



Vilniaus Universitetas

# Logistinė regresija

Laboratorinis darbas

Darbą atliko:

Vainius Gataveckas, Matas Gaulia, Dovydas Martinkus

Duomenų Mokslas

3 kursas 2 gr.

Vilnius, 2022

## Naudoti metodai

Darbas atliktas naudojant R ir SAS.

Naudoti R paketai:

*tidyverse*

*caret*

*MASS*

*cutpointr*

*yardstick*

*effects*

## Duomenys ir jų šaltiniai

Pimų tautybės moterų diagnostiniai matavimai skirti nustatyti ar pacientas sergama diabetu.

Duomenų šaltinis - Kaggle. Prieiga per internetą: <https://www.kaggle.com/uciml/pima-indians-diabetes-database>

„Pregnancies“ - neštumų kiekis.

„Glucose“ - gliukozės koncentracija plazmoje gliukozės tolerancijos testo metu.

„BloodPressure“ - diastolinis kraujo spaudimas.

„BMI“ – kūno masės indeksas.

„SkinThickness“ - tricepso odos plotis.

„Insulin“ - gliukozės tolerancijos testo rezultatas.

„DiabetesPedigreeFunction“ - diabeto tikėtinumas remiantis šeimos istorija.

„Age“ – amžius.

„Outcome“ – diabeto diagnozė (atsako kintamasis).

## Tikslas ir uždaviniai

Tikslas: Rasti kokią įtaką tam tikri požymiai daro tikimybei sirgti diabetu ir prognozuoti diagnozę ar pacientas serga diabetu.

Uždaviniai:

Sudaryti binarinio atsako modelį.

Modelio tinkamumo analizė.

Paprastesnio (turinčio mažiau kovariančių) modelio suradimas.

Gautų modelio koeficientų interpretacija.

Slenkstinės reikšmės parinkimas.

# Atliktos analizės aprašymas

## 1. Naudojant R

Duomenų aibę sudaro duomenys apie 500 diabetų nesergančių ir 268 sergančių pacientų. Pašalinus praleistas reikšmes duomenų aibėje lieka duomenys apie 478 nesergančius ir 251 sergančius pacientus. Atliekant tiriamąją duomenų analizę palygintas kovariančių pasiskirstymas abiejose grupėse naudojant stačiakampes diagramas, pavaizduotos empirinės sirgimu diabetu tikimybės pagal kiekvieną kovariantę.

```
library(tidyverse)

y <- read_csv("diabetes.csv")
y <- y %>% filter(BloodPressure != 0, BMI != 0)

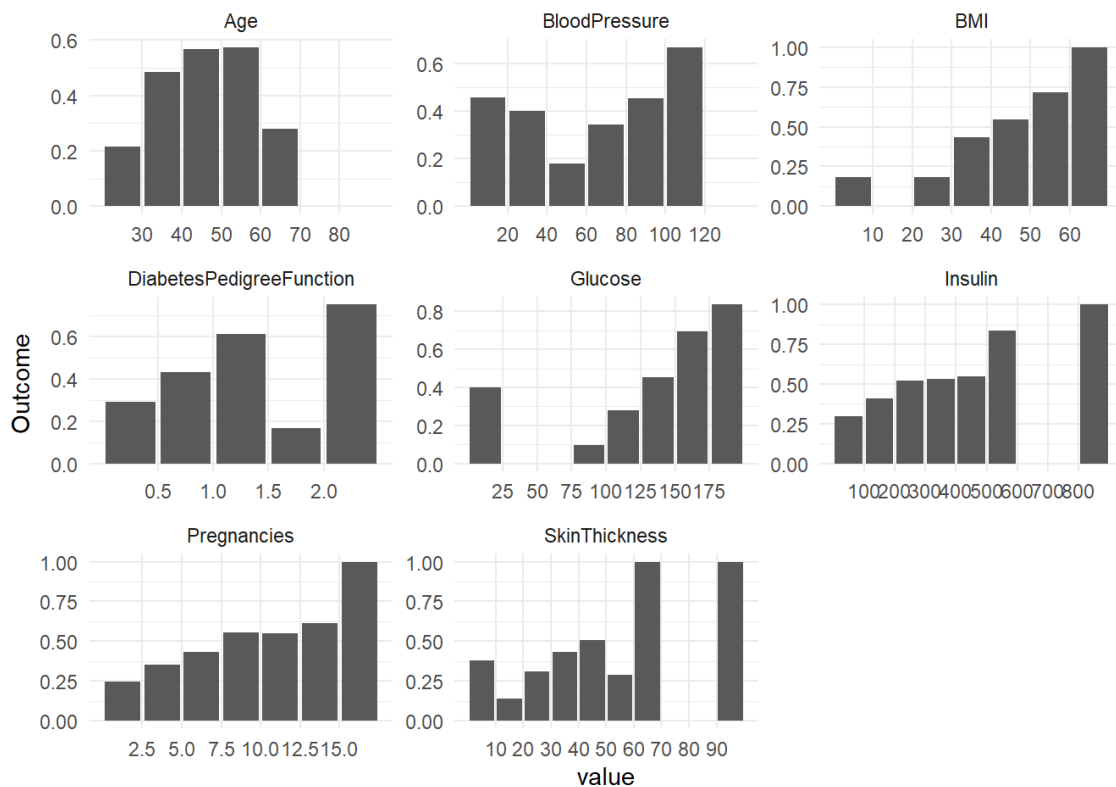
table(y$Outcome)

##
##    0    1
## 478 251

# Empirinės tikimybės

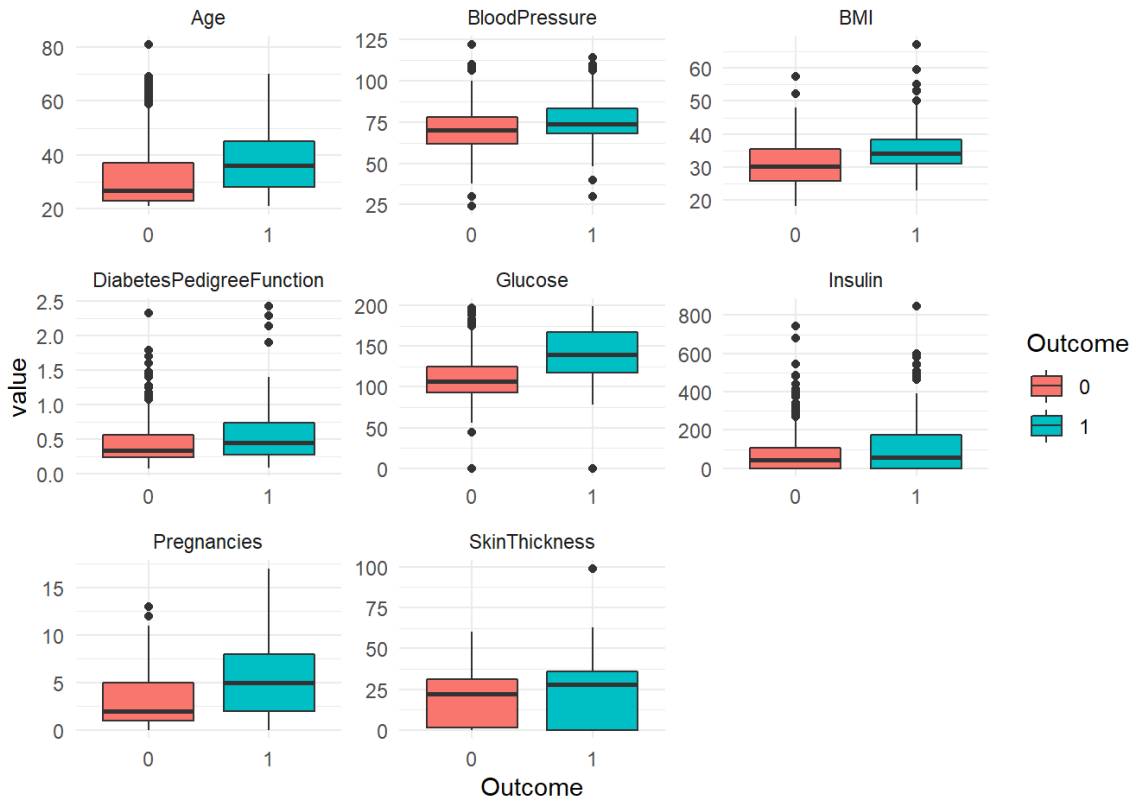
y_plot <- y %>% pivot_longer(1:8)

y_plot %>% ggplot(aes(value, Outcome)) +
  stat_summary(fun = mean, geom = "bar") +
  facet_wrap(vars(name), scales = "free") +
  scale_x_binned(n.breaks = 8) +
  theme_minimal()
```



```
# stačiakampės diagramos
y <- y %>% mutate(Outcome = factor(Outcome))
y_plot <- y_plot %>% mutate(Outcome = factor(Outcome))
```

```
y_plot %>% ggplot(aes(Outcome, value, fill = Outcome)) +
  geom_boxplot() +
  facet_wrap(vars(name), scales = "free") +
  theme_minimal()
```



```
library(caret)
library(yardstick)
```

```
model <- glm(
  formula = Outcome ~ ., family = binomial(logit),
  data = y
)
```

```
summary(model)
```

```
##
## Call:
## glm(formula = Outcome ~ ., family = binomial(logit), data = y)
##
## Deviance Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -2.5812  -0.7207  -0.4158   0.7383   2.8530
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept)  -8.8170408  0.8117630 -10.862  < 2e-16 ***
## Pregnancies    0.1150347  0.0330853   3.477 0.000507 ***
## Glucose        0.0336410  0.0037572   8.954  < 2e-16 ***
## BloodPressure -0.0100157  0.0086060  -1.164  0.244501
## SkinThickness  0.0007060  0.0070117   0.101  0.919797
## Insulin       -0.0010220  0.0009144  -1.118  0.263709
## BMI           0.0965139  0.0167561   5.760 8.42e-09 ***
## DiabetesPedigreeFunction 0.9995318  0.3061460   3.265 0.001095 **
```

```
## Age                0.0179745  0.0097612   1.841 0.065558 .
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##    Null deviance: 938.74  on 728  degrees of freedom
## Residual deviance: 687.32  on 720  degrees of freedom
## AIC: 705.32
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 5

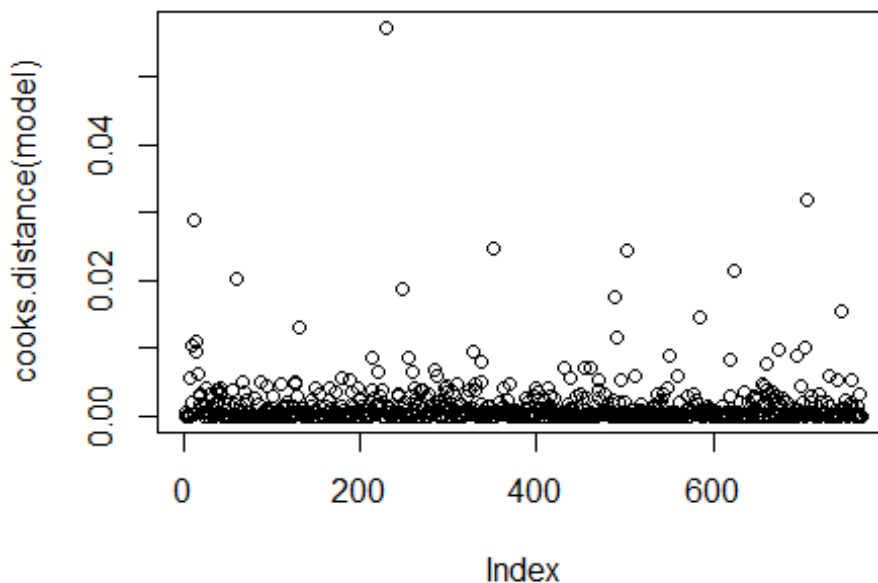
1-pchisq(model$null.deviance-model$deviance, model$df.null-model$df.residual) # globali nulinė hipotezė
(tikėtinaumo santykių testas likelihood ratio test)

## [1] 0

1-pchisq(model$deviance,model$df.residual) # residual goodness-of-fit testas

## [1] 0.8042267

# tikrinama, ar yra išskirtys
plot(cooks.distance(model))
```



```
confusionMatrix(factor(as.numeric(model$fitted.values > 0.5)), factor(y$Outcome),positive="1")

## Confusion Matrix and Statistics
##
##           Reference
## Prediction  0    1
##           0 424 109
##           1  54 142
##
##               Accuracy : 0.7764
##               95% CI : (0.7444, 0.8062)
##      No Information Rate : 0.6557
##      P-Value [Acc > NIR] : 8.155e-13
```

```
##
##           Kappa : 0.4776
##
## Mcnemar's Test P-Value : 2.341e-05
##
##           Sensitivity : 0.5657
##           Specificity : 0.8870
##           Pos Pred Value : 0.7245
##           Neg Pred Value : 0.7955
##           Prevalence : 0.3443
##           Detection Rate : 0.1948
##           Detection Prevalence : 0.2689
##           Balanced Accuracy : 0.7264
##
##           'Positive' Class : 1
##

# plotas po ROC
y_2 <- y %>% mutate(pred = model$fitted.values)
roc_auc(y_2, Outcome, pred, event_level = "second")

## # A tibble: 1 x 3
##   .metric .estimator .estimate
##   <chr>   <chr>       <dbl>
## 1 roc_auc binary      0.838
```

Sudarytas logit modelis, naudojantis visas duomenyse esančias kovariantes. Hipotezė apie reikšmingų koeficientų nebuvimą atmesta ( $p=0$ ). Pradinio modelio su visomis kovariantėmis (naudojant logit jungties funkciją) tikslumas (angl. accuracy) 78%, plotas po ROC kreive 0.84. Modelyje išskirčių nerasta (naudojant Kuko matą).

```
# reikšmingų kovariančių atranka
model_2 <- MASS::stepAIC(model, direction = "both")

## Start:  AIC=705.32
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + SkinThickness +
##           Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
##
##           Df Deviance    AIC
## - SkinThickness      1  687.33 703.33
## - Insulin             1  688.57 704.57
## - BloodPressure       1  688.68 704.68
## <none>                 1  687.32 705.32
## - Age                 1  690.71 706.71
## - DiabetesPedigreeFunction 1  698.41 714.41
## - Pregnancies         1  699.74 715.74
## - BMI                  1  723.25 739.25
## - Glucose              1  788.23 804.23
##
## Step:  AIC=703.33
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + Insulin + BMI +
##           DiabetesPedigreeFunction + Age
##
##           Df Deviance    AIC
## - BloodPressure       1  688.69 702.69
## - Insulin             1  688.71 702.71
## <none>                 1  687.33 703.33
## - Age                 1  690.71 704.71
## + SkinThickness       1  687.32 705.32
## - DiabetesPedigreeFunction 1  698.55 712.55
## - Pregnancies         1  699.76 713.76
## - BMI                  1  728.24 742.24
```

```

## - Glucose          1   789.65 803.65
##
## Step: AIC=702.69
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
##      Age
##
##              Df Deviance    AIC
## - Insulin      1   689.73 701.73
## <none>          1   688.69 702.69
## - Age          1   691.30 703.30
## + BloodPressure 1   687.33 703.33
## + SkinThickness 1   688.68 704.68
## - DiabetesPedigreeFunction 1   700.08 712.08
## - Pregnancies   1   700.82 712.82
## - BMI           1   729.18 741.18
## - Glucose       1   789.73 801.73
##
## Step: AIC=701.73
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
##      Age
##
##              Df Deviance    AIC
## <none>          1   689.73 701.73
## + Insulin      1   688.69 702.69
## + BloodPressure 1   688.71 702.71
## - Age          1   692.73 702.73
## + SkinThickness 1   689.63 703.63
## - DiabetesPedigreeFunction 1   700.49 710.49
## - Pregnancies   1   702.33 712.33
## - BMI           1   729.26 739.26
## - Glucose       1   796.02 806.02

anova(model, model_2, test = "Chisq") # modelis statistiškai reikšmingai nesiskiria nuo modelio su viso
mis kovariantėmis

## Analysis of Deviance Table
##
## Model 1: Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + SkinThickness +
##      Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
## Model 2: Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
##      Age
##   Resid. Df Resid. Dev Df Deviance Pr(>Chi)
## 1         720      687.32
## 2         723      689.73 -3   -2.4103    0.4917

model$aic
## [1] 705.3247

model_2$aic
## [1] 701.735

confusionMatrix(factor(as.numeric(model_2$fitted.values > 0.5)), factor(y$Outcome),positive="1")

## Confusion Matrix and Statistics
##
##              Reference
## Prediction    0     1
##      0  425 109
##      1   53 142
##
##              Accuracy : 0.7778
##              95% CI : (0.7458, 0.8075)

```



```

##      No Information Rate : 0.6557
##      P-Value [Acc > NIR] : 4.424e-13
##
##              Kappa : 0.4803
##
## Mcnemar's Test P-Value : 1.552e-05
##
##      Sensitivity : 0.5657
##      Specificity : 0.8891
##      Pos Pred Value : 0.7282
##      Neg Pred Value : 0.7959
##      Prevalence : 0.3443
##      Detection Rate : 0.1948
##      Detection Prevalence : 0.2675
##      Balanced Accuracy : 0.7274
##
##      'Positive' Class : 1
##

# koeficientų interpretacija
exp(coef(model_2))

##              (Intercept)              Pregnancies              Glucose
##      0.0001142755              1.1218074285              1.0322329981
##              BMI DiabetesPedigreeFunction              Age
##      1.0935207918              2.6354624042              1.0164328523

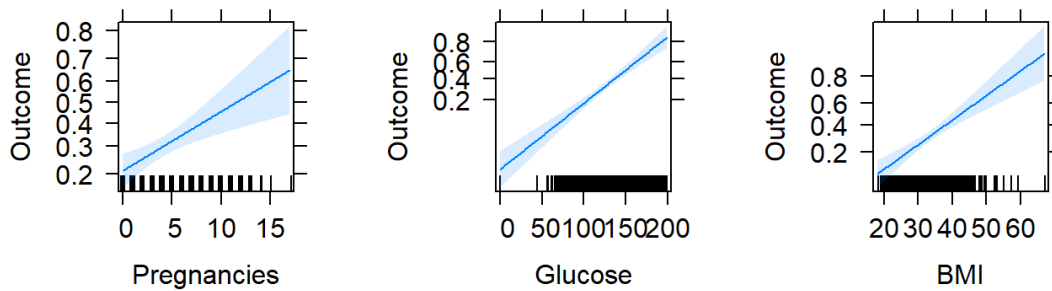
exp(confint(model_2))

##              2.5 %              97.5 %
## (Intercept)      2.548831e-05 0.0004624005
## Pregnancies      1.052473e+00 1.1973554245
## Glucose          1.025492e+00 1.0393887478
## BMI              1.062607e+00 1.1266938678
## DiabetesPedigreeFunction 1.471138e+00 4.7896731129
## Age              9.978306e-01 1.0353049391

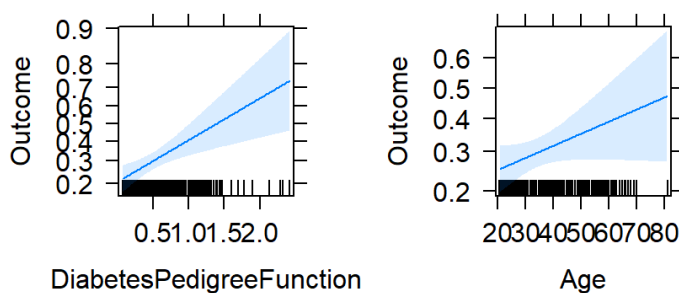
# modelio kovariačių efektai
library(effects)
plot(predictorEffects(model_2))

```

## pregnancies predictor effect plot glucose predictor effect plot BMI predictor effect plot



## DiabetesPedigreeFunction predictor effect plot Age predictor effect plot



Naudojant pažingsninę regresiją parinktas modelis be kovariančių „Insulin“, „BloodPressure“ ir „SkinThickness“. Rasta, kad šis modelis statistiškai reikšmingai nesiskiria nuo modelio su visomis kovariantėmis ( $p=0.74$ ). Modelio tikslumas 78%. Plotas po ROC kreive 0.84. Verta paminėti, kad šių metrikų reikšmės sutampa su prieš tai sudaryto sudėtingesnio modelio.

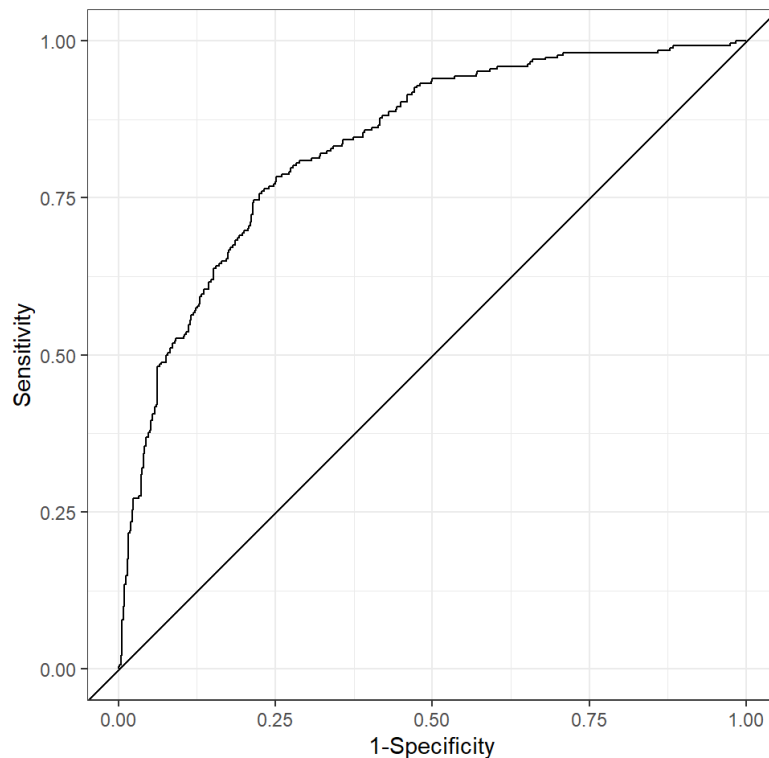
Modelio koeficientų interpretacija standartinė logit modeliui (pvz. Paciento kūno masės indeksui (angl. BMI) padidėjus 1, kitoms kovariantėms esant fiksuotoms, galimybė pacientui sirgti diabetu padidėja 1.09 kartų).

```
# ROC kreivė
library(cutpointnr)

y_2 <- y %>% mutate(pred = model_2$fitted.values)

cp <- cutpointnr(y_2, pred, Outcome,
  pos_class = "1", direction = ">=",
  method = maximize_metric, metric = youden
)

cp$roc_curve[[1]] %>%
  ggplot(aes(x = 1 - tnr, y = tpr)) +
  geom_path() +
  coord_equal() +
  geom_abline() +
  theme_bw() +
  xlab("Specificity") +
  ylab("1-Sensitivity")
```



Atsižvelgiant į didesnį nesergančių pacientų kiekį duomenyse (stulp. "Outcome" reikšmė 0) laikyta, kad ROC kreivė gali teigti per daug optimistišką informaciją apie modelio kokybę. Papildomai pavaizduotas modelio Precision-Recall grafikas. Atsižvelgiant į uždavinio specifiką (laikyta, kad neteisingai diagnozuotos neigiamos diagnozės (False Negative) kaina didesnė už neteisingai diagnozuotą teigiamą diabeto diagnozę (False Positive)) modeliui siekta parinkti kitą slenkstinę reikšmę (angl. cutoff value).

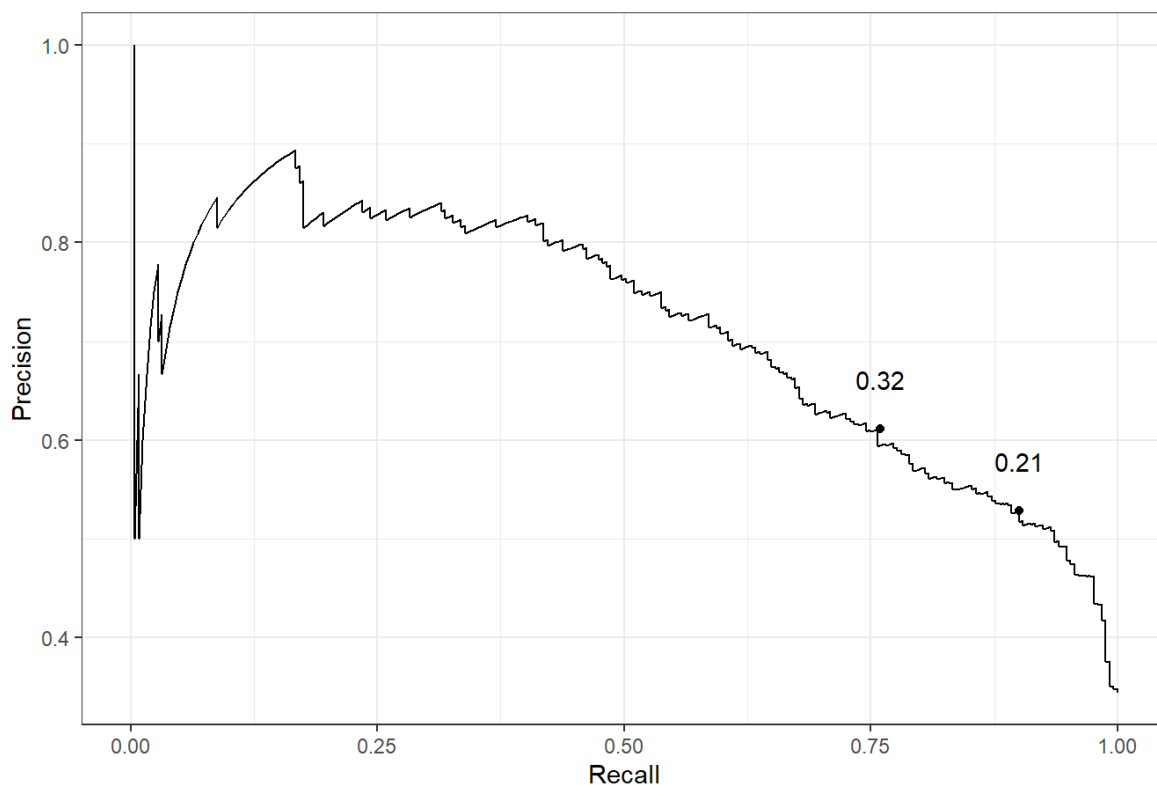
```
roc_auc(y_2, Outcome, pred, event_level = "second")

## # A tibble: 1 x 3
##   .metric .estimator .estimate
##   <chr>   <chr>      <dbl>
## 1 roc_auc binary      0.837

# dėl didelio TN skaičiaus ROC rezultatai gali būti per daug optimistiški, todėl papildomai naudojama P
# R kreivė
cutoff <- cp$roc_curve[[1]] %>%
  filter(tp > 0.9) %>%
  pull(m) %>%
  max()

labels <- filter(cp$roc_curve[[1]], (m %in% c(max(m), cutoff))) %>% round(2)

cp$roc_curve[[1]] %>%
  ggplot(aes(x = tpr, y = tp / (fp + tp))) +
  geom_point(data = labels) +
  geom_text(data = labels, aes(label = x.sorted), nudge_y = 0.05) +
  geom_path() +
  coord_equal() +
  theme_bw() +
  xlab("Recall") +
  ylab("Precision")
```



```
# slenkstinių reikšmių parinkimas
# suskaičiuojamos optimalios slenkstinės reikšmės pagal Youden-J statistic ir pasirinkus ribą Sensitivity > 0.9
# (t.y. siekiant aptikti bent 90% sergančiųjų)
```

```
# klasifikavimo lentelė su pasirinkta nauja slenkstine reikšme
confusionMatrix(factor(as.numeric(model_2$fitted.values > 0.21)), factor(y$Outcome), positive="1")
```

```
## Confusion Matrix and Statistics
```

```
##
```

```
##           Reference
```

```
## Prediction  0    1
```

```
##           0 279  27
```

```
##           1 199 224
```

```
##
```

```
##           Accuracy : 0.69
```

```
##           95% CI : (0.655, 0.7234)
```

```
## No Information Rate : 0.6557
```

```
## P-Value [Acc > NIR] : 0.02734
```

```
##
```

```
##           Kappa : 0.4095
```

```
##
```

```
## McNemar's Test P-Value : < 2e-16
```

```
##
```

```
##           Sensitivity : 0.8924
```

```
##           Specificity : 0.5837
```

```
##           Pos Pred Value : 0.5296
```

```
##           Neg Pred Value : 0.9118
```

```
##           Prevalence : 0.3443
```

```
##           Detection Rate : 0.3073
```

```
##           Detection Prevalence : 0.5802
```

```
##           Balanced Accuracy : 0.7381
```

```
##
```

```
##           'Positive' Class : 1
```

```
##
```

```

# palyginimas su probit modeliu
model_3 <- glm(
  formula = Outcome ~ ., family = binomial(probit),
  data = y
)

model_3 <- MASS::stepAIC(model_3,direction = "both")

## Start: AIC=706.29
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + SkinThickness +
## Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
##
##               Df Deviance    AIC
## - SkinThickness      1   688.38 704.38
## - BloodPressure      1   689.66 705.66
## - Insulin            1   689.81 705.81
## <none>                1   688.29 706.29
## - Age                1   692.59 708.59
## - DiabetesPedigreeFunction 1   698.26 714.26
## - Pregnancies        1   701.34 717.34
## - BMI                1   726.64 742.64
## - Glucose            1   786.31 802.31
##
## Step: AIC=704.38
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + Insulin + BMI +
## DiabetesPedigreeFunction + Age
##
##               Df Deviance    AIC
## - BloodPressure      1   689.75 703.75
## - Insulin            1   689.85 703.85
## <none>                1   688.38 704.38
## + SkinThickness      1   688.29 706.29
## - Age                1   692.61 706.61
## - DiabetesPedigreeFunction 1   698.51 712.51
## - Pregnancies        1   701.46 715.46
## - BMI                1   732.97 746.97
## - Glucose            1   787.59 801.59
##
## Step: AIC=703.75
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
## Age
##
##               Df Deviance    AIC
## - Insulin            1   690.89 702.89
## <none>                1   689.75 703.75
## + BloodPressure      1   688.38 704.38
## - Age                1   693.09 705.09
## + SkinThickness      1   689.66 705.66
## - DiabetesPedigreeFunction 1   699.97 711.97
## - Pregnancies        1   702.51 714.51
## - BMI                1   733.93 745.93
## - Glucose            1   787.63 799.63
##
## Step: AIC=702.89
## Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
## Age
##
##               Df Deviance    AIC
## <none>                1   690.89 702.89
## + Insulin            1   689.75 703.75
## + BloodPressure      1   689.85 703.85
## - Age                1   694.73 704.73
## + SkinThickness      1   690.87 704.87
## - DiabetesPedigreeFunction 1   700.31 710.31
## - Pregnancies        1   704.11 714.11

```

```
## - BMI          1    733.98 743.98
## - Glucose      1    793.58 803.58

names(model_3$coefficients) == names(model_2$coefficients)

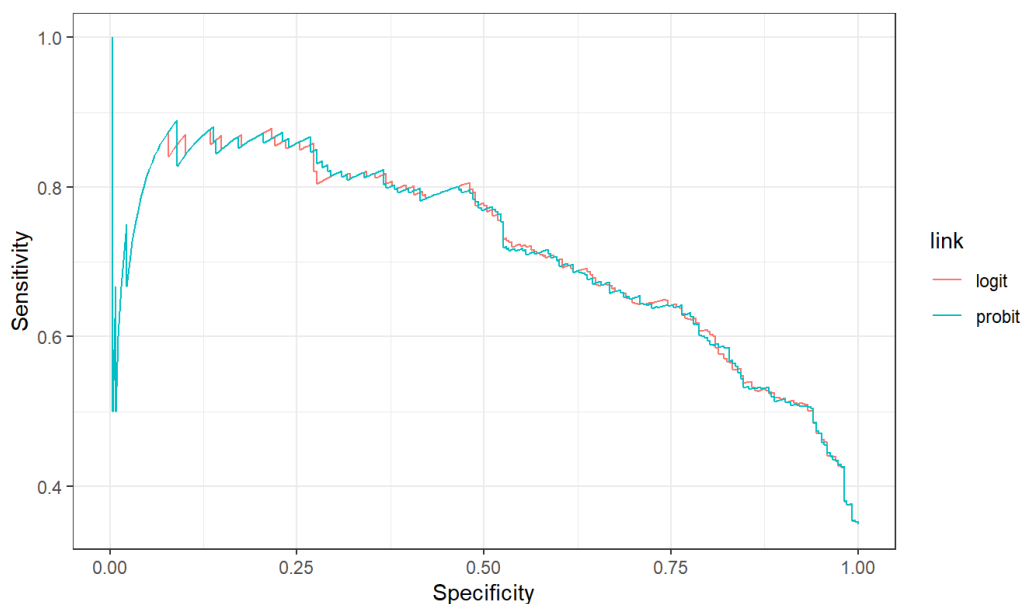
## [1] TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE TRUE

# atrinktos tos pačios kovariantės

y_3 <- y %>% mutate(pred = model_3$fitted.values)

cp_2 <- cutpointr(y_3, pred, Outcome,
  method = maximize_metric, metric = F1_score
)

cp$roc_curve[[1]] %>%
  mutate(link = "logit") %>%
  rbind((cp_2$roc_curve[[1]] %>% mutate(link = "probit"))) %>%
  ggplot(aes(x = tpr, y = tp / (fp + tp), color = link)) +
  geom_path() +
  coord_equal() +
  theme_bw() +
  xlab("Recall") +
  ylab("Precision")
```



```
# skirtumų tarp modelių beveik nėra
```

Rasta slenkstinė reikšmė pagal Joudeno (Youden) indeksą - 0.32. Naudojant kriterijų, siekiantį teisingai aptikti bent 90% procentų sergančiųjų (Sensitivity > 0.9) - 0.21 (abi reikšmės pažymėtos Precision-Recall grafike). Papildomai sudarytas modelis naudojantis probit jungties funkciją vietoje logit. Naudojant pažingsninę regresiją atrinktos tokios pačios kovariantės, kaip ir gautos logit modelyje. Modeliai tarpusavyje palyginti naudojant PR kreives. Reikšmingų skirtumų nerasta.

## Rezultatai

Sudarytas logistinės regresijos binarinio atsako modelis diabeto diagnozei prognozuoti.

Tyrimo metu pasirinktas modelis su kovariantėmis „Pregnancies“, „Glucose“, „BMI“, „Age“ ir „DiabetesPedigreeFunction“. Modelio tikslumas (angl. accuracy) 0.78. Plotas po modelio ROC kreive = 0.84. Rasta, kad šių metrikų atžvilgiu modelius nesiskiria nuo sudėtingesnio modelio naudojančio visas 8 duomenyse esančias kovariantes.

Atsižvelgiant į užduoties specifiką, pasirinktos kitos modelio slenkstinės reikšmės: siekiant teisingai aptikti bent 90% teigiamų diabeto diagnozių pasirinkta slenkstinė riba 0.21.

Papildomai sudarytas modelis naudojantis probit jungties funkciją, tačiau reikšmingų skirtumų tarp šio modelio ir modelio naudojančio logit jungties funkciją nepastebėta.

## 2. Naudojant SAS

Atlikta analizė pakartotinai atlikta naudojant SAS.

```
PROC IMPORT DATAFILE='/home/u45871880/diabetes_cleaned.csv'  
    DBMS=CSV  
    OUT=data;  
    GETNAMES=YES;  
RUN;
```

```
%MACRO boxplot(column);  
ods graphics / reset width=6.4in height=4.8in imagemap;
```

```
proc sgplot data=WORK.DATA;  
    vbox &column / category=Outcome;  
    yaxis grid;  
run;  
%MEND;
```

```
%boxplot(Pregnancies);
```

```
%boxplot(Glucose);
```

```
%boxplot(BloodPressure);
```

```
%boxplot(SkinThickness)
```

```
%boxplot(Insulin);
```

```
%boxplot(Age);
```

```
%boxplot(DiabetesPedigreeFunction);
```

```
%boxplot(BMI);
```

```
* Modelis su visomis kovariantėmis;
```

```
PROC LOGISTIC DATA=data DESCENDING  
    plots(only)=(roc(ID=cutpoint) effect(X=(Pregnancies Glucose BloodPressure SkinThickness  
Insulin Age
```

```
DiabetesPedigreeFunction BMI) CLBAND=YES ALPHA=0.05));
```

```
MODEL Outcome = Pregnancies Glucose BloodPressure SkinThickness
```

```
Insulin BMI DiabetesPedigreeFunction Age /
```

```
RSQUARE CTABLE PPROB=(0.1 TO 0.9 BY 0.1) EXPB LACKFIT scale=none clparm=wald
```

```
RUN;
```

Response Profile		
Ordered Value	Outcome	Total Frequency
1	1	251
2	0	478

Probability modeled is Outcome='1'.

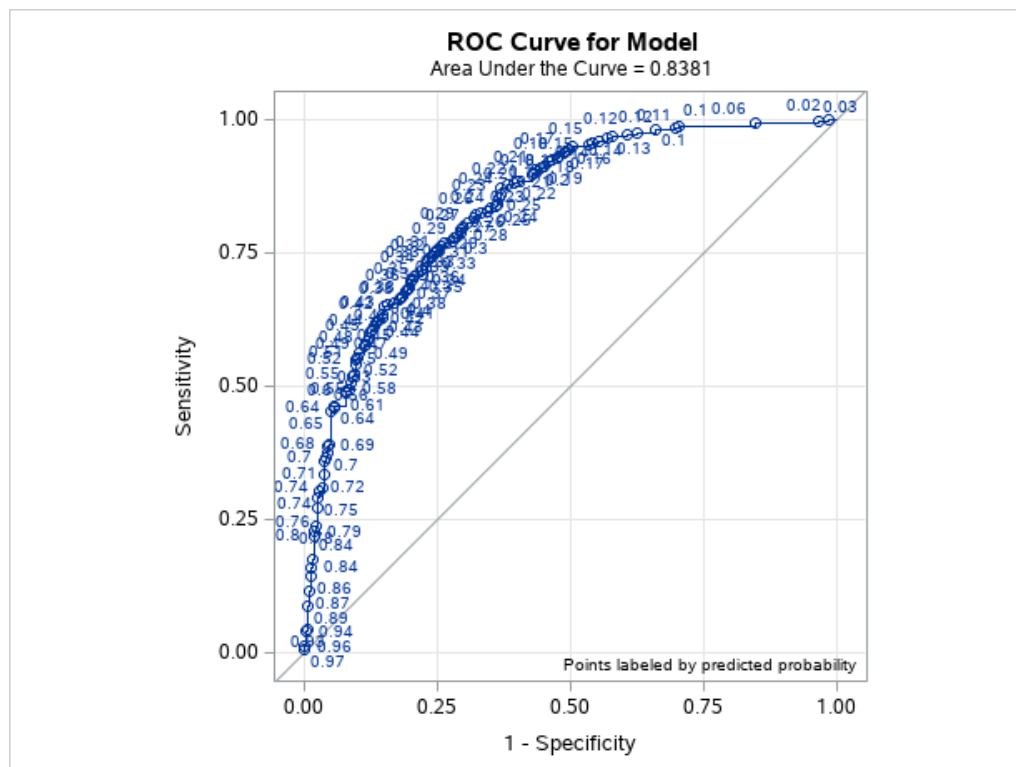


Testing Global Null Hypothesis: BETA=0						
Test	Chi-Square		DF	Pr > ChiSq		
Likelihood Ratio	251.4104		8	<.0001		
Score	218.7755		8	<.0001		
Wald	158.0839		8	<.0001		

Analysis of Maximum Likelihood Estimates						
Parameter	DF	Estimate	Standard Error	Wald Chi-Square	Pr > ChiSq	Exp(Est)
Intercept	1	-8.8170	0.8118	117.9740	<.0001	0.000
Pregnancies	1	0.1150	0.0331	12.0889	0.0005	1.122
Glucose	1	0.0336	0.00376	80.1674	<.0001	1.034
BloodPressure	1	-0.0100	0.00861	1.3544	0.2445	0.990
SkinThickness	1	0.000706	0.00701	0.0101	0.9198	1.001
Insulin	1	-0.00102	0.000914	1.2492	0.2637	0.999
BMI	1	0.0965	0.0168	33.1764	<.0001	1.101
DiabetesPedigreeFunc	1	0.9995	0.3061	10.6594	0.0011	2.717
Age	1	0.0180	0.00976	3.3909	0.0656	1.018

Hosmer and Lemeshow Goodness-of-Fit Test			
Chi-Square	DF	Pr > ChiSq	
8.3548	8	0.3996	



```

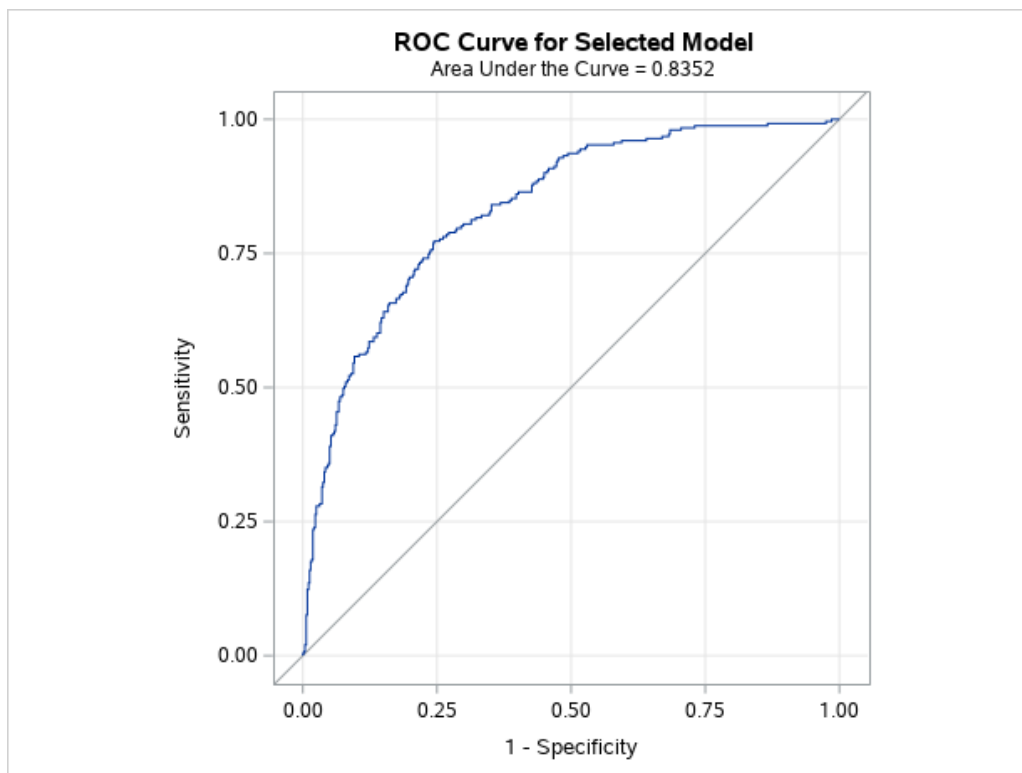
* Pažingsninė regresija kovariančių atrinkimui;
PROC LOGISTIC DATA=data DESCENDING plots(only)=(roc);
MODEL Outcome = Pregnancies Glucose BloodPressure SkinThickness
Insulin BMI DiabetesPedigreeFunction Age /
CTABLE PPROB=(0.1 TO 0.9 BY 0.1) EXPB
scale=none clparm=wald outroc=performance SELECTION=stepwise
RUN;

```

Summary of Stepwise Selection							
Step	Effect		DF	Number In	Score Chi-Square	Wald Chi-Square	Pr > ChiSq
	Entered	Removed					
1	Glucose		1	1	153.7441		<.0001
2	BMI		1	2	38.3029		<.0001
3	Pregnancies		1	3	27.0672		<.0001
4	DiabetesPedigreeFunc		1	4	10.6849		0.0011

Analysis of Maximum Likelihood Estimates						
Parameter	DF	Estimate	Standard Error	Wald Chi-Square	Pr > ChiSq	Exp(Est)
Intercept	1	-8.7195	0.7005	154.9483	<.0001	0.000
Pregnancies	1	0.1455	0.0280	26.9801	<.0001	1.157
Glucose	1	0.0329	0.00338	94.7882	<.0001	1.033
BMI	1	0.0874	0.0149	34.6227	<.0001	1.091
DiabetesPedigreeFunc	1	0.9726	0.2999	10.5158	0.0012	2.645

Classification Table									
Prob Level	Correct		Incorrect		Percentages				
	Event	Non-Event	Event	Non-Event	Correct	Sensi-tivity	Speci-ficity	Pos Pred	Neg Pred
0.100	247	136	342	4	52.5	98.4	28.5	41.9	97.1
0.200	222	263	215	29	66.5	88.4	55.0	50.8	90.1
0.300	196	347	131	55	74.5	78.1	72.6	59.9	86.3
0.400	165	390	88	86	76.1	65.7	81.6	65.2	81.9
0.500	141	422	56	110	77.2	56.2	88.3	71.6	79.3
0.600	119	444	34	132	77.2	47.4	92.9	77.8	77.1
0.700	89	454	24	162	74.5	35.5	95.0	78.8	73.7
0.800	57	468	10	194	72.0	22.7	97.9	85.1	70.7
0.900	18	474	4	233	67.5	7.2	99.2	81.8	67.0



```

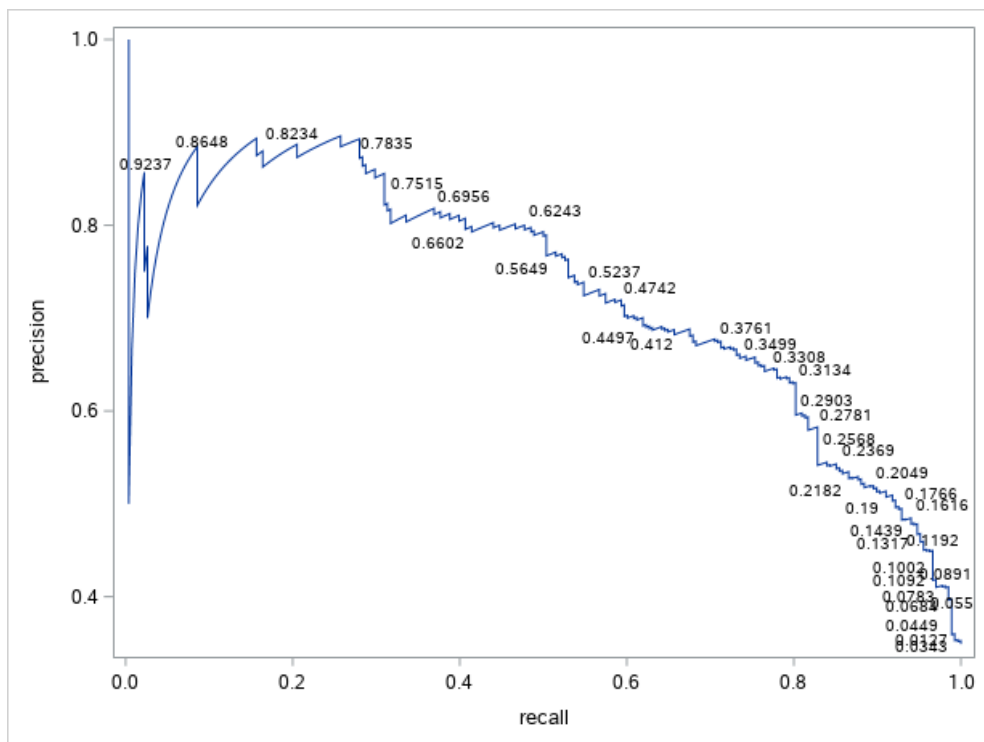
* Atsižvelgiai į uždavinio specifiką
* Sukuriamas Precision-Recall grafikas alternatyvių slenksninių reikšmių parinkimui;
data precision_recall;
set performance;
precision = _POS_/(_POS_ + _FALPOS_);
recall = _POS_/(_POS_ + _FALNEG_);
F_stat = harmean(precision,recall);
if mod(_N_, 20) = 0 then _PROB_=_PROB_;
    else _PROB_ = .;
run;

Proc SQL;
create table precision_recall as
Select *
From precision_recall
having _step_ = max(_step_);
Quit;

proc sort data=precision_recall;
by recall;
run;

ods graphics / reset width=6.4in height=4.8in imagemap;
proc sgplot data=WORK.PRECISION_RECALL;
    SERIES X = recall Y = precision / DATALABEL=_PROB_;
run;
ods graphics / reset;

```



Dēļ skirtingos pažingsninėje regresijoje naudojamų procedūrų, naudojant SAS į modelį neįtraukta kovariantė „Age“. Kiti gauti rezultatai sutampa su analize atlikta naudojant R.