilizzati per posizionare gli elementi di un insieme secondo una **relazione d'ordine**.

5.2 Struttura del problema

Ogni algoritmo di ordinamento condivide problema e risultato.

Problema: Ordinamento di un vettore V di n elementi.

<u>Input</u>: Un vettore V di n elementi.

Output: Un vettore V t.c.:

- L'output è una permutazione di *V*;
- $\forall i \in [1, n-1] \ V'[i] \leq V[i+1];$

Teorema dell'esperto

6.1 Enunciato

Sia
$$T(n) = a \cdot T\left(\frac{n}{b}\right) + f(n)$$
 $a \ge 1, b > 1, f(n)$ asin. pos.

1. se
$$\exists \, \epsilon > 0 \, t.c. \, f(n) = 0 \Big(n^{\log_b a - \epsilon} \Big)$$
 allora $T(n) = \theta \Big(n^{\log_b a} \Big)$

2. se
$$f(n) = \theta(n^{\log_b a})$$
 allora $T(n) = \theta(n^{\log_b a} \cdot \log n)$

3. se
$$\exists \epsilon > 0$$
 $t.c.$ $f(n) = \Omega\Big(n^{\log_b a + \epsilon}\Big)$ e se $\exists c < 1$ $t.c.$ $a \cdot f(\frac{n}{b}) \leq c \cdot f(n)$ $\forall n > n_0$ allora $T(n) = \theta(f(n))$

Selection sort

7.1 Pseudocodice

```
SELECTION_SORT (V)

for i := 1 to V.length - 1

   posmin := i

for j := i + 1 to V.length - 1

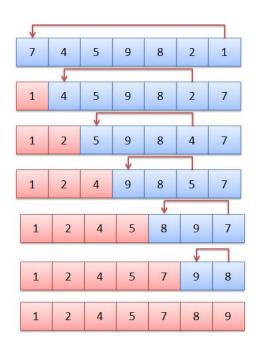
   if V[posmin] > V[j] then

       posmin := j

scambia V[i] con V[posmin]
```

7.2 Funzionamento

Si cerca il numero minore navigando tutto il vettore e si mette nella posizione i, con i che varia dalla prima posizione del vettore fino all'ultima.



7.3 Correttezza

I primi i - 1 elementi di V sono i più piccoli i - 1 elementi di V ordinati in ordine crescente.

INIZIALIZZAZIONE

I primi θ elementi di V^I sono i più piccoli θ elementi di V ordinati in ordine crescente

CONSERVAZIONE

Corretto ad inizio e fine ciclo.

TERMINAZIONE

Corretto al termine dell'algoritmo.

7.4 Tempi di calcolo

CASO MIGLIORE e CASO PEGGIORE sono asintoticamente uguali. $T(n) = \theta(n^2)$

7.5 Caratteristiche

STABILE

No, il selection sort non è un algoritmo di ordinamento stabile in quanto scambiando l'elemento di posizione i con l'elemento più piccolo dell'array, non sempre mantiene l'ordine originale degli elementi uguali nel vettore.

IN PLACE

Si, il selection sort è un algoritmo di ordinamento in place in quanto non utilizza altre strutture dati per ordinare il vettore in input.

Insertion sort

8.1 Pseudocodice

```
INSERTION_SORT (V)

for i := 2 to V.length

    j := i - 1
    key := V[i]

while j >= 1 AND V[j] > Key

    V[j + 1] := V[j]
    V[j] := Key
    j := j - 1
```

8.2 Funzionamento

Si parte dal secondo elemento del vettore in input e si controlla se l'elemento precedente è minore, nel caso si scambiano i due valori, si continua successivamente con l'elemento i + 1 fino alla fine dell'array.



8.3 Correttezza

All'inizio di ogni iterazione i primi i-1 elementi di \boldsymbol{V}^I sono i primi i-1 elementi di \boldsymbol{V} in ordine crescente.

INIZIALIZZAZIONE

Il primo elemento di ${\it V}^{\it I}$ è il primo elemento di ${\it V}$ in ordine crescente

CONSERVAZIONE

Vero ad inizio e fine ciclo

TERMINAZIONE

Vero a fine algoritmo

8.4 Tempi di calcolo

CASO MIGLIORE

Il vettore V è già ordinato. Tmigl(n) = $\theta(n) \rightarrow T(n) = \Omega(n)$

CASO PEGGIORE

V è ordinato in senso decrescente. Tpegg(n) = $\theta(n^2)$ -> T(n) = $O(n^2)$

8.5 Caratteristiche

STABILE

Si l'insertion sort è un algoritmo di ordinamento stabile in quanto mantiene l'ordine degli elementi uguali tra di loro.

IN PLACE

Si l'insertion sort è un algoritmo di ordinamento in place in quanto non utilizza strutture d'appoggio per eseguire le sue operazioni.

Mergesort

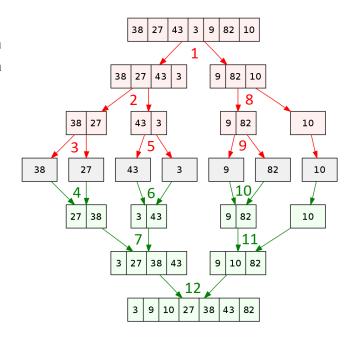
9.1 Pseudocodice

```
MERGESORT (V,1, r)
     if l < r then
           mid := floor[(1+r)/2]
           MERGESORT (V, 1, mid)
           MERGESORT (V, mid+1, r)
           MERGE (V,1, mid, r)
MERGE (V, 1, mid, r)
     T := Vettore di lunghezza r-l + 1
     i := 1
     j := mid + 1
     k := 1
     while i <= mid AND j <= r do
           if V[i] <= V[j] then
                T[k] := V[i]
                i := i + 1
           else
                T[k] := V[j]
                j := j + 1
           k := k + 1
     while i <= min do
           T[k] := V[i]
           i := i + 1
           k := k + 1
     for k := 1 to T.length do
           V[1 + k - 1] := T[k]
```

9.2 Funzionamento

Il mergesort utilizza la strategia di programmazione **divide et impera** per ridurre il problema in più sottoproblemi.

Una volta ottenuti i singoletti e arrivati nel caso base si esegue la procedura di merge, andando a unire i singoletti riordinandoli durante il processo.



9.3 Tempi di calcolo

a = 2 (volte che viene chiamato il metodo ricorsivo)

b = 2 (in quante porzioni divido l'array [mid = l+r / 2]

 $f(n) = \theta(n)$ (righe di codice che non c'entrano con la ricorsione)

quindi applico il secondo caso del teorema del maestro:

$$\theta(n) = \theta(n^{\log_2 2}) \rightarrow \theta(n) = \theta(n) \rightarrow \mathsf{T}(\mathsf{n}) = \theta(n^{\log_2 2} \cdot \log n) \rightarrow \mathsf{T}(\mathsf{n}) = \theta(n \cdot \log n)$$

Ricerca Dicotomica

Problema: Ricerca di un elemento in un vettore V ordinato.

Input: un vettore V di n elementi e un intero x.

Output: un intero n t.c. $n \in V \land n = x$

10.1 Pseudocodice

```
Ricerca_Dicotomica(V, x, 1, r)

if r < 1 then
    return false

if r = 1 then
    return x == V[1]

mid := floor(\frac{l+r}{2})

if x > V[mid] then
    return Ricerca_Dicotomica(V, x, mid + 1, r)

else
    return Ricerca_Dicotomica(V, x, 1, mid)
```

10.2 Tempi di calcolo

Caso migliore e caso peggiore sono **asintoticamente uguali**: $T(n) = \Theta(\log_2 n)$.

Problema di selezione

Input: un vettore V di n interi distinti, un intero \mathbf{i} t.c $1 \le i \le n$. **Output:** Il valore di V che è maggiore di esattamente i-1 elementi di V.

11.1 Pseudocodice

```
SELEZIONE (V, i, 1, r)

if 1 = r then
    return V[1]

cut := RANDOM_PARTITION (V, 1, r)
    dim_sx := cut - 1 + 1

if i <= dim_sx then
    return SELEZIONE (V, i, 1, cut)

return SELEZIONE (V, i - dim_sx, cut + 1, V)</pre>
```

11.2 Tempi di calcolo

Caso peggiore: $\theta(n^2)$

Caso migliore: $\theta(n)$

Si può notare che il caso peggiore è $\theta(n^2)$ quindi asintoticamente maggiore del caso peggiore di un algoritmo di ordinamento come il mergesort, che potremmo usare per riordinare il nostro vettore in input e risolvere facilmente il nostro problema di ricerca, quindi, perchè usare questo algoritmo e non ordinare l'array prima col mergesort?

Utilizzando random partition rendiamo l'algoritmo randomico e non più deterministico ed il suo tempo di calcolo diventa $\theta(n)$ in quanto non consideriamo il caso peggiore essendo un evenienza molto sfortunata e improbabile con l'approccio randomico, per cui l'algoritmo di selezione sviluppato è asintoticamente più veloce rispetto al mergesort, essendo $\theta(n)$ asintoticamente minore di $\theta(n)$.

Counting sort

12.1 Pseudocodice

```
COUNTING_SORT (A, k)

C := vettore di k elementi

for i := 1 to k
        C[i] := 0

for j := 1 to A.length
        C[A[j]] := C[A[j] + 1]

for i := 2 to k
        C[i] := C[i - 1] + C[i]

B := vettore con n elementi

for j := A.length down to 1
        B[C[A[j]]] := A[j]
        C[A[j]] := C[A[j]] - 1

return B
```

12.2 Tempi di calcolo

```
Primo for: \theta(k)

Secondo for: \theta(n)

Terzo for: \theta(k)

Quarto for: \theta(n)

T(n, k) = \theta(n + k) \qquad con \ k = O(n)
\to T(n) = \theta(n)
```

Radix sort

13.1 Funzionamento

Ordina l'array iniziando l'ordinamento dalla cifra meno significativa e scalando fino a quella più significativa, è conveniente usarlo su array di dimensioni non troppo elevate, in modo da sfruttare al massimo il suo tempo di esecuzione lineare.

13.2 Pseudocodice

```
RADIXSORT(A)
```

for i := 1 to k
 ordina A secondo l'i-esima cifra meno significativa con
 ord.stabile

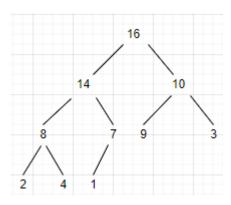
Heap Binario

14.1 Definizione

Memorizzato come array + **proprietà**, ma che può essere visto come albero binario quasi completo (completo almeno a sinistra).

Come memorizziamo l'heap:

Come vediamo l'heap:



Come calcoliamo la posizione dei nodi nell'array:

```
parent(i) := floor (\frac{i}{2})
left(i) := 2 \cdot i
```

 $right(i) := (2 \cdot i) + 1$

14.2 Proprietà

```
<u>length</u> → quanti elementi contiene l'array 
<u>heap_size</u> → quanti elementi dell'array sono nell'heap 
<u>max heap</u> → un heap che soddisfa: A[parent(i)] \ge A[i] 
<u>min heap</u> → un heap che soddisfa: A[parent(i)] \le A[i]
```

Attenzione: Se un array non rispetta almeno una tra le proprietà max-heap e min-heap allora l'array **non è** un heap.

14.3 Nomenclatura

- 1. <u>altezza di un nodo</u>: numero di archi del cammino più lungo dal nodo stesso ad una sua foglia.
- 2. <u>altezza heap</u>: altezza dalla radice

 $h \rightarrow quanti nodi ha un heap di altezza h?$

1. Max =
$$\sum_{i=0}^{h} i = 2^{h+1} - 1$$

- **2.** Min = 2^h
- 3. $\underline{MAX_HEAP}$: A[parent(i)] >= A[i]
- 4. MIN_HEAP: A[parent(i)] <= A[i]</pre>

14.4 Max Heapify

Pseudocodice:

MAXHEAPIFY (A, i)

largest := i

Tempi di calcolo:

```
In base all'altezza: T(h) = O(h)
In base all'heap_size: T(n) = O(\log n)
```

14.5 Build heap

Pseudocodice:

BUILD_HEAP (A)

A.heap_size := A.length

for $i := floor(\frac{A.length}{2})$ down to 1 do MAXHEAPIFY (A, i)

Tempi di calcolo:

$$T(n) \leq \frac{n}{2} O(\log n) = O(n \log n) \rightarrow$$
 stima molto pessimistica

Dato un heap con n elementi quanti nodi avranno altezza h?

- 1. Ultimo foglia ha indice n
- 2. Ultimo nodo ad h = 1 \rightarrow floor $(\frac{n}{2})$
- 3. # foglie ? n floor $(\frac{n}{2})$ = ceiling $(\frac{n}{2})$ \rightarrow ceiling $(\frac{n}{2})$
- 4. Ultimo nodo ad altezza 2 \rightarrow floor $(\frac{n}{4})$
- 5. # n nodi ad h = 1 \rightarrow floor $(\frac{n}{2})$ floor $(\frac{n}{4})$ \rightarrow ceiling $(\frac{n}{4})$

 \rightarrow n nodi ad altezza h = ceiling $(\frac{n}{2^{h+1}})$

$$T(n) \leq \sum_{h=0}^{\log n} ceiling(\frac{n}{2^{h+1}}) \cdot O(h) = O(n \cdot \sum_{h=0}^{\log n} ceiling(\frac{h}{2^{h+1}})) = O(n)$$

14.6 Heap sort

Pseudocodice:

```
HEAPSORT (A)

BUILDMAXHEAP(A)

for i := A.length down to 2 do
    scambia A[1] con A[i]
    A.heap_size := A.heap_size - 1
    MAXHEAPIFY(A,1)
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

$$T(n) = O(n) + O(n \log n) = O(n \log n)$$

Coda con priorità

15.1 Procedure

- 1. Insert (S, x) $\rightarrow S = S \cup \{x\}$
- 2. ExtractMax (S) \rightarrow x (elemento di S con priorità più alta)
- 3. IncreaseKey (S, x, k) \rightarrow modifica la priorità dell'elemento x con k

15.2 Extract max

Pseudocodice:

```
HEAPEXTRACTMAX (A)

if A.heap_size < 1 then
    error "underflow"

max := A[1]</pre>
```

max := A[1]
A[1] := A[A.heap_size]
A.heap_size := A.heap_size - 1
MAXHEAPIFY (A, 1)
return max

<u>Tempi di calcolo</u>:

```
T(n) = O(\log n)
```

15.3 Increase key

Pseudocodice:

```
HEAPINCREASEKEY (A, i, k)

if A[i] > k then
    error "Key minore"

A[i] := k

while i > 1 AND A[parent(i)] < A[i] do
    scambia A[i] con A[parent(i)]
    i := parent(i)</pre>
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

$$T(n) = O(\log n)$$

15.4 Insert

Pseudocodice:

```
HEAPINSERT (A, k)

if A.length = A.heap_size then
        error "overflow"

A.heap_size = A.heap_size + 1
A[heap_size] = -inf
HEAPINCREASEKEY (A, A.heap_size, k)
```

Tempi di calcolo:

```
T(n) = O(\log n)
```

Strutture dati dinamiche

16.1 Operazioni

```
k \rightarrow valore , x \rightarrow posizione
```

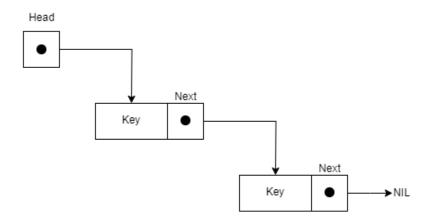
- 1. Search (S, k)
- 2. Insert (S, x)
- 3. Delete (S, x)
- 4. Maximum (S) / Minimum (S)
- 5. Predecessor (S, x) / Successor (S, x)

16.2 Implementazione

Metodo	Array	Array ordinato
<u>Search</u>	T(n) = O(n)	$T(n) = O(\log n)$
<u>Insert</u>	T(n) = 0(1)	T(n) = O(n)
<u>Delete</u>	T(n) = 0(n)	T(n) = O(n)
Max / Min	T(n) = 0(n)	T(n) = O(1)
Pred / Succ	T(n) = O(n)	T(n) = O(1)

Liste concatenate

17.1 Struttura



17.2 List search

Pseudocodice:

```
LISTSEARCH (L, k)

x := L.head

while x ≠ NIL AND x.key ≠ k do

x := x.next

return x
```

Tempi di calcolo:

$$T(n) = O(n)$$

17.3 List insert

Pseudocodice:

```
LISTINSERT (L, k)
     x.next := L.head
     L.head := x
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

```
T(n) = O(1)
```

17.4 List delete

Pseudocodice:

```
if L.head = x then
    L.head := x.next
    x.next := NIL
else
    y := L.head
    while y.next ≠ x do
        y := y.next

y.next := x.next
    x.next := NIL
```

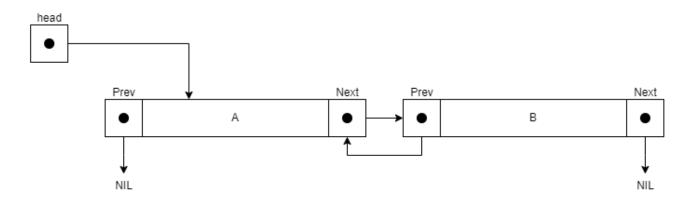
Tempi di calcolo:

```
Caso migliore: L'elemento da eliminare è la testa della lista Tmigl(n) = \theta(1)
```

Caso peggiore: L'elemento da eliminare è l'ultimo della lista $Tpegg(n) = \theta(n)$

Liste doppiamente concatenate

18.1 Struttura



18.2 DL List Insert

Pseudocodice:

```
DlListInsert (L, k)
    x.prev := NIL
    x.next := L.head

if L.head ≠ NIL then
        L.head.prev := x
L.head := x
```

Tempi di calcolo:

$$T(n) = O(1)$$

18.2 DL List Delete

<u>Pseudocodice</u>:

<u>Tempi di calcolo</u>:

$$T(n) = O(1)$$

Stack / Pile

19.1 Definizione

Gli Stack utilizzano la politica di gestione LIFO (Last in first out)

Procedure:

- 1. **Push** (insert)
- 2. Pop (delete)
- 3. StackEmpty (ritorna true se la lista è vuota, false altrimenti)
- 4. **Top** (ritorna l'elemento in cima alla lista senza rimuoverlo)

Attributi:

 $\mbox{top} \rightarrow \mbox{indice}$ che indica dove si dovrà inserire il prossimo elemento

19.2 Tempi di calcolo

	Array	Lista
<u>Push</u>	θ(1)	θ(1)
<u>Pop</u>	θ(1)	θ(1)
<u>StackEmpty</u>	θ(1)	θ(1)
Тор	θ(1)	θ(1)

19.3 Stack search

Pseudocodice:

```
StackSearch (S, k)
    found := false
    S2 := stack vuoto

while not StackEmpty(S) AND not found do:
    x := pop (S)
    push (S2, x)

    if x = k then
        found := TRUE

while not StackEmpty (S2) do:
    x := pop (S2)
    push (S, x)

return found

Tempi di calcolo:

Caso migliore: L'elemento è in testa

Tmigl(n) = θ(1)
```

Caso peggiore: L'elemento non è presente

 $Tpegg(n) = \theta(n)$

19.4 Stack delete element

```
Pseudocodice:

StackDeleteEl (S, k)

found := FALSE

while not StackEmpty(S) AND not found do:
    x := Pop(S)

    if (x = k) then
        found := TRUE
    else
        Push (S2, x)

while not StackEmpty(S2) do:
    Push (S, Pop(S2))

Tempi di calcolo:

Caso migliore: k è il primo elemento

Tmigl(n) = 0(1)

Caso peggiore: k non è presente
```

 $Tpegg(n) = \theta(n)$

19.5 Stack sorted insert

Pseudocodice:

 $Tpegg(n) = \theta(n)$

```
StackSortedInsert (S, k)

S2 := stack vuoto

while not StackEmpty(S2) AND Top(S) < k do:
    x := Pop(S)
    Push (S2, x)

Push (S, k)

while not StackEmpty(S2) do:
    Push (S, Pop(S2))

Tempi di calcolo:

Caso migliore: k < Top(s)

Tmigl(n) = 0(1)

Caso peggiore: k è il massimo
```

Queue / Coda

20.1 Definizione

Le Queue utilizzano la politica di gestione FIFO (First in first out)

Procedure:

- 5. Enqueue (insert)
- 6. **Dequeue** (delete)
- 7. QueueEmpty (ritorna true se la coda è vuota, false altrimenti)
- 8. **Head** (ritorna l'elemento in testa alla coda senza rimuoverlo)

Attributi:

tail → posizione in cui inserire
head → posizione da cui estrarre

20.2 Tempi di calcolo

	Array	Lista
<u>Enqueue</u>	θ(1)	$\theta(1)$
<u>Dequeue</u>	θ(1)	θ(1)
QueueEmpty	θ(1)	θ(1)
Тор	θ(1)	θ(1)

20.3 Queue search

Pseudocodice:

```
QueueSearch (Q, k)

found := FALSE
Q2 := coda vuota

while not QueueEmpty(Q) do:

    x := Dequeue(Q)
    Enqueue (Q2, x)

    if x = k then
        found := TRUE

while not QueueEmpty(Q2) do:
    Enqueue (Q, Dequeue(Q2))
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

 $\textbf{Caso migliore} \ \textbf{e} \ \textbf{caso peggiore} \ \textbf{coincidono} \,.$

$$T(n) = \theta(n)$$

20.4 Queue sorted insert

<u>Pseudocodice</u>:

<u>Tempi di calcolo</u>:

Caso migliore e caso peggiore coincidono (lavorando con le code per riformare la coda iniziale va prima svuotata completamente e poi riempita, per questo caso migliore e peggiore coincidono). $T(n) = \theta(n)$.

Albero binario di ricerca

21.1 Definizione

è un albero binario tale che per ogni nodo vale la **proprietà degli alberi** binari di ricerca (P.A.B.R).

<u>P.A.B.R</u>:

Sia x un nodo

- Se y è un discendente del sottoalbero sinistro allora x.key >= y.key.
- Se y è un discendente del sottoalbero destro allora x.key <= y.key.

21.2 Inorder visit

Pseudocodice:

Tempi di calcolo:

 $T(n) = \theta(n)$ \rightarrow Eseguo un operazione costante (visita del nodo / arco) per n volte

21.3 Preorder visit

Pseudocodice:

```
PreorderVisit (x)

if x ≠ NIL:
    print (x.key)
    PreorderVisit (x.sx)
    PreorderVisit (x.dx)
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

 $T(n) = \theta(n)$ \rightarrow Eseguo un operazione costante (visita del nodo / arco) per n volte

21.4 Postorder visit

Pseudocodice:

```
PostorderVisit (x)

if x ≠ NIL:

PostorderVisit (x.sx)

PostorderVisit (x.dx)

print (x.key)
```

Tempi di calcolo:

 $T(n) = \theta(n)$ \rightarrow Eseguo un operazione costante (visita del nodo / arco) per n volte

21.5 Bst search

Pseudocodice ricorsivo:

```
if x = NIL then
    return NIL

if x.key = k then
    return x

if k < x.key
    return BST_Search (x.sx, k)</pre>
```

<u>Pseudocodice iterativo</u>:

Tempi di calcolo:

Va definito in base all'altezza dell'albero.

Caso migliore: L'elemento che cerco è la key della radice $\to T(n) = \Omega(1)$ Caso peggiore : L'elemento che cerco non è presente $\to T(n) = O(h)$

con h = O(n), $h = \Omega(\log n)$

return x

21.6 Bst min / max

<u>Pseudocodice:</u>

<u>Tempi di calcolo</u>:

Va definito in base all'altezza dell'albero.

Caso migliore: il min / max è la radice \rightarrow T(n) = $\Omega(1)$

Caso peggiore : devo scorrere tutto l'albero $\rightarrow T(n) = O(h)$ con h = O(n), $h = \Omega(\log n)$

21.7 Bst successor

<u>Pseudocodice:</u>

```
BST_Successor (x)

if x.dx ≠ NIL then
    return BST_min (x.dx)

y := x.parent

while y ≠ NIL AND x = y.dx do
    x := y
    y := y.parent

return y
```

Tempi di calcolo:

$$T(n) = O(h)$$
 con $h = O(n)$, $h = \Omega(\log n)$

21.8 Bst insert

<u>Pseudocodice:</u>

```
BST_Insert (T, z)
     x := T.root
     y := NIL
     while x \neq NIL then
           if z.key < x.key then
                y := x
                x := x.sx
           else
                y := x
                x := x.dx
     z.parent := y
     if y \neq NIL then
          T.root := z
     else if z.key < y.key then
          y.sx := z
     else
          y.dx := z
```

Tempi di calcolo:

Caso peggiore: $T(n) = O(h) \quad \text{con } h = O(n), h = \Omega(\log n)$

21.9 Bst delete

Pseudocodice:

```
BST_Delete (T, x)
     if x.sx = NIL AND x.dx = NIL then
           if x.parent = NIL then
                T.root := NIL
           else if x = x.parent.sx then
                x.parent.sx := NIL
           else
                x.parent.dx := NIL
     else if x.dx = NIL then
           contrazione_nodo (T, x, x.sx)
     else if x.sx = NIL then
           contrazione_nodo (T, x, x.dx)
     else
           y := BST_min(x.dx)
           scambia x.key con y.key
           BST_delete (T, y)
```

Tempi di calcolo:

Caso peggiore: $T(n) = O(h) \quad \text{con } h = O(n), h = \Omega(\log n)$

21.10 Contrazione nodo

Pseudocodice:

```
contrazione_nodo (T, x, child)
   if x.parent = NIL then
        T.root := child
        child.parent := NIL
   else if x = x.parent.sx then
        x.parent.sx := child
        child.parent := x.parent
   else
        x.parent.dx := child
   child.parent := x.parent
```

Grafi

22.1 Definizione

```
G = (V, E) \rightarrow V = insieme finito di elementi (vertici)

E = insieme finito di elementi (archi)
```

I grafi possono essere:

- 1. <u>orientati / digrafi / diretti</u>
- 2. <u>non orientati</u>

Cammino da V a U: $\langle v0, v1, ..., vk \rangle t. c Vi \in V, v0 = V, vk = U, (Vi, Vi + 1) \in E$

Vertici adiacenti: Vertici collegati da un arco

Grado di un vertice: Numero di archi che coinvolgono un nodo:

- 1. <u>Grado in entrata</u> → archi in entrata
- 2. <u>Grado in uscita</u> → archi in uscita

22.2 Rappresentazione

- 1. <u>Liste di adiacenza</u>: array di liste concatenate
 - a. Ogni posizione dell'array contiene una lista contenente tutti i vertici adiacenti al vertice osservato
 - b. Il numero di nodi presenti in una lista di adiacenza corrisponde al doppio degli archi presente nel grafo non orientato, in caso di grafo orientato il numero di nodi presente nella lista è uguale al numero di archi.

2. Matrice di adiacenza:

a. Il numero di 1 presenti nella matrice è uguale al doppio degli archi presenti nel grafo non orientato, in caso di grafo orientato il numero di 1 presenti nella matrice è uguale al numero di archi.

22.3 Tempi di calcolo

	Matrice di adiacenza	Lista di adiacenza
<u>Spazio occupato</u>	θ(V ^2)	$\theta(V + E)$
Ricerca di un elemento	θ(1)	θ(grado (U))
Elencare gli adiacenti	θ(V)	θ(grado(V))

22.4 Stampa cammino

Pseudocodice:

```
Stampa_cammino (V)

if v.d := +inf then
    print "no cammino"

else if v.pred = NIL then
    print v

else
    Stampa_cammino (v.pred)
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

```
T(n) = \theta(|V|)
```

22.5 Visita in ampiezza (BFS)

Pseudocodice:

```
BFS_Visit (G, s)
     foreach v \in G.V
           v.d := +inf
           v.color := BIANCO
           v.pred := NIL
     s.color := GRIGIO
     s.d := 0
     s.pred := NIL
     Q := coda vuota
     Enqueue (Q, s)
     while not Queue_Empty (Q) do
           V := Dequeue (Q)
           foreach u \in G.Adj[V]
                 if u.color = BIANCO then
                      u.color := GRIGIO
                      u.d := v.d + 1
                      u.pred := V
                      Enqueue (Q, v)
           v.color := NERO
```

<u>Tempi di calcolo</u>:

```
T(n) = \theta(|V| + |E|) \rightarrow
```

Il primo foreach viene eseguito tante volte quanti sono i nodi, mentre il while viene eseguito tante volte quanti sono gli archi, per cui il tempo totale è la somma tra la cardinalità dei nodi e degli archi.

22.6 Visita in profondità (DFS)

Pseudocodice:

```
DFS (G)
      foreach v \in G.V
           v.color := BIANCO
           v.pred = NIL
      time := 0
      foreach v \in G.V
            if v.color = BIANCO then
                  DFS_visit (G, v)
DFS_visit (G,v)
      v.color := GRIGIO
      time := time + 1
      v.d := time
      foreach u \in G.Adj[V]
            if u.color = BIANCO then
                  u.pred := v
                  DFS_visit (G, u)
      v.color := NERO
      time := time + 1
      v.f := time
Tempi di calcolo:
T(n) = \theta(|V| + |E|) \rightarrow \text{Lineare nella dimensione dell'input (con
```

implementazione tramite lista di adiacenza)

22.7 Teorema: Struttura di parentesi

 $\forall u, v \in V$ esattamente un caso è vero:

- 1. $u.d < v.d < v.f < u.f \rightarrow v$ è discendente di u
- 2. $v.d < u.d < u.d < v.f \rightarrow u \ e$ discendente di v
- 3. [u.d,u.f] e [v.d,v.f] sono disgiunti e ne v è discendente di u ne u è discendente di v

22.8 Classificazione archi

- **1. TREE EDGE** = $(u,v) \in E \rightarrow v$ è stato scoperto dalla visita di u, v era BIANCO
- **2. BACK EDGE** = $(u,v) \in E \rightarrow u$ è discendente di v, v era GRIGIO
- **3. FWD EDGE** = $(u,v) \in E \rightarrow v$ è discendente non diretto di u, v era NERO e u.d < v.d < v.f < u.f
- **4. CROSS EDGE** = $(u,v) \in E \rightarrow se non è uno degli altri tre$

Teorema:

G è un DAG se e solo se la DFS non classifica come **back edge** qualche arco di G.

22.9 Ordinamento topologico di un DAG

Pseudocodice:

Top_sort (G)

DFS (G)

return vertici ordinati in senso decrescente per finishing time

Tempo di calcolo:

 $T(n) = \theta(|V| + |E|) \rightarrow \text{dovuto al DFS, l'ordinamento richiede tempo } \theta(|V|) \text{ se implementato correttamente.}$