Validation du gradient Mise en situation

import matplotlib.pyplot as plot

## Je suis en train de mettre en place des systèmes de plus en plus complexes, avec des fonctions

d'activations différentes, et plein de dérivées dans tous les sens.

outil de debug pour essayer de valider que les descentes de gradient suivent les directions correctes.

J'aimerais m'assurer que les dérivées sont bien correctes... Je m'y perds.

Un outil de debug Ce qu'on va voir aujourd'hui n'est pas un outil de développement de réseau de neurone. C'est plutôt un

import numpy as np

En tant qu'outil de debug, il convient de ne pas le laisser actif en production :) Et c'est un outil assez couteux aussi. Il ne doit être utilisé que pour valider une implémentation de calcul de gradient, et désactivé ensuite...

Le principe

Le gradient que l'on calcule est la dérivée du coût au point considéré, c'est-à-dire la direction de la tangente. En 2D, ça ressemble à ça:

**def** f(x): **return** x\*\*4 + 5\*x\*\*2 + 4\*x + 7**def** df(x): **return** 4\*x\*\*3 + 10\*x + 4x = np.arange(-10, 10, .1)

plot.plot(x, f(x))for z in [-4, 5]:

plot.plot([z-4, z+4], [f(z)-4\*df(z), f(z)+4\*df(z)]) 10000

8000 6000

4000

2000 0 -2000 -10.0 -7.5 -5.0

La fonction  $f'(x) = 4x^3 + 10x + 4$  est la dérivée exacte de f. Une définition formelle de la dérivée est  $f'(x) = \lim_{h \to 0} \frac{f(x+h) - f(x)}{h}$ C'est la "dérivée droite", puisqu'on la calcule par la droite du point x. On peut calculer la "dérivée gauche"

 $f'(x) = \lim \frac{f(x+h) - f(x-h)}{f'(x+h)}$ 

à côté - le plus près possible.

plot.plot(x, f(x))

 $f'(5) \sim 634.0$ f'(5) == 554

10000

8000

6000

4000

2000

-2000

Donc

0

-7.5

-5.0

• en orange, la vraie tangente, en 5.

-2.5

• en rouge, la corde qui passe par deux points autour de 5. • en vert, la pseudo tangente, parallèle à la corde, en 5.

Approximation : 554.000002, exact : 554.000000

x = np.arange(-10, 10, .1)

2h

-2.5

0.0

2.5

en prenant f(x)-f(x-h) ou encore calculer la dérivée des deux côtés :

7.5

En gros, on calcule le coefficient directeur d'une droite qui passerait par (x, f(x)) et un autre point juste

7.5

C'est pas parfait, mais c'est une bonne approximation. Et encore, là, l'écart autour du point est de +/-2.

10.0

10.0

z=5plot.plot([z-2, z+2], [f(z-2), f(z+2)], "r\*-") delta = (f(z+2)-f(z-2))/4plot.plot([z-5, z+5], [f(z)-5\*delta, f(z)+5\*delta], "g-") plot.plot([z-5, z+5], [f(z)-5\*df(5), f(z)+5\*df(5)], color='orange')

print("f'(5) ~= " + str(delta)) print("f'(5) == " + str(df(5)))

C'est énorme, en pratique quand on dit "petit", c'est plutôt  $10^{-7}$  par exemple. epsilon = 1e-7delta = (f(5+epsilon) - f(5-epsilon))/2/epsilonprint('Approximation : %f, exact : %f' % (delta, df(5))) print('Error: %f' % (delta -df(5)))

Error: 0.000002

In [4]:

dW1[1,0]: error 0.018006657463752455 dW1[1,1]: error 0.0010812003128209662 db1[0,0]: error 0.03806728739901776 db1[1,0]: error 0.0010812003092782307 dW1[0,0]: error 0.023860033645897144 dW1[0,1]: error 0.051567655013589155 dW1[1,0]: error 0.019613510119408116 dW1[1,1]: error 0.001704284680031057 db1[0,0]: error 0.05156765564390421

Application du principe On sait calculer le coût en fonction de paramètres. L'idée est tout simplement de faire varier un seul de ces paramètes de manière infime, et de regarder l'évolution du coût. Normalement, on doit avoir grosso modo la même chose que la dérivée en ce point, qui correspond au gradient pour ce paramètre. Pourquoi faire une dérivée La question qui se pose, puisque cette méthode est plus sûre que la dérivée (on s'en sert pour valider une autre implémentation), est de savoir pourquoi garder la dérivée et tous ces calculs un peu pénibles. La réponse est que le calcul de cette approximation prend beaucoup plus de temps que de calculer la dérivée. Pour cette même raison, on ne fera pas d'entraînement complet avec ce mécanisme actif... Retour à la mise en situation On va reprendre notre réseau avec une couche intermédiaire et les trois fonctions d'activation. def sigmoid(x) : return 1 / (1 + np.exp(-x))  $\textbf{def} \ \tanh(x): \ \textbf{return} \ (\texttt{np.exp}(x) \ - \ \texttt{np.exp}(-x)) \ / \ (\texttt{np.exp}(x) \ + \ \texttt{np.exp}(-x))$ def relu(x): return np.maximum(x, 0) def forward pass(X, W, b, activation): Z = np.dot(W, X) + bif activation == 'sigmoid': A = sigmoid(Z)elif activation == 'tanh': A = tanh(Z)elif activation == 'relu': A = relu(Z)return Z, A def whole forward pass(X, Y, W1, b1, W2, b2, first layer activation): Z1, A1 = forward pass(X, W1, b1, activation = first layer activation) Z2, A2 = forward\_pass(A1, W2, b2, activation = 'sigmoid') cost = np.squeeze(-np.sum(np.log(A2) \* Y + np.log(1 - A2) \* (1-Y))/X.shape[1])return Z1, Z2, A1, A2, cost if activation == 'sigmoid': dZ = dA \* A \* (1 - A)elif activation == 'tanh': dZ = dA \* (1 - A\*\*2)elif activation == 'relu': dW = np.dot(dZ, A prev.T)dA prev = np.dot(W.T, dZ)return dZ, dW, db, dA prev

def backward pass(dA, A, Z, A prev, W, activation): # Note: on pourrait ne passer que Z, A vaut sigmoid, t anh ou relu de Z, mais bon dZ = dA \* np.maximum(Z, 0)db = np.sum(dZ, axis=1, keepdims = True) def double\_layer\_model(X, Y, mid\_layer, class\_count, learning\_rate = 0.0075, num\_itera batch size = 64, first layer activation = 'sigmoid', random ran m = X.shape[1]batchStart = 0costs = [] W1 = np.random.rand(mid\_layer, X.shape[0]) \* random\_range b1 = np.zeros((mid layer, 1)) W2 = np.random.rand(class\_count, mid\_layer) \* random\_range b2 = np.zeros((class\_count, 1)) for i in range(1, num iterations+1): Xbatch = X[:,batchStart:batchStart + batch size]

Ybatch = Y[:,batchStart:batchStart + batch\_size] # Passe en avant Z1, Z2, A1, A2, cost = whole forward pass(Xbatch, Ybatch, W1, b1, W2, b2, first

**if** (i+1) % 10 == 0: costs.append(cost) dA2 = -(np.divide(Ybatch, A2) - np.divide(1 - Ybatch, 1 - A2))/Xbatch.shape[1 dZ2, dW2, db2, dA1 = backward pass(dA2, A2, Z2, A1,dZ1, dW1, db1, dX = backward pass(dA1, A1, Z1, Xbatch, W1, activation = first if debug: left = {'W1': np.array(W1, copy=True), 'b1': np.array(b1, copy=True), 'W2': np.array(W2, copy=True), 'b2': np.array(b2, copy=True) } right = {'W1': np.array(W1, copy=True), 'b1': np.array(b1, copy=True), 'W2': np.array(W2, copy=True), 'b2': np.array(b2, copy=True) }  $grads = \{'W1': dW1,$ 'b1': db1, 'W2': dW2, 'b2': db2} epsilon = 1e-7threshold = 1e-8

for param in ['W1', 'b1', 'W2', 'b2']:

for row in range(left[param].shape[0]):

if error > threshold :

for col in range(left[param].shape[1]): left [param][row, col] -= epsilon right[param][row, col] += epsilon

left [param][row, col] += epsilon

Z1\_left , Z2\_left , A1\_left , A2\_left , cost\_left = whole\_for Z1\_right, Z2\_right, A1\_right, A2\_right, cost\_right = whole\_for

print('d%s[%i,%i]: error %s' % (param, row, col, error))

num iterations = 10, first layer activation = activation, debug =

approx = (cost right - cost left) / 2 / epsilon error = np.abs(approx - grads[param][row, col])

W2, activation = 'sigr

right[param][row, col] -= epsilon W1 -= learning rate \* dW1 b1 -= learning rate \* db1 W2 -= learning rate \* dW2 b2 -= learning\_rate \* db2 batchStart += batch size if batchStart >= X.shape[1]: batchStart = 0 return W1, b1, W2, b2, costs def model(X, W1, b1, W2, b2, first\_layer\_activation = 'sigmoid') : Z1, A1 = forward\_pass(X, W1, b1, activation = first\_layer\_activation) Z2, A2 = forward\_pass(A1, W2, b2, activation='sigmoid') return A2 In [6]: x = np.array([[0,0],[0,1],[1,0],[1,1]])y = np.array([[0,1,1,0]])x norm = (x - x.mean(axis=0))/(1e-9 + x.std(axis = 0)) $x_norm = x_norm.T$ def simulation(activation) : np.random.seed(1) print('Activation: ' + activation) W1, b1, W2, b2, costs = double layer model(x norm, y, 2,1, learning rate = 1,

acts = ['sigmoid', 'tanh', 'relu']

dW1[0,0]: error 0.009553759081618741 dW1[0,1]: error 0.015082221024459538 dW1[1,0]: error 0.01659580038025486 dW1[1,1]: error 0.0010707528303343465 db1[0,0]: error 0.01508222105951484 db1[1,0]: error 0.0010707528293985307 dW1[0,0]: error 0.0021228524058327525 dW1[0,1]: error 0.0026382687570270266 dW1[1,0]: error 0.015320417037704002

for i in acts:

simulation(i)

Activation: sigmoid Activation: tanh Activation: relu

dW1[1,1]: error 0.00037132454642140305 db1[0,0]: error 0.0026382687624972767 db1[1,0]: error 0.00037132454654529266 dW1[0,0]: error 0.0058851002830049275 dW1[0,1]: error 0.007005748145243157 dW1[1,0]: error 0.015133210551501016 dW1[1,1]: error 1.88260719683145e-05 db1[0,0]: error 0.00700574815850746 db1[1,0]: error 1.8826071102784683e-05 dW1[0,0]: error 0.01293757902515474 dW1[0,1]: error 0.016292994827989904 dW1[1,0]: error 0.015639831889483646 dW1[1,1]: error 0.000324012278140313 db1[0,0]: error 0.016292994856640115 db1[1,0]: error 0.00032401227655756877 dW1[0,0]: error 0.01849203648738608 dW1[0,1]: error 0.02640848671947404 dW1[1,0]: error 0.016641694628161778 dW1[1,1]: error 0.000650605625844474 db1[0,0]: error 0.026408486763041993 db1[1,0]: error 0.0006506056234130623 dW1[0,0]: error 0.022201880605323437 dW1[0,1]: error 0.038067287339886464

db1[1,0]: error 0.0017042846749690818 dW1[0,0]: error 0.023601966952743317 dW1[0,1]: error 0.06658913871952417 dW1[1,0]: error 0.021322528390768772 dW1[1,1]: error 0.0026160734239820244 db1[0,0]: error 0.06658913936497252 db1[1,0]: error 0.002616073416821218 dW1[0,0]: error 0.022169251314043792 dW1[0,1]: error 0.08197394713749821 dW1[1,0]: error 0.022967584995938 dW1[1,1]: error 0.003890065330336527 db1[0,0]: error 0.08197394723941406 db1[1,0]: error 0.0038900653203105574 dW1[0,0]: error 0.05602457165528163 dW1[0,1]: error 0.018964818393037867 dW1[1,0]: error 0.02437353261069394 dW1[1,1]: error 0.005509518372803474 db1[0,0]: error 0.17278436092667585 db1[1,0]: error 0.005509518358982193 On remarque clairement un problème avec le ReLU! Toute la première couche est fausse (bon ok c'est fait

exprès...) dZ = dA \* np.maximum(Z, 0)dZ vaut normalement dA si Z > 0 et 0 sinon. Or, là on a dA fois Z si Z est positif. On corrige, et on relance : # Note: on pourrait ne passer que Z, A vaut sigmoid, tanh ou relu de Z, mais bon

def backward\_pass(dA, A, Z, A\_prev, W, activation): if activation == 'sigmoid': dZ = dA \* A \* (1 - A)elif activation == 'tanh': dZ = dA \* (1 - A\*\*2)elif activation == 'relu': dZ = np.array(dA, copy=True)

dZ[Z <= 0] = 0dW = np.dot(dZ, A prev.T)db = np.sum(dZ, axis=1, keepdims = True) dA prev = np.dot(W.T, dZ)

return dZ, dW, db, dA prev

In [8]: acts = ['sigmoid', 'tanh', 'relu'] for i in acts: simulation(i) Activation: sigmoid Activation: tanh Activation: relu Voilà qui est mieux! Plus précisément, l'idée est de garder ce code sous la main - voire de l'implémenter,

quelques itérations avec un gradient check avant de reprendre le training sans le check.

désactivé, comme ici. En cas de divergence, ou de souci de l'algorithme, on pourra commencer par cette étape : vérifier la validité du code. J'ajoute une nouvelle fonction d'activation (genre Leaky-ReLU, qu'on n'a pas encore) ? On valide le bon fonctionnement avant de lancer un entraînement. Une dernière chose : il est quand même parfois utile de faire tourner le check à d'autres moments que le début. On pourra par exemple faire une fonctionnalité de pause/resume sur un training, et faire tourner