

Instytut Informatyki Wydział Informatyki

Politechnika Poznańska ul. Piotrowo 2, Poznań

PRACA DYPLOMOWA MAGISTERSKA

System wspomagający jednoczesne stosowanie wielu wytycznych klinicznych dla jednego pacjenta

Dariusz Radka 100383

Promotor

dr hab. inż. Szymon Wilk

Spis treści

1	Wstęp 1.1 Wprowadzenie	1 1 2 2
3	Przegląd literatury 2.1 Wytyczne postępowania klinicznego	3 3 3 4 4 6
4		8 8 9 9
5	Implementacja5.1Wybór chorób5.2Wyświetlanie grafów oraz udzielanie odpowiedzi na pytania5.3Wyszukiwanie konfliktów5.4Wyświetlanie wyników5.5Przykładowe działanie programu	13 15 16 18 21 23
6	Działanie systemu6.1Przypadek 1 - atak astmy i wrzód trawienny	28 28 32 39
7	Podsumowanie 7.1 Osiągnięte cele	44 44 44
Bibliografia		

Wstęp

1.1 Wprowadzenie

Medycyna jest ważnym działem nauki, ponieważ dotyczy każdego człowieka. Stara się leczyć ludzi z chorób przy zastosowaniu odpowiednich terapii, na które składają się m.in. prawidłowo dobierane leki. Istotne znaczenie przy leczeniu pacjenta ma wiedza, jaką dysponuje lekarz. Informatyka, która jest dziedziną nauki zajmującą się przetwarzaniem informacji, może pomóc lekarzom w zdobywaniu wiedzy. Ważnym elementem zdobywania wiedzy medycznej jest system wspomagania decyzji klinicznych. Jest to program komputerowy, który pozwala personelowi medycznemu podejmować odpowiednie decyzje dotyczące pacjenta. Wśród systemów tego typu wyróżnia się: systemy do zarządzania informacją i wiedzą, systemy do zwracania uwagi, przypominania i alarmowania oraz systemy do opracowywania zaleceń. Dzięki tego typu systemom korzystającym z baz danych zawierających opisy leków, chorób, procedur medycznych oraz danych dotyczących pacjentów można w łatwiejszy sposób dobrać odpowiednią terapię dla pacjenta, co ma istotny wpływ na przebieg jego leczenia.

Przykładem takiego systemu medycznego jest Eskulap. Jest to system zrealizowany przez pracowników Politechniki Poznańskiej. Eskulap jest skierowany dla różnych placówek medycznych, m. in. szpitali, przychodni oraz aptek. Korzysta z niego wiele placówek na terenie całej Polski. Eskulap składa się z kilkudziesięciu modułów. Do modułów tych należą m. in. eRejestracja, Apteka, Laboratorium, Elektroniczna Dokumentacja Medyczna. Innym przykładem systemu medycznego jest Isabel. Jest to system diagnostyczny oparty na technologii webowej. Objawy i cechy charakterystyczne pacjenta są wprowadzane do systemu w formie tekstowej lub są pobierane z elektronicznego rekordu pacjenta. System zwraca w wyniku listę możliwych diagnoz pacjenta. Dodatkowo, istnieje możliwość skorzystania z książek, artykułów itp. dla każdej postawionej diagnozy.

Ostatnio coraz większą popularność zyskują wytyczne postępowania klinicznego (ang. clinical practice guidelines, CPG), które pozwalają opisać postępowanie dla pacjenta chorującego na określoną chorobę. Niestety, wytyczne te opisują jedynie jedną przypadłość, co może doprowadzić do konfliktów w przypadku pacjenta chorującego na kilka dolegliwości. W przypadku takich pacjentów konieczne jest dobranie takich terapii, które nie pozostają ze sobą w konflikcie. Jeśli takie konflikty występują, należy znaleźć odpowiedni zamiennik lub przepisać dodatkowy lek. W niektórych przypadkach trzeba zrezygnować z leków, aby nie pogorszyć stanu zdrowia pacjenta. Zadaniem systemu, którego dotyczy niniejsza praca magisterska, jest znajdowanie konfliktów wynikających ze stosowania wielu terapii u jednego pacjenta. W przypadku znalezienia konfliktu,

należy dokonać zmian w wytycznych tak, aby zminimalizować skutki uboczne.

1.2 Cel i zakres pracy

Celem pracy magisterskiej jest rozszerzenie podejścia opisanego w pracy "Mitigation of adverse interactions in pairs of clinical practice guidelines using constraint logic programming" [12], a także implementacja rozszerzenego podejścia. Rozszerzenie podejścia wiąże się z umożliwieniem stosowania więcej niż dwóch wytycznych, dopuszczeniem stosowania wielu zmian w wytycznych oraz uwzględnieniem stosowania dawek zarówno przy wykrywaniu konfliktów, jak i wprowadzania zmian w wytycznych. Na implementację systemu składa się opracowanie reprezentacji dla wytycznych, opisu konfliktów i wprowadzanych zmian, uwzględnienie dodatkowych danych pacjenta, które nie występują w wytycznych, a także implementacja rozszerzonego podejścia. Implementacja rozszerzonego podejścia polega na wykonaniu systemu pozwalającego na krokowe wykonywanie algorytmów i znajdowanie konfliktów oraz wprowadzanie ewentualnych zmian w wytycznych. Tworzony system ma zostać zaimplementowany w języku Java oraz ma korzystać z dodatkowych bibliotek dostępnych na licencji open source. System ten ma wykorzystywać programowanie logiczne z ograniczeniami.

1.3 Struktura pracy

W rozdziale 2 zamieszczono przegląd literatury na temat wytycznych postępowania klinicznego oraz ich roli w medycynie. W tym rozdziale zaprezentowano także podejścia do wykrywania i usuwania interakcji w wytycznych postępowania klinicznego. Rozdział 3 opisuje paradygmat programowania logicznego z ograniczeniami. Opisano w tym rozdziale podstawowe właściwości podejścia, a także zamieszczono przykład ilustrujący jego wykorzystanie. W rozdziale 4 zaprezentowano narzędzia i biblioteki użyte podczas wykonywania pracy magisterskiej. Rozdział 5 opisuje główną część pracy, czyli rozszerzenie podejścia do wykrywania i usuwania konfliktów oraz implementację systemu. W tym rozdziale przedstawiono poszczególne części systemu. Rozdział 6 prezentuje przykłady działania systemu. Rozdział 7 stanowi podsumowanie pracy.

Przegląd literatury

2.1 Wytyczne postępowania klinicznego

Wytyczne postępowania klinicznego[6, 7] to dokument, którego zadaniem jest pomoc lekarzom i personelowi medycznemu w podejmowaniu decyzji związanych z określonymi obszarami opieki medycznymi, w szczególności z leczeniem pacjentów z różnych dolegliwości. Kolejnym celem wytycznych jest poprawa jakości opieki medycznej poprzez jej standaryzację i zwiększenie wydajności personelu medycznego. Dzięki temu można obniżyć koszty usług czy zlecanych badań. Wytyczne są tworzone przez ekspertów medycznych. Rozwój wytycznych wysokiej jakości wymaga specjalistycznego zespołu ludzi i wystarczającego budżetu. Wytyczne postępowania klinicznego mogą mieć różna reprezentacje. Do przykładowych reprezentacji należa dokumenty tekstowe oraz reprezentacje formalne takie, jak tablice decyzyjne czy formaty grafowe. Implementacja wytycznych w formie systemów komputerowych daje możliwość personalizacji wytycznych, czyli uwzględnia osobistą charakterystykę pacjenta. Komputerowo interpretowane wytyczne, które posiadają dostęp do elektronicznego rekordu pacjenta, są w stanie dostarczyć porady dotyczące konkretnego pacjenta. Niestety, wytyczne dotyczą z reguły jedynie konkretnej dolegliwości. W związku z tym, wytyczne w przypadku pacjentów chorujących na kilka chorób, którymi często są osoby starsze, mogą doprowadzić do niewłaściwego wyboru terapii. Ważnym aspektem w tej kwestii jest znajdowanie konfliktów występujących między wytycznymi i ich odpowiedniego rozwiązania.

2.2 Wykrywanie i usuwanie konfliktów w wytycznych postępowania klinicznego

2.2.1 Programowanie logiczne z ograniczeniami

Wytyczne postępowania klinicznego są w tej technice prezentowane w postaci grafu akcji.[12] Graf akcji jest grafem skierowanym, na który składają się trzy typy węzłów. Pierwszy typ to węzeł kontekstu. Jest to węzeł początkowy opisujący określoną chorobę. Kolejnym typem jest węzeł akcji, który opisuje akcję medyczną, którą należy wykonać. Ostatnim typem jest węzeł decyzji, który zawiera pytanie, na które należy odpowiedzieć. Graf akcji jest w tym podejściu transformowany następnie do modelu logicznego. Model ten składa się z wyrażeń logicznych opisujących poszczególne ścieżki w grafie. Akcje, których nie ma na ścieżce są zapisywane w wyrażeniu w postaci negacji.

W tym podejściu stosowane są także tzw. operatory interakcji i rewizji. Operator interakcji reprezentuje niepożądany konflikt (zazwyczaj lek-lek lub lek-choroba), który jest w postaci zdania zbudowanego z elementów wyrażeń logicznych modelu logicznego. Operator rewizji opisuje natomiast zmiany, jakie należy wprowadzić do modeli logicznych, aby konflikt usunąć. Modele logiczne reprezentujące wytyczne są zamieniane na programy CLP, które są automatycznie wykonywane. Uzyskane rozwiązanie wskazuje na ścieżki, jakie należy przejść podczas leczenia pacjenta.

2.2.2 Logika pierwszego rzędu

Wytyczne postępowania klinicznego są w tym podejściu opisane, podobnie jak w poprzednim podejściu, za pomocą grafu akcji z węzłami kontekstu, decyzji i akcji.[11] Słownictwo podejścia logiki pierwszego rzędu składa się ze stałych (pisanych dużymi literami), zmiennych (pisanych małymi literami) oraz predykatów. Do predykatów należą m.in. action(x) - x jest węzłem akcji, decision(x) - x jest węzłem decyzji, disease(d) - d jest chorobą.

W tym podejściu także stosowane są operatory interakcji i rewizji. Operator interakcji opisuje konflikt. Operator rewizji składa się z dwóch części. Pierwsza część jest podobna do operatora interakcji, również zbudowana jest ze zdania opisującego konflikt, który może wystąpić. Druga część składa się z par formuł, które opisują pojedyncze zmiany. Pary formuł mogą być w trzech postaciach:

- (x, ∅) oznacza, że formuła x jest usuwana
- (\emptyset, x) oznacza, że formuła x jest dodawana
- (x, y) oznacza, że formuła x jest zamieniana na formułę y

2.2.3 Podejście wykorzystujące paradygmat mieszanej inicjatywy

Podejście to polega na tym, że użytkownik współpracuje z systemem komputerowym, aby rozwiązać problem. [9] Oznacza to, że nie jest to podejście automatyczne. Ten sposób wykrywania i usuwania konfliktów oferuje techniki unikania i naprawiania konfliktów. Do technik unikania konfliktów tych należą: wybieranie bezpiecznej alternatywy oraz czasowe unikanie konfliktu. Wybieranie bezpiecznej alternatywy polega na wyborze alternatywnej ścieżki w wytycznych, która unika interakcji. Tymczasowe unikanie polega natomiast na stosowaniu leków w takich momentach czasu, w których nie występuje interakcja pomiędzy nimi. Do technik naprawiania konfliktów należą: modyfikacja dawek leków, monitorowanie efektów oraz osłabianie interakcji poprzez rozszerzenie zaleceń o dodatkowe akcje.

Wytyczne w tej metodzie wykrywania i usuwania konfliktów są reprezentowane w postaci hierarchicznego grafu składającego się z węzłów będących akcjami i krawędzi modelujących relacje między akcjami. Podejście rozróżnia akcje atomowe i akcje złożone (plany). Ontologie wykorzy-

stywane w tym podejściu są mocno zintegrowane z obecnymi ontologiami medycznymi, takimi jak SNOMED CT dla pojęć medycznych i ATC dla klasyfikacji leków.

Programowanie logiczne z ograniczeniami (CLP)

Programowanie logiczne z ograniczeniami[2] pozwala na użycie programowania logicznego do rozwiązywania problemów z ograniczeniami. Przykładowym ograniczeniem może być wyrażenie postaci X+Y>5. Program CLP składa się z następujących elementów:

- Skończonego zbioru zmiennych z wartościami ze skończonych dziedzin
- Zbioru ograniczeń między zmiennymi
- Rozwiązań problemu polegających na przypisaniu wartości do zmiennych, które spełniają ograniczenia

Przykładowym zastosowaniem programowania logicznego z ograniczeniami jest zagadka SEND + MORE = MONEY.[8] Zagadka ta polega na przypisaniu cyfr z zakresu od 0 do 9 do zmiennych odpowiadających literom zawartym w równaniu tak, aby równanie było spełnione. Każda litera ma swoją unikalną wartość cyfrową. Ponadto litery S i M mają wartości różne od 0.

SEND + MORE

MONEY

Rozwiązaniem tego problemu jest następujący program napisany w ECLiPSe (jest to kompilator programów CLP, a nie popularne środowisko programistyczne Eclipse, bardziej szczegółowy opis tego programu znajduje się w punkcie 4.1):

```
:-lib(ic).
sendmore1(Digits):-
Digits = [S,E,N,D,M,O,R,Y],
Digits :: [0..9],
alldifferent(Digits),
S #\= 0,
M #\= 0,
1000*S + 100*E + 10*N + D
+ 1000*M + 100*O + 10*R + E
#= 10000*M + 1000*O + 100*N + 10*E + Y,
labeling(Digits).
```

Po skompilowaniu tego programu wystarczy wywołać funkcję sendmore1(Digits), aby otrzymać rozwiązanie zagadki. Rozwiązaniem jest następujące przypisanie cyfr do zmiennych: S=9, E=5, N=6, D=7, M=1, O=0, R=8, Y=2.

Można zauważyć na podstawie przykładu, że komendy w ECLiPSe składają się ze zdań zakończonych kropką, poszczególne fragmenty zdań są oddzielone od siebie przecinkami. Znak równości między zmiennymi lub wartościami liczbowymi to "#=", znak nierówności to "#\=". Można stosować także operatory and i or i przypisywać ich wartość do zmiennych za pomocą znaku równości.

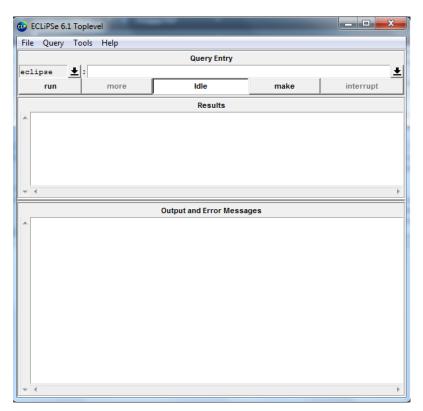
CLP może być wykorzystane do rozwiązywania innych zadań. [10] Do przykładowych zadań należy popularne zadanie z farmerem, wilkiem, gęsią i kapustą. Polega ono na tym, że farmer posiada łódkę, na której może się zmieścić on i jeszcze jeden element. Zadaniem farmera jest przewieźć wszystkie elementy z jednej strony rzeki na drugą. Problem stanowi fakt, że farmer nie może zostawić wilka i gęsi samych, bo wilk zje gęś, a także nie może zostawić gęsi z kapustą, ponieważ gęś zje kapustę. Innym przykładem jest zadanie o nazwie osiem królowych. Polega ono na tym, że na szachownicy o wymiarach 8x8 należy umieścić 8 królowych w taki sposób, aby żadna z nich nie mogła zbić innej królowej.

Programowanie logiczne z ograniczeniami może być również użyte do rozwiązywania trudniejszych problemów. Do problemów tych należą m.in. harmonogramowanie pracy lakierni samochodowej czy projektowanie inteligentnych systemów okablowania dla dużych budynków.

Wykorzystane biblioteki i narzędzia

4.1 ECLiPSe

ECLiPSe[5] jest systemem typu open-source do wykonywania aplikacji wykorzystujących paradygmat programowania logicznego z ograniczeniami. System ten użyty został do testowania przykładowych procedur medycznych. Nie współpracuje natomiast z wykonanym w ramach pracy magisterskiej systemem, jest to odrębny program. Okno systemu ECLiPSe składa się z trzech części. Pierwsza część służy do wprowadzania komend. Zamiast wprowadzania komend można wczytać gotowy program z pliku za pomocą polecenia Compile znajdującym się w menu File. Druga część programu wyświetla wyniki, trzecia natomiast pokazuje ewentualne błędy oraz inne komunikaty. Poniżej przedstawiono wygląd okna programu ECLiPSe.



4.2 Choco 3

4.2 Choco 3

Choco[1] jest darmowym oprogramowaniem typu open-source, które pozwala na rozwiązywanie problemów CLP. Jest to biblioteka oparta o język Java w wersji 8. Główną klasą biblioteki jest klasa Solver. Do obiektu typu Solver można dołączyć zmienną (klasa IntVar) podając obiekt Solver-a w ostatnim argumencie metody VariableFactory.bounded. Pozostałe argumenty tej metody to nazwa zmiennej oraz dolne i górne ograniczenie zmiennej. W pracy magisterskiej wykorzystywane są w większości zmienne, dla których dolne ograniczenie jest równe 0, a górne ograniczenie jest równe 1, czyli są to zmienne przyjmujące wartości prawda/falsz. Za pomocą funkcji Solver.post można dodawać nowe ograniczenia. Ograniczenia tworzy się m.in. za pomocą klasy IntConstraintFactory. Jedną z podstawowych metod tworzących ograniczenia jest funkcja arithm. Przykładowo, można za jej pomoca określić, że suma dwóch zmiennych X i Y ma być mniejsza od 5. Po określeniu ograniczeń można uruchomić Solver i wygenerować rozwiązanie za pomocą metody findSolution. Kolejne rozwiązania można uzyskać za pomocą metody nextSolution. Odczytanie wartości zmiennej określonego rozwiązania polega na wywołaniu metody IntVar.getValue. Poniżej przedstawiono prosty program Choco3 szukający takich zmiennych X i Y (są to zmienne przyjmujące wartości 0 lub 1), których suma jest równa 1. Rozwiązaniem poniższego programu są dwa przypadki: X=1, Y=0 oraz X=0, Y=1.

```
Solver solver = new Solver("my first problem");
IntVar x = VariableFactory.bounded("X", 0, 1, solver);
IntVar y = VariableFactory.bounded("Y", 0, 1, solver);
solver.post(IntConstraintFactory.arithm(x, "+", y, "=", 1));
solver.findSolution();
do
{
    System.out.println("X="+x.getValue()+", Y="+y.getValue());
}while(solver.nextSolution());
```

4.3 Graphviz

Graphviz[3] jest oprogramowaniem służącym do wizualizacji grafów. Pozwala na konwersję pliku tekstowego w formacie dot do obrazu przedstawiającego graf. Program automatycznie porządkuje węzły na obrazie, nie jest konieczne podawanie pozycji węzłów, czyli ich współrzędnych. Ponadto, program automatycznie rysuje krawędzie tak, aby ograniczyć liczbę ich przecięć. Program z pakietu Graphviz o nazwie gvedit.exe jest programem okienkowym, który pozwala na wybranie w oknie dialogowym pliku o rozszerzeniu dot. Po wybraniu tego pliku albo wypisywana jest lista błędów,

4.3 Graphviz

które należy poprawić, albo wyświetlany jest obraz przedstawiający graf. Podobną funkcjonalność ma program dot.exe, z tą różnicą, że jest to program konsolowy. Program dot.exe posiada 3 argumenty. Pierwszym argumentem jest ścieżka do pliku w formacie dot, drugim jest format generowanego obrazu (przykładowo dla uzyskania formatu png obrazka podajemy drugą wartość argumentu równą –Tpng). Między drugim a trzecim argumentem należy podać przełącznik "-o". Trzecim argumentem jest ścieżka wynikowego obrazu.

Jeśli chodzi o plik w formacie dot, jest to plik, który posiada swoją własną składnię. Na początku pliku umieszczone jest słowo "digraph", po którym umieszcza się nazwę grafu. Wszystkie pozostałe właściwości grafu są umieszczone w bloku otoczonym nawiasami klamrowymi. W bloku tym można podać globalne atrybuty dla węzłów oraz krawędzi. Atrybuty dla węzłów mogą być podane po słowie node w bloku otoczonym nawiasami kwadratowymi, atrybuty są oddzielone od siebie przecinkami. Do przykładowych globalnych atrybutów węzłów należą m. in. kształt (box – prostokąt, circle – koło, diamond – romb), kolor wypełnienia, kolor konturu, grubość linii konturu, rodzaj czcionki, wielkość czcionki. Jeśli chodzi o globalne atrybuty krawędzi, to można je podać w podobny sposób jak globalne atrybuty węzłów, z tą różnicą, że zamiast słowa "node" należy podać słowo "edge". Do atrybutów globalnych krawędzi należą przede wszystkim wielkość i rodzaj czcionki (krawędzie mogą posiadać etykiety).

W następnym kroku można podać węzły i krawędzie z ich atrybutami. Atrybut pojedynczego węzła lub krawędzi, jeśli już wystąpił w globalnych atrybutach węzłów lub krawędzi, zostaje nadpisany. Opis pojedynczego węzła polega na podaniu jego unikalnego identyfikatora, a następnie jego atrybutów w bloku otoczonym nawiasami kwadratowymi (atrybuty są podawane po przecinku). Krawędzie natomiast tworzy się, podając na początku identyfikator węzła źródłowego krawędzi, następnie należy umieścić tzw. strzałkę ("->"), a na końcu identyfikator węzła docelowego. Po podaniu tych elementów można podać atrybuty krawędzi, przede wszystkim etykietę. Co ciekawe, krawędź może być także nieskierowana, wtedy zamiast strzałki ("->") należy umieścić podwójną kreskę ("-"). Poniżej zaprezentowano bardzo prosty przykład pliku w formacie dot i jego graf:

```
digraph graf{
```

```
node [shape=box, style=filled, fillcolor=green];
A [label="Wierzchołek A"];
B [label="Wierzchołek B"];
C [label="Wierzchołek C"];
A->B;
A->C;
}
```



4.4 JPGD - A Java parser for Graphviz documents

Biblioteka[4] ta służy do konwersji pliku o rozszerzeniu dot na obiekt klasy Graph posiadający listę obiektów klasy Node oraz Edge. Do konwersji wykorzystywany jest obiekt klasy Parser. Klasa Parser posiada funkcję parse, której konstruktor jako parametr przyjmuje obiekt klasy FileReader odwołujący się do określonego pliku o rozszerzeniu dot. W następnym kroku można odczytać obiekt klasy Graph z listy tych obiektów uzyskanej za pomocą funkcji getGraphs (jest to funkcja klasy Parser).

Węzły grafu można odczytać za pomocą funkcji getNodes wywołanej dla obiektu klasy Graph. Krawędzie grafu można natomiast uzyskać za pomocą funkcji getEdges, która również jest funkcją klasy Graph. Węzły oraz krawędzie posiadają atrybuty. Do atrybutów węzłów należy zaliczyć etykietę, kształt, kolor wypełnienia, kolor konturu i grubość linii konturu. Krawędzie posiadają przede wszystkim jeden istotny atrybut – etykietę. Odczytać wartości atrybutów można za pomocą funkcji getAttribute, której argumentem jest nazwa atrybutu. Ustawić wartości atrybutu można natomiast za pomocą metody setAttribute, której pierwszym argumentem jest nazwa atrybutu, a drugim jego wartość.

Każdy węzeł grafu będącym w formacie dot posiada także swój unikalny identyfikator. Identyfikatory przechowywane są w obiektach klasy Id. Obiekt takiej klasy dla określonego węzła można uzyskać wywołując funkcję getId na rzecz obiektu klasy Node. Ponowne wywołanie funkcji getId, w tym przypadku dla obiektu klasy Id uzyskuje rzeczywisty identyfikator węzła typu String.

Jeśli chodzi o krawędzie, to posiadają one możliwość odczytania węzła źródłowego oraz docelowego danej krawędzi. Jest to możliwe dzięki wywołaniu funkcji getSource (dla uzyskania węzła źródłowego) oraz getTarget (dla uzyskania węzła docelowego). Dzięki tym funkcjom uzyskujemy obiekt klasy PortNode, z którego następnie możemy uzyskać obiekt klasy Node za pomocą funkcji getNode. Ważną funkcją jest też funkcja toString wywoływana na rzecz obiektu klasy Graph. Pozwala ona na uzyskanie grafu w formacie dot zawierającym zmiany wprowadzone za pomocą metody setAttribute dla obiektów klasy Node lub Edge.

Poniższy kod źródłowy prezentuje przykładowe wykorzystanie biblioteki JPGD do znalezienia krawędzi wyjściowych węzła n.

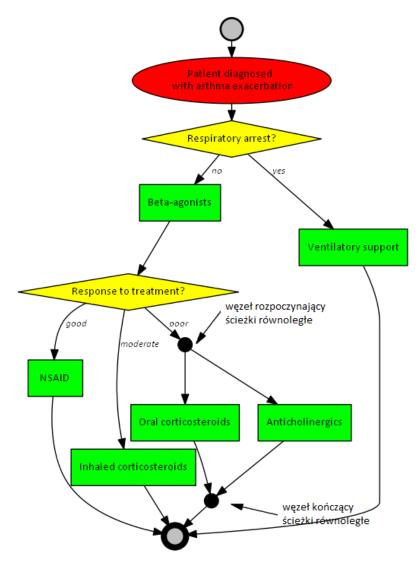
```
public static ArrayList<Edge> getOutEdges(Graph graph, Node n)
{
    ArrayList<Edge> list = new ArrayList<Edge>();
    for(Edge e:graph.getEdges())
    {
        if(e.getSource().getNode()==n)
        {
            list.add(e);
        }
    }
    return list;
}
```

Implementacja

Rozdział ten opisuje zasadę działania programu. Program składa się z kilku kroków. Na początku użytkownik wybiera choroby, na które choruje pacjent. Następnie program wyświetla graficzną reprezentację wytycznych w formie grafu oraz wyświetla listy pól wyboru, które pozwalają na udzielanie odpowiedzi na pytania zawarte w wytycznych. Po udzieleniu odpowiedzi na pytania i kliknięciu przycisku "Dalej" program rozwiązuje problem CLP, w wyniku którego uzyskujemy listę konfliktów, które wystąpiły między wytycznymi oraz grafy wynikowe z wprowadzonymi zmianami pozwalającymi uniknąć konfliktu. Po uzyskaniu rozwiązania problemu można wybrać inne odpowiedzi na pytania i po kliknięciu przycisku "Dalej" wygenerować nowe rozwiązania problemu. Można także wybrać inne choroby za pomocą przycisku "Wybierz choroby".

W tym rozdziale wykorzystywane są pojęcia "terapia" oraz "element terapii". Terapia jest to pojedyncza ścieżka w grafie. Element terapii natomiast to identyfikator węzła w przypadku węzłów akcji, natomiast dla węzłów decyzji elementem terapii są identyfikator węzła i etykieta wybranej krawędzi oddzielone znakiem zapytania. Węzłami akcji są węzły, które zawierają informację o leku, jaki należy zażyć lub zabiegu, jaki należy przeprowadzić. Węzły decyzji są to z kolei węzły, które posiadają pytanie.

W grafach może zajść sytuacja, w której należy poruszać się po ścieżkach równoległych. Sytuacja taka występuje na rysunku 5.1. Węzeł rozpoczynający ścieżki równoległe charakteryzuje się tym, że posiada więcej niż jedną krawędź wyjściową oraz nie ma etykiety. Natomiast węzeł kończący ścieżki równoległe posiada więcej niż jedną krawędź wejściową, nie ma etykiety oraz liczba jego krawędzi wyjściowych jest większa od zera.



Rysunek 5.1: Przykład ścieżek równoległych

Program posiada trzy istotne katalogi, które przechowują różnego typy danych. Należą do nich:

- Algorytmy zawiera pliki o rozszerzeniu dot opisujące grafy procedur medycznych chorób
- Konflikty zawiera opisy konfliktów, jakie występują między chorobami oraz zmiany, które należy wprowadzić w przypadku wystąpienia konfliktów
- Grafy zawiera zmodyfikowane grafy chorób przedstawiające aktualnie przebytą ścieżkę oraz grafy wynikowe prezentujące rozwiązania. Grafy są w dwóch formatach – tekstowym w formacie dot oraz graficznym w formacie png. Podczas zamykania programu zawartość tego katalogu jest kasowana

Program posiada następujące klasy:

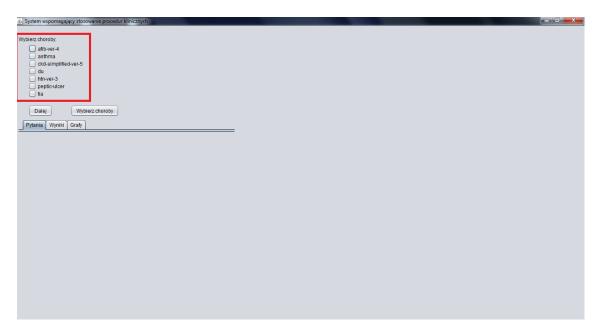
- AddToTherapy dodawanie identyfikatorów węzłów do listy opisującej konkretną terapię
- ChocoClass rozwiązanie problemu CLP

5.1 Wybór chorób 15

- Color kolorowanie wierzchołków i krawędzi grafów
- CreateTherapies generowanie terapii
- ExecuteInteractions wprowadzanie zmian w terapiach w przypadku wykrycia konfliktów
- GoForward przechodzenie do kolejnego węzła decyzyjnego
- GraphFunctions przydatne metody związane z grafami, np. znalezienie węzłów docelowych określonego węzła
- ImageGraph wyświetlanie grafów
- MainClass obsługa zdarzenia kliknięcia przycisku Dalej
- RadioButtonList tworzenie i obsługa zdarzeń list pól wyboru służących do udzielania odpowiedzi na pytania
- Results wyświetlanie wyników
- Window okno programu

5.1 Wybór chorób

Celem tego kroku jest wybór tych wytycznych, które będą brane pod uwagę przy ustalaniu terapii. W katalogu Algorytmy program szuka plików posiadających rozszerzenie dot. Dla każdego takiego pliku tworzone jest pole wyboru. Pole wyboru posiada etykietę równą nazwie choroby. Utworzone pole wyboru jest następnie dodawane do globalnej listy pól wyboru o nazwie checkBoxGroup oraz do panelu znajdującego się w lewym górnym rogu okna programu (rys. 5.2).



Rysunek 5.2: Panel wyboru chorób

Po wybraniu chorób, tzn. po kliknięciu w odpowiednie pola wyboru i kliknięciu przycisku

"Dalej", nazwy wybranych chorób są dodawane do listy o nazwie selectedDiseases i program przechodzi do fazy wyświetlania grafów oraz udzielania odpowiedzi na pytania.

5.2 Wyświetlanie grafów oraz udzielanie odpowiedzi na pytania

Ten krok pozwala na utworzenie graficznej reprezentacji wytycznych oraz wybór ścieżki grafu zgodnej z danymi pacjenta. Po wybraniu chorób i kliknięciu przycisku "Dalej" program dla każdej choroby odczytuje za pomocą metody GraphFunctions.getGraph grafy z pliku o rozszerzeniu dot. Następnie, program pobiera korzenie każdego z grafów za pomocą metody GraphFunctions.getStartNode. W następnym etapie program wywołuje metodę GoForward.goForward, która przemieszcza się po grafie do momentu, gdy napotka pierwszy węzeł decyzji. Parametrem metody goForward jest m.in. korzeń grafu.

Najpierw goForward dodaje aktualny węzeł do listy elementów terapii. Następnie program wykonuje pętlę while, której warunek kontynuacji obejmuje trzy przypadki. Pętla ta stanowi część metody goForward. Pierwszy warunek sprawdza, czy węzeł posiada jedną krawędź wyjściową. Drugi warunek sprawdza, czy węzeł rozpoczyna ścieżki równoległe, a trzeci czy węzeł kończy ścieżki równoległe.

Pierwszy warunek jest sprawdzany w kolejnej pętli while, aby dodać do listy elementów terapii wszystkie węzły, które mają tylko jedną krawędź wyjściową, czyli droga, po której należy się poruszać jest jednoznacznie określona. Po wykonaniu tej pętli while uzyskujemy węzeł, który jest liściem (nie posiada żadnej krawędzi wyjściowej), albo ma więcej niż jedną krawędź wyjściową.

W kolejnym kroku sprawdzany jest dla aktualnego węzła drugi warunek w instrukcji if, czyli czy węzeł rozpoczyna ścieżki równoległe. Jeśli jest on spełniony, wywoływana jest metoda parallel-Path. Metoda ta jest wywoływana również w dla trzeciego przypadku, czyli gdy uzyskany węzeł kończy ścieżki równoległe, a program nie przeszedł jeszcze przez wszystkie te ścieżki. Metoda parallelPath jest w postaci pętli while, która działa dopóki program nie przejdzie przez wszystkie ścieżki równoległe związane z węzłem rozpoczynającym ścieżki równoległe i uzyskany węzeł nie jest węzłem zawierającym pytanie. Pętla while zapisuje do listy elementów terapii wszystkie przebyte po drodze węzły.

Po wywołaniu metody goForward program wywołuje metodę Color.color, która zaznacza przebytą ścieżkę w grafie. Metoda goForward do listy list o nazwie dataIdList dodawała identyfikatory węzłów, na które program natrafił. Dzięki dataIdList metoda color może pokolorować kontury przebytych węzłów oraz przebyte krawędzie, a także je pogrubić.

Po wywołaniu metody color wywołana zostaje metoda ImageGraph.newImageGraph, której zadaniem jest wygenerowanie i wyświetlenie nowego obrazu grafu. Na początku metoda zapi-

suje do pliku wynik metody toString wywołanej dla grafu. Następnie wywoływana jest metoda ImageGraph.getImageGraphPath, która uruchamia program dot.exe i tworzy z zapisanego wcześniej pliku tekstowego graf w postaci obrazu w formacie PNG. W kolejnym kroku metoda ImageGraph.newImageGraph tworzy obiekt klasy BufferedImage z wygenerowanym w poprzednim kroku obrazem. Później metoda dokonuje skalowania obrazu tak, aby mógł on się zmieścić na etykiecie.

Jeśli szerokość lub wysokość obrazu przekracza próg 900 pikseli, obraz zmniejszany jest do 2/3 wielkości tak, aby był on czytelny (w tym przypadku do etykiety dodawane są suwaki). Ponadto, jeżeli szerokość i wysokość obrazu jest mniejsza od wielkości etykiety, to na etykiecie umieszczany jest obraz bez skalowania, w skali 1:1.

Ostatnim krokiem jest wywołanie metody RadioButtonList.createRadioButtonList. Metoda ta dla każdego elementu terapii, który posiada znak zapytania tworzy panel. Elementy terapii zwierające znak zapytania odpowiadają krokom decyzyjnym. Pierwszym elementem panelu jest etykieta węzła. Pozostałe elementy stanowią pola wyboru z etykietami, których wartości są równe etykietom krawędzi węzła decyzyjnego. Do tych pól wyboru dodawany jest jeszcze jeden z etykietą "brak wartości", przydatny w sytuacji, gdy nie znamy jeszcze danych. Część elementu terapii po znaku zapytania pozwala na przechowanie informacji o wyborze aktywnego pola wyboru. Na końcu tworzony jest jeszcze jeden panel, tym razem dla pytania, na które jeszcze nie została udzielona odpowiedź, dla niego zaznaczone jest pole wyboru z etykietą "brak wartości". Przy pierwszym wyświetleniu grafu tworzony jest tylko ten panel. Ponadto, dla każdego pola wyboru przypisywane jest zdarzenie RadioButtonList.updateRadioButtonList.

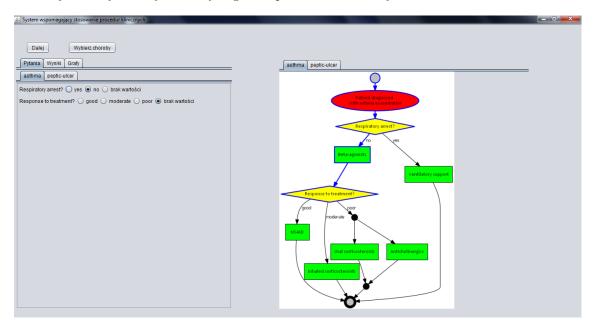
Metoda updateRadioButtonList na początku szuka elementu w liście elementów terapii, którego dotyczy pytanie. Jeśli zaznaczone pole wyboru ma etykietę "brak wartości", usuwane są wszystkie elementy terapii od elementu, którego dotyczy pytanie, do ostatniego elementu listy. W sytuacji tej cofamy się z udzielaniem odpowiedzi na pytania do jednego z poprzednich pytań.

Jeśli natomiast zaznaczone pole wyboru nie posiada etykiety równej "brak wartości" i nie istnieje element na liście elementów terapii, który jest związany z pytaniem, to do tej listy dodawany jest element o wartości równej question?answer, gdzie answer jest parametrem metody updateRadioButtonList o wartości równej etykiecie krawędzi, z którą jest związane zaznaczone pole wyboru. W sytuacji tej użytkownik udziela po raz pierwszy odpowiedzi na pytanie.

Jeśli istnieje element związany z pytaniem, to w liście elementów terapii podmieniany jest element, który jest związany z pytaniem na wartość question?answer, a następnie usuwane są wszystkie elementy listy terapii, które się znajdują za podmienionym elementem.

Następnie pod węzeł o nazwie next podstawiany jest węzeł, który jest pierwszym węzłem krawędzi o etykiecie answer wychodzącej z węzła o identyfikatorze question. W kolejnym kroku wywoływana jest metoda goForward, która jako parametr przyjmuje m.in. węzeł next. Metoda updateRadioButtonList w kolejnym kroku odznacza wszystkie węzły i krawędzie i następnie koloruje je na nowo na podstawie listy elementów terapii. Tworzony jest także nowy obraz grafu za pomocą metody newImageGraph. Na końcu tworzona jest nowa lista pytań i odpowiedzi za pomocą metody createRadioButtonList.

Ostatecznie grafy prezentowane są po prawej stronie ekranu na zakładkach. Każda zakładka dotyczy wytycznych związanych z jedną z wybranych chorób. Z lewej strony ekranu pojawiają się natomiast zakładki z listami pól wyboru. W tym przypadku również jedna zakładka dotyczy jednej choroby. Listy pól wyboru pozwalają na udzielanie odpowiedzi na pytania zawarte w wytycznych klinicznych. Przykład wyświetlanych grafów przedstawiono na rys. 5.3.



Rysunek 5.3: Wyświetlanie grafów

5.3 Wyszukiwanie konfliktów

Celem tego kroku jest znalezienie konfliktów występujących między wytycznymi. Na początku program szuka w katalogu konflikty plików o rozszerzeniu txt oprócz pliku nazwy.txt. Następnie program sprawdza, czy można użyć pliku z konfliktami. Nazwa każdego pliku z konfliktami składa się z listy chorób oddzielonych przecinkami, których dotyczą konflikty. Jeśli jakaś choroba z tej listy znajduje się w wybranych podczas działania programu chorobach, plik zostaje użyty. Każdy plik z konfliktami składa się z linii złożonych z dwóch części. Pierwsza część zawiera elementy, których jednoczesne wystąpienie powoduje wystąpienie konfliktu. Elementy te są oddzielone spacją. Druga część linii zawiera zmiany, jakie należy wprowadzić w przypadku zaistnienia konfliktu. Zmiany te są oddzielone od siebie przecinkami. Jeśli plik zostaje użyty, do listy conflictsList dodawane są konflikty, a do listy interactionsList zmiany. Ponadto, do listy additionalQuestions do-

dawane są elementy opisujące konflikt, które rozpoczynają się znakiem "&". Dla elementów tych będzie trzeba udzielić odpowiedzi, ponieważ są to dane, które nie wystąpiły jawnie w wytycznych. Elementy konfliktów rozpoczynające się od "not" dodawane są do listy notConflictElems. Następnie program tworzy okienko dialogowe, które pozwala udzielić odpowiedzi na dodatkowe pytania. Pytania mogą być dwóch typów. Pierwszy typ występuje, gdy element nie posiada znaku równości, mniejszości ani większości. Wtedy udzielana odpowiedź ma postać tak/nie. Drugi typ to "zmienna operator liczba". Operator może być postaci "=", ">", "<", ">=" lub "<=". Dla tego typu elementu podawana jest wartość liczbowa w okienku dialogowym, a program sprawdza czy podana liczba spełnia warunek występujący w elemencie.

Po udzieleniu odpowiedzi na wszystkie dodatkowe pytania program przechodzi do kolejnej części wyszukiwania konfliktów o nazwie solveNextPart. Metoda solveNextPart najpierw wywołuje metodę findSolutions. Metoda ta dla każdego konfliktu wykonuje szereg operacji. Najpierw metoda sprawdza, czy konflikt znajduje się na liście foundConflicts. Lista foundConflicts zawiera konflikty, które zostały znalezione przez program. Jeśli konflikt nie znajduje się na tej liście tworzony jest obiekt klasy Solver. Następnie dodawane są zmienne na podstawie wcześniej udzielonych odpowiedzi na dodatkowe pytania. Dokonuje tego metoda setAdditionalVariables. Metoda ta sprawdza, czy pytanie jest typu tak/nie czy odpowiedzią na pytanie jest wartość liczbowa. W pierwszej sytuacji, jeśli odpowiedź jest równa tak, program tworzy zmienną biblioteki Choco typu IntVar o wartości równej jeden. Jeżeli odpowiedź jest równa nie, program tworzy zmienną IntVar o wartości równej zero. Jeśli odpowiedzią na pytanie jest wartość liczbowa, program tworzy zmienną IntVar o wartości równej podanej liczbie.

Po wykonaniu metody setAdditionalVariables program wywołuje metodę setVariables. Metoda ta dla każdej choroby tworzy tablicę terapii. W kolejnym kroku dla każdej terapii choroby tworzona jest zmienna IntVar o nazwie "choroba_terapiaX", gdzie choroba jest nazwą choroby, a X jest numerem terapii. Zmienna ta przyjmuje wartości zero, gdy określona terapia nie zostaje użyta lub jeden, gdy zostaje użyta. Zmienna jest zapisywana w tablicy terapii. Następnie program tworzy listę notConflictElemsTherapy, do której dodawane są te elementy konfliktu z listy notConflictElems, które nie znajdują się na liście elementów konkretnej terapii, ale znajdują się w grafie związanym z terapią. Elementy listy notConflictElemsTherapy są unikalne, nie powtarzają się. Następnie program tworzy tablicę vars, która będzie zawierała zmienne wchodzące w skład pojedynczej terapii. W kolejnym kroku dla każdego elementu listy notConflictElemsTherapy w tablicy vars zapisywane są zmienne o nazwie "not_X", gdzie X jest elementem terapii z notConflictElemsTherapy. Zmienna ta przyjmuje wartość 0, gdy zmienna związana z elementem terapii jest równa 1 i odwrotnie. Ponadto, dla każdego elementu terapii program zapisuje zmienną w tablicy vars. Jeśli zmienna posiada dawkę, tworzona jest zmienna "X_dosage", gdzie X jest elementem terapii. Po dodaniu wszystkich elementów określonej terapii program dodaje do

vars zmienną dodatkową, która pozwala na skorzystanie tylko z jednej terapii dla każdej z chorób. Następnie program dodaje ograniczenie polegające na tym, że zmienna "choroba_terapiaX" przyjmuje wartość jeden, gdy suma zmiennych należących do tablicy vars jest równa wielkości tej tablicy. Wartość zero przyjmuje zmienna terapii w przeciwnym razie. Po przejściu przez wszystkie terapie określonej choroby program dodaje ograniczenie polegające na tym, że suma zmiennych terapii choroby ma być równa jeden, czyli dla każdej choroby ma zostać użyta tylko jedna terapia.

Po wykonaniu metody setVariables program dodaje ograniczenia konfliktów. Najpierw dodawane są ograniczenia tych konfliktów, które występowały w poprzednich iteracjach pętli for i po których dodaniu zostało wygenerowane poprawne rozwiązanie (są to konflikty, które znajdują się na liście avoidedConflicts). Następnie dodawane jest ograniczenie konfliktu, które odpowiada aktualnej iteracji petli. Metoda dodawania ograniczeń konfliktu ma nazwę setConflictConstraint. Metoda ta najpierw tworzy liste o nazwie constraintsList. Następnie metoda wywołuje petle for dla każdego elementu wchodzącego w skład konfliktu. Pętla ta najpierw sprawdza czy element konfliktu zawiera znak równości, mniejszości lub większości. Jeśli tak nie jest, ale element konfliktu rozpoczyna się od operatora "not", program dodaje ograniczenie "not(zmienna=1)" do listy constraintsList. Jeśli element konfliktu nie zawiera znaku równości, mniejszości ani większości i nie rozpoczyna się od "not", program dodaje ograniczenie postaci "zmienna=1" do listy constraintsList. Jeżeli natomiast element konfliktu zawiera znak równości, mniejszości lub wiekszości, metoda wywołuje metodę o nazwie conflictWithDosage. Metoda ta dodaje ograniczenie postaci "zmienna operator wartość" do listy constraintsList w przypadku, gdy nazwa zmiennej rozpoczyna się od "&", czyli jest to zmienna dodatkowa, na która udzieliło się odpowiedzi w okienku dialogowym. Jeśli zmienna nie rozpoczyna się od "&", dodawane są dwa ograniczenia do constraintsList. Pierwsze ograniczenie jest postaci "zmienna=1", drugie natomiast jest postaci "zmienna_dosage operator wartość". Oba te ograniczenia są dodawane do listy constraintsList. Po wykonaniu pętli dla każdego elementu konfliktu metoda tworzy z listy constraintsList tablice, a nastepnie dodaje do solvera ograniczenie postaci not(and(ograniczenia)).

W następnym kroku program wywołuje metodę findSolution obiektu klasy Solver, które dokonuje znalezienie rozwiązania problemu. Jeśli rozwiązanie istnieje, do avoidedConflicts dodawany jest numer konfliktu na liście conflictsList. Jeśli natomiast nie ma rozwiązania, do foundConflicts dodawany jest konflikt oraz do interactionsList dodawane są zmiany odpowiadające konfliktowi. Ponadto, gdy nie ma rozwiązania program wywołuje metodę execute-Interactions, która dokonuje zmian w terapiach, a także program wywołuje rekurencyjnie metodę findSolutions, aby sprawdzić, czy wprowadzone zmiany nie spowodowały wystąpienia konfliktów, dla których już dokonało się przeglądu, oraz aby sprawdzić kolejne konflikty. Po wywołaniu metody findSolutions program ustawia wartość stop na true, co powoduje, że program nie sprawdza wystąpienia kolejnych konfliktów, ponieważ zrobiła już to wywołana rekurencyjnie metoda

findSolutions.

Ostatecznie, program dokonuje rozwiązania problemu z tymi ograniczeniami w postaci konfliktów, które znajdują się na liście avoidedConflicts. Po wygenerowaniu pierwszego rozwiązania program tworzy listę o nazwie solutions. Następnie w pętli do/while, która działa dopóki istnieje kolejne rozwiązanie, program zapisuje do zmiennej solution po przecinku nazwy zmiennych terapii, które posiadają wartość równą jeden. Następnie, jeśli zmienna solution nie znajduje się jeszcze w liście solutions, zmienna dodawana jest do tej listy. Na końcu program do listy therapies dodaje rozwiązania. Polega to na tym, że dla każdego elementu listy solutions o nazwie elem program tworzy listę o nazwie therapiesSolution. Następnie tworzy tablicę o nazwie array zawierającą elementy, które były w zmiennej elem rozdzielone przecinkami. W kolejnym kroku dla każdej choroby znajdującej się w liście diseases szuka elementu w tablicy array, którego nazwa rozpoczyna się od nazwy choroby. Następnie do listy therapiesSolution dodaje listę z therapiesDiseases o numerze równym numerowi choroby i podnumerze równym X znajdującym się w nazwie zmiennej terapii "choroba_terapiaX". Lista therapiesDiseases zawiera terapie wszystkich wybranych chorób zgodne z udzielonymi odpowiedziami na pytania znajdujące się w wytycznych. Na końcu program wywołuje metodę setResults, która pozwala na zaprezentowanie wyników.

5.4 Wyświetlanie wyników

Ostatni krok polega na wyświetleniu grafów wynikowych prezentujących rozwiązania, a także utworzeniu listy znalezionych konfliktów wraz z wprowadzanymi zmianami. Program prezentuje wyniki za pomocą metody setResults. Na początku metoda wywołuje inną metodę o nazwie setGraphs. Zajmuje się ona wyświetleniem wyników w postaci grafów. Najpierw metoda usuwa wszystkie zakładki z rozwiązaniami z zakładki "Grafy". W kolejnym kroku wywołuje dwie pętle, z których druga się zawiera w pierwszej. Pierwsza pętla porusza się po rozwiązaniach, druga po terapiach pojedynczego rozwiązania. Dla każdej terapii, która jest związana z określoną chorobą, tworzony jest odpowiedni graf. Następnie metoda wywołuje pętlę po grupach zmian poszczególnych konfliktów oraz po pojedynczych zmianach.

Dla każdej zmiany sprawdzany jest jej typ. Zmiany mogą być kilku typów. Pierwszy typ to "replace X with Y", który polega na tym, że węzeł X zamienia się na węzeł Y. Kolejny typ to "add X before/after Y", który charakteryzuje się tym, że węzeł X jest dodawany przed lub po elemencie Y w zależności od tego, czy zostało użyte before czy after. Kolejnym typem jest "remove X", które polega na usunięciu węzła X. Istnieją jeszcze typy zmian postaci "increase_dosage X Y", "decrease_dosage X Y", które powodują zwiększenie lub zmniejszenie dawki węzła X o Y. Ostatnim typem jest "change_dosage X Y", które polega na zmianie dawki węzła X na wartość Y.

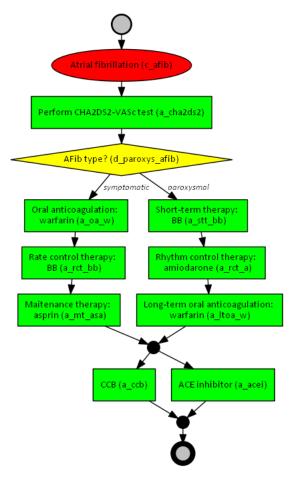
Jeśli zmiana jest typu "replace", najpierw program szuka węzła o identyfikatorze równym elementowi, który należy zamienić. Po znalezieniu takiego węzła z pliku nazwy.txt odczytywana jest etykieta elementu, który ma się znaleźć na miejscu zamienianego elementu. Etykieta jest następnie zapisywana jako etykieta znalezionego wezła. Ponadto, program zamienia identyfikator znalezionego węzła na nowy. Jeśli zmiana jest typu "add", program szuka węzła, przed lub za którym ma zostać umieszczony nowy węzeł. Następnie program tworzy nowy węzeł, nadaje mu etykietę pobrana z pliku nazwy.txt i dodaje węzeł do grafu. Następnie, jeżeli element, względem którego ma zostać wstawiony nowy węzeł jest postaci "pytanie?odpowiedź", dla krawędzi, która ma etykietę "odpowiedź", program ustawia węzeł docelowy krawędzi na nowo utworzony węzeł. Następnie, program tworzy nowa krawedź, której wezłem źródłowym jest nowo utworzony wezeł, a wezłem docelowym jest węzeł docelowy krawędzi o etykiecie "odpowiedź". Powoduje to umieszczenie nowego węzła na początku krawędzi z etykietą "odpowiedź". Jeżeli natomiast element, względem którego ma być wstawiony nowy węzeł nie jest typu "pytanie?odpowiedź", mogą wystąpić dwa przypadki. Pierwszy przypadek występuje, gdy zmiana jest typu "add X after Y", drugi, gdy zmiana jest typu "add X before Y". Dla tych sytuacji nowy wezeł jest umieszczany odpowiednio za lub przed węzłem Y.

W przypadku, gdy typ zmiany to "remove", program przypisuje znalezionemu węzłowi atrybut style na wartość "invis", atrybut fixedsize na "true" oraz atrybuty height i width na "0". Powoduje to, że węzeł usunięty staje się niewidoczny na tworzonym grafie. Dla typów zmian "increase_dosage", "decrease_dosage" i "change_dosage" odpowiednio zmienia się końcową część etykiety z nawiasami kwadratowymi, która przedstawia dawkę. Na końcu metoda setGraphs dla każdego grafu wywołuje metodę color zaznaczającą przebyte węzły i krawędzie, a następnie metodę newImageGraph, która powoduje wygenerowanie grafu w postaci obrazkowej.

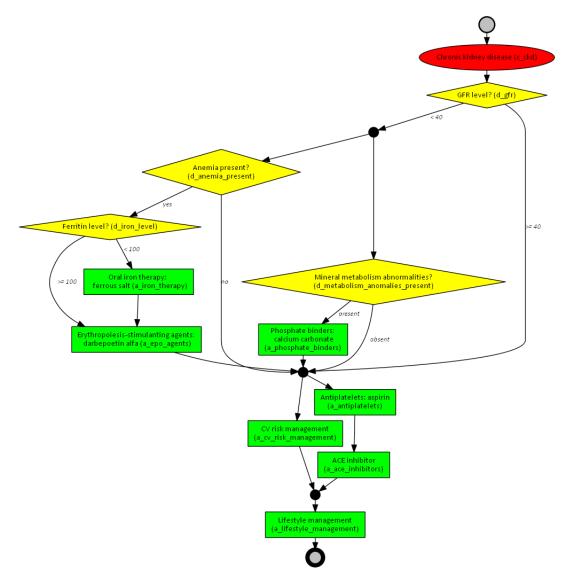
Po wywołaniu metody setGraphs program tworzy rozwiązania tekstowe. Polega to na utworzeniu dla każdego rozwiązania i dla każdej choroby pojedynczego rozwiązania dwóch pól tekstowych. Pierwsze z nich przedstawia etykiety przebytych węzłów, a drugie ich identyfikatory. Etykietę węzła otrzymuje się przez znalezienie węzła o identyfikatorze równym elementowi terapii, a następnie odczytanie jego etykiety. Dla węzła pytającego program wypisuje dodatkowo etykietę wybranej krawędzi. Jeśli jest taka potrzeba, program szuka etykiety węzła w pliku nazwy.txt. Drugie pole tekstowe, z identyfikatorami, program tworzy wypisując elementy terapii z listy. Elementy są oddzielone od siebie znakiem nowej linii. Po utworzeniu pól tekstowych program umieszcza je na panelu, który jest z kolei umieszczany na zakładce. Na końcu program wypisuje w odpowiednim polu tekstowym konflikty i związane z nimi zmiany. Podczas wypisywania konfliktów i zmian program szuka odpowiednich etykiet wezłów w grafie lub w pliku nazwy.txt.

5.5 Przykładowe działanie programu

W tym przykładzie zostały wybrane dwie choroby: migotanie przedsionków (ang. attrial fibrillation, rys. 5.4) oraz przewlekła choroba nerek (ang. chronic kidney disease, rys. 5.5).



Rysunek 5.4: Wytyczne dla migotania przedsionków



Rysunek 5.5: Wytyczne dla przewlekłej choroby nerek

Węzły grafów posiadają etykiety zawierające na końcu w nawiasach identyfikatory swoich węzłów. Dla pierwszej z chorób na początku program zatrzymuje się na pierwszym pytaniu "AFib Type?", zapisując wcześniej do listy elementów terapii węzeł startowy, węzeł określający chorobę oraz węzeł "Perform CHA2DS2-VASc test". Po udzieleniu odpowiedzi "paroxysmal" program dodaje do listy "d_paroxys_afib?paroxysmal", a następnie trzy węzły: "Short-term therapy: BB", "Rhythm control therapy: amiodarone" i "Long-term oral anticoagulation: warfarin". Następnie program dodaje węzeł rozpoczynający ścieżki równoległe, następnie dwa węzły znajdujące się na ścieżkach równoległych (najpierw węzeł "CCB", następnie węzeł "ACE inhibitor"), a później węzeł kończący ścieżki równoległe. Ostatecznie program dodaje węzeł końcowy grafu.

Dla drugiej choroby, czyli przewlekłej choroby nerek, program zatrzymuje się na pytaniu "GFR level?", dodając po drodze węzeł startowy oraz węzeł choroby. Po udzieleniu odpowiedzi "<40"

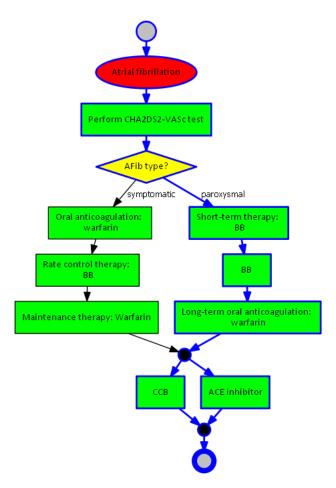
program dodaje do listy "d_gfr?<40", a następnie trafia na węzeł rozpoczynający ścieżki równoległe, który również jest dodawany do listy. W kolejnym kroku program zatrzymuje się na pytaniu znajdującym się na lewej równoległej krawędzi: "Anemia present?". Po udzieleniu odpowiedzi "no" program dodaje do listy "d_anemia_present?no", a następnie wraca do prawej krawędzi równoległej i zatrzymuje się na pytaniu "Mineral metabolism abnormalities?". Po udzieleniu odpowiedzi "absent" program dodaje do listy "d_metabolism_anomalies_present?absent". Następnie program umieszcza na liście węzeł kończący ścieżki równoległe, który jednocześnie rozpoczyna kolejne ścieżki równoległe. W kolejnym kroku program dodaje element znajdujący się na lewej krawędzi równoległej, czyli "CV risk management", a następnie elementy znajdujące się na prawej krawędzi równoległej, czyli "Antiplatelets: aspirin" oraz "ACE inhibitor". Ostatecznie dodawany jest węzeł kończący ścieżki równoległe, węzeł "Lifestyle management" oraz węzeł końcowy grafu.

Po udzieleniu odpowiedzi na pytania i kliknięciu przycisku "Dalej" program przechodzi do fazy wyszukiwania konfliktów. Najpierw program odczytuje plik z konfliktami dotyczącymi migotania przedsionków oraz przewlekłej choroby nerek. Plik ten ma następującą zawartość:

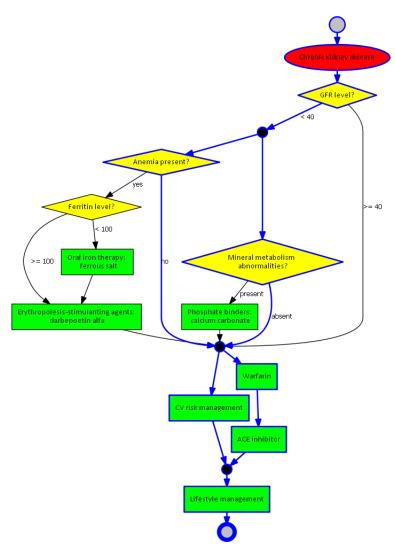
```
c_htn c_ckd:remove a_step1_acei,remove a_step1_ccb
c_afib c_ckd c_htn:remove a_step3_diuretric
c_afib c_ckd:replace a_antiplatelets with warfarin,replace a_rct_a with BB
c_afib c_ckd &CHA2DS2-VASc>2:replace a_mt_asa with warfarin2
c_afib c_ckd &CHA2DS2-VASc<=1:replace a_oa_w with aspirin1,
replace a_ltoa_w with aspirin2</pre>
```

Następnie program uruchamia okienko dialogowe z jedną zmienną do uzupełnienia o nazwie CHA2-DS2-VASc. Po przypisaniu do tej zmiennej wartości 5 program zaczyna wyszukiwać konflikty. Ostatecznie program znajduje dwa konflikty: (c_afib c_ckd) oraz (c_afib c_ckd &CHA2DS2-VASc>2). Pierwsze dwa konflikty nie wystąpiły, ponieważ nie wybrano choroby o identyfikatorze c_htn. Ostatni konflikt nie wystąpił natomiast dlatego, że zmienna CHA2DS2-VASc przyjmuje wartość większą od 1.

W kolejnym kroku program tworzy zmodyfikowane grafy wynikowe, które zawierają zmiany wprowadzone w celu uniknięcia konfliktów. Graf dla migotania przedsionków został przedstawiony na rys. 5.6, natomiast graf dla przewlekłej choroby nerek jest na rys. 5.7. W grafie dla migotania przedsionków zamieniony został węzeł "Maintenance therapy: aspirin" na węzeł "Maintenance therapy: Warfarin" oraz węzeł "Rhytm control therapy: amiodarone" na węzeł "BB". W grafie dla przewlekłej choroby nerek został zamieniony węzeł "Antiplatelets: aspirin" na węzeł "Warfarin".



Rysunek 5.6: Wytyczne dla migotania przedsionków



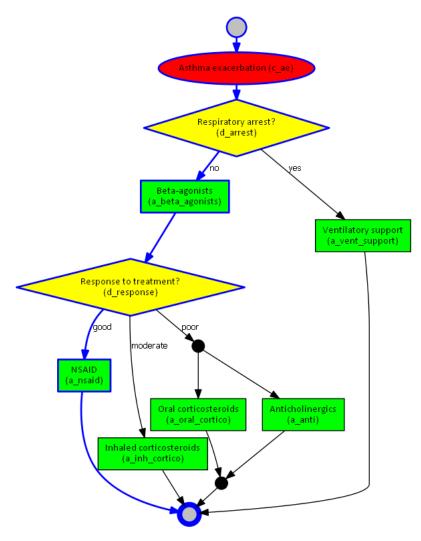
Rysunek 5.7: Wytyczne dla przewlekłej choroby nerek

Działanie systemu

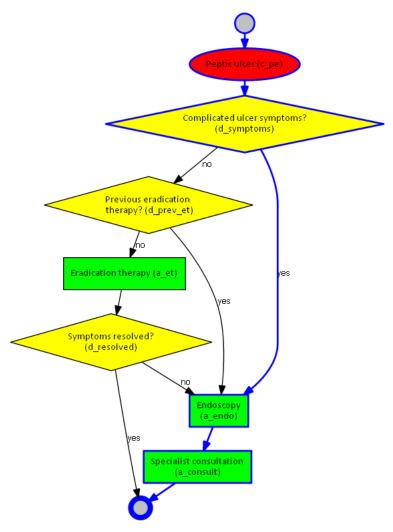
Działanie systemu zostanie zaprezentowane w oparciu o kilka przykładów. Dla każdego przykładu przedstawione zostały grafy z zaznaczonymi ścieżkami, które zostały wybrane podczas etapu udzielania odpowiedzi. Odpowiedzi na pytania są także przedstawione w formie tekstowej. Następnie, dla każdego przykładu przedstawiono listę konfliktów, które mogą wystąpić oraz zmiany, jakie należy wprowadzić w przypadku ich wystąpienia. Węzły grafów posiadają etykiety, które zawierają na końcu w nawiasach identyfikatory swoich węzłów. Identyfikatory te są używane przy opisie konfliktów oraz zmian. Pogrubioną czcionką zaznaczono znalezione konflikty.

6.1 Przypadek 1 - atak astmy i wrzód trawienny

Wytyczne dla ataku astmy (ang. asthma exacerbation) przedstawiono na rys. 6.1. Wytyczne dla wrzodu trawiennego (ang. peptic ulcer) przedstawiono na rys. 6.2.



Rysunek 6.1: Wytyczne dla ataku astmy



Rysunek 6.2: Wytyczne dla wrzodu trawiennego

Odpowiedzi na pytania:

- 1. Atak astmy:
 - Respiratory arrest?: no
 - Response to treatment?: good
- 2. Wrzód trawienny:
 - Complicated ulcer symptoms?: yes

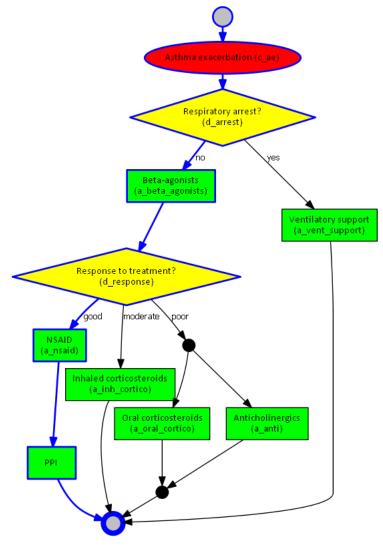
Konflikty:

c_pe a_oral_cortico:replace a_oral_cortico with a_inh_cortico2

c_pe a_nsaid:add ppi after a_nsaid

a_et a_inh_cortico:replace a_inh_cortico with a_oral_cortico2

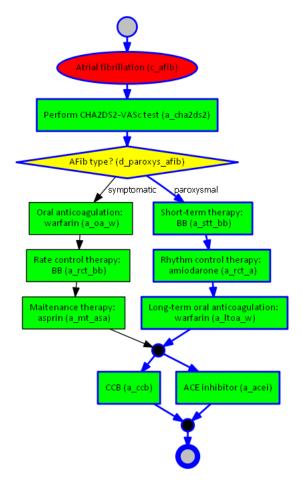
Graf wynikowy dla ataku astmy przedstawiono na rys. 6.3. Graf wynikowy dla wrzodu trawiennego jest identyczny jak ten z rys. 6.2.



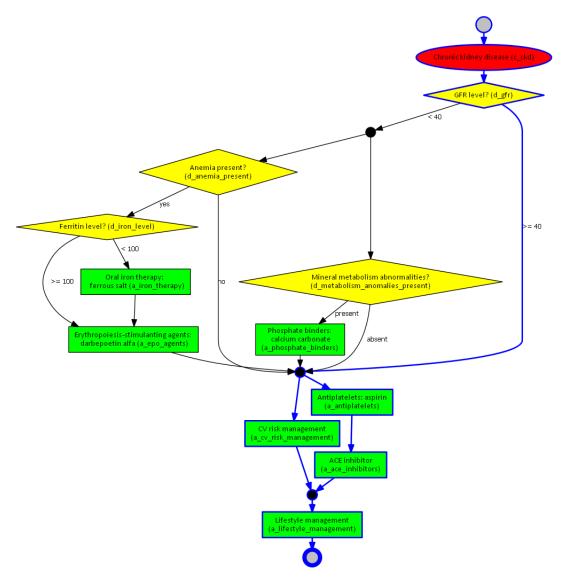
Rysunek 6.3: Graf wynikowy dla ataku astmy

6.2 Przypadek 2 - migotanie przedsionków, przewlekła choroba nerek i nadciśnienie

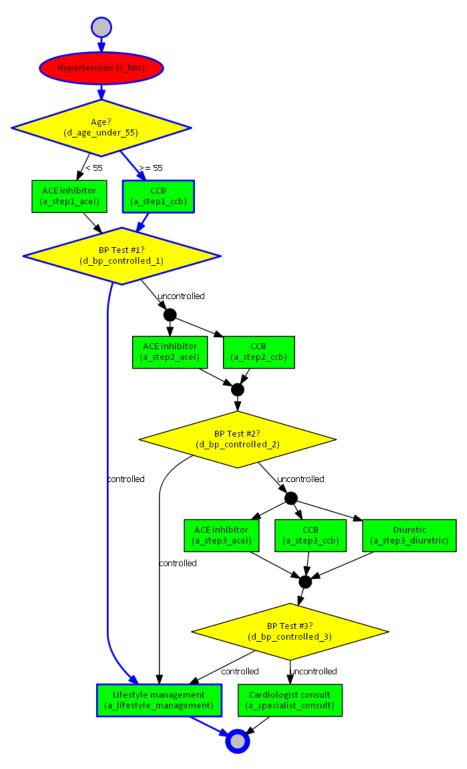
Wytyczne dla migotania przedsionków (ang. atrial fibrillation) przedstawiono na rys. 6.4. Wytyczne dla przewlekłej choroby nerek (ang. chronic kidney disease) przedstawiono na rys. 6.5. Wytyczne dla nadciśnienia (ang. hypertension) przedstawiono na rys. 6.6.



Rysunek 6.4: Wytyczne dla migotania przedsionków



Rysunek 6.5: Wytyczne dla przewlekłej choroby nerek



Rysunek 6.6: Wytyczne dla nadciśnienia

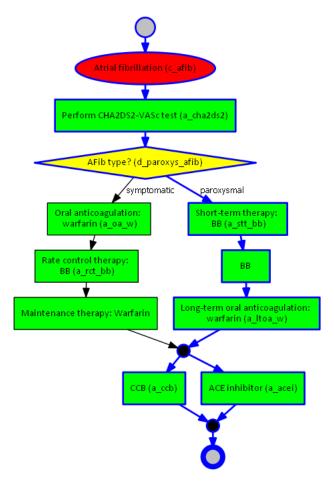
Odpowiedzi na pytania:

- 1. Migotanie przedsionków:
 - AFib type?: paroxysmal
- 2. Przewlekła choroba nerek:
 - GFR level?: >=40
- 3. Nadciśnienie:
 - Age?: >=55
 - BP Test #1?: controlled
- 4. CHA2DS2-VASc = 5 (Parametr ten nie pojawia się jawnie w wytycznych, użytkownik jest proszony o podanie tej wartości)

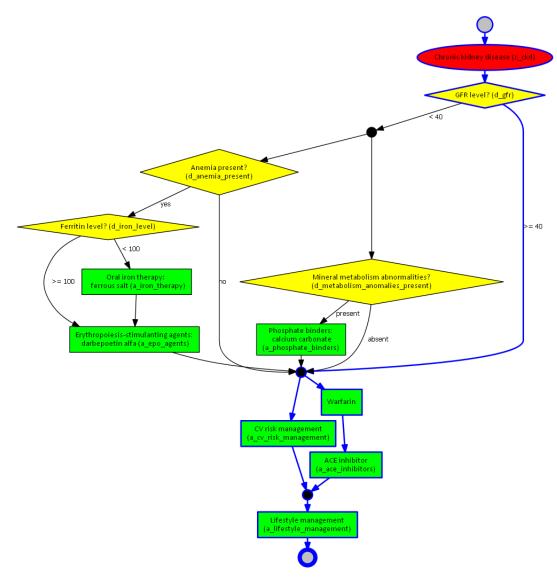
Konflikty:

- c_htn c_ckd:remove a_step1_acei,remove a_step1_ccb
- c_afib c_ckd c_htn:remove a_step3_diuretric
- c_afib c_ckd:replace a_antiplatelets with warfarin,replace a_rct_a with BB
- c_afib c_ckd &CHA2DS2-VASc>2:replace a_mt_asa with warfarin2
- c_afib c_ckd &CHA2DS2-VASc <=1:replace a_oa_w with a spirin1,replace a_ltoa_w with a spirin2

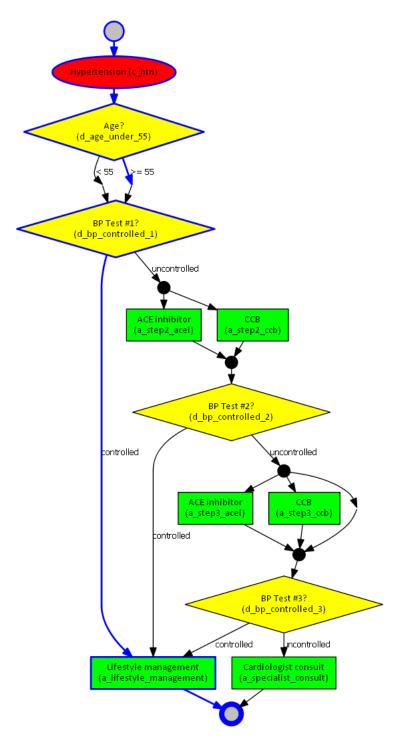
Graf wynikowy dla migotania przedsionków przedstawiono na rys. 6.7, dla przewlekłej choroby nerek na rys. 6.8, natomiast dla nadciśnienia na rys. 6.9.



Rysunek 6.7: Graf wynikowy dla migotania przedsionków



Rysunek 6.8: Graf wynikowy dla przewlekłej choroby nerek

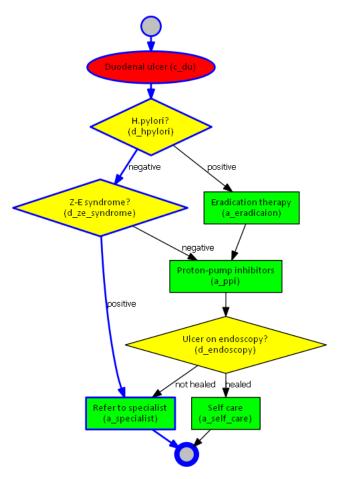


Rysunek 6.9: Graf wynikowy dla nadciśnienia

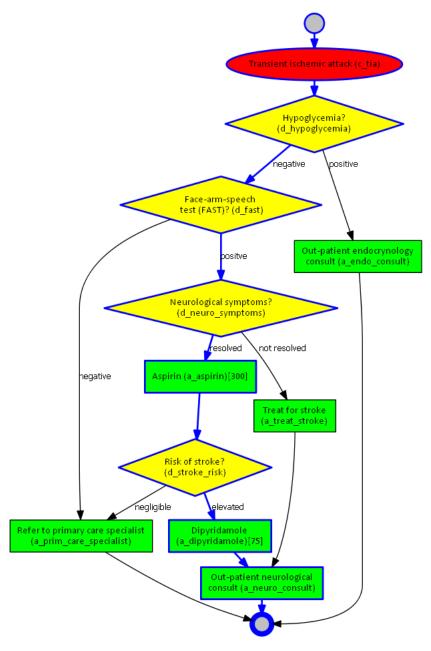
6.3 Przypadek 3 - wrzód dwunastnicy i przemijający atak niedokrwienny

Wytyczne dla wrzodu dwunastnicy (ang. duodenal ulcer) przedstawiono na rys. 6.10.

Wytyczne dla przemijającego ataku niedokrwiennego (ang. transient ischemic attack) przedstawiono na rys. 6.11.



Rysunek 6.10: Wytyczne dla wrzodu dwunastnicy



Rysunek 6.11: Wytyczne dla przemijającego ataku niedokrwiennego

Odpowiedzi na pytania:

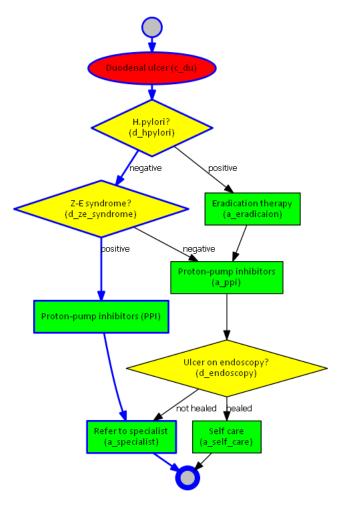
- 1. Wrzód dwunastnicy:
 - H.pylori?: negative
 - Z-E syndrome?: positive
- 2. Przemijający atak niedokrwienny:
 - Hypoglycemia?: negative
 - Face-arm-speech test (FAST)?: positive
 - Neurological symptoms?: resolved
 - Risk of stroke?: elevated

Konflikty:

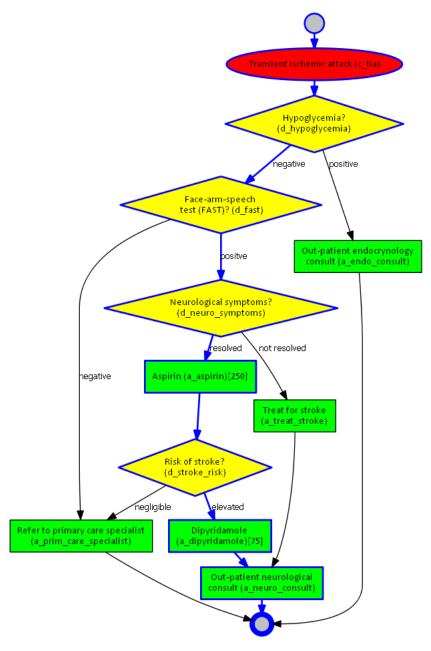
c_du a_aspirin not(a_ppi) not(a_dipyridamole):replace a_aspirin with cl

c_du a_aspirin not(a_ppi) a_dipyridamole:
add a_ppi2 after d_ze_syndrome?positive, decrease_dosage a_aspirin
 $50\,$

Graf wynikowy dla wrzodu dwunastnicy przedstawiono na rys. 6.12, natomiast dla przemijającego ataku niedokrwiennego na rys. 6.13.



Rysunek 6.12: Graf wynikowy dla wrzodu dwunastnicy



Rysunek 6.13: Graf wynikowy dla przemijającego ataku niedokrwiennego

Rozdział 7

Podsumowanie

7.1 Osiągnięte cele

Podsumowując, wszystkie zamierzenia pracy zostały zrealizowane. Wynikiem pracy jest działający program wyszukujący konflikty występujące między stosowanymi terapiami chorób i proponujący rozwiązania ewentualnych konfliktów.

7.2 Problemy przy realizacji pracy

Do problemów przy realizacji pracy należy zaliczyć kwestię związaną z wyborem biblioteki służącej do przetwarzania grafów. Ostatecznie wybrana została biblioteka JPGD, ponieważ jest to dość prosta biblioteka. W bardzo łatwy sposób uzyskuje się dostęp do obiektu klasy Graph i podrzędnych obiektów klas Node oraz Edge. Niestety, skorzystanie z tej biblioteki wiązało się z naprawą pewnych błędów związanych z ponownym uzyskiwaniem grafu w wersji tekstowej. Konieczna była modyfikacja funkcji toString dla klas Graph, Node oraz Edge, ponieważ generowane początkowo przez bibliotekę grafy w wersji tekstowej nie pozwalały na wygenerowanie grafu w wersji obrazkowej przez program dot.exe. Przyczyna błędu tkwiła w tym, że biblioteka nie radziła sobie z pustymi wartościami atrybutów. Ponadto, trzeba było zrezygnować z korzystania z podgrafów, ponieważ były one niewłaściwie przez bibliotekę interpretowane.

Kolejnym problemem przy realizacji pracy była konieczność zapoznania się z bibliotekami Choco, JPGD oraz oprogramowaniem Graphviz. W przypadku bibliotek Choco i JPGD konieczne było zrozumienie ich dokumentacji. Jeśli chodzi o Graphviz, to główny problem stanowiło zapoznanie się z działaniem programów do tworzenia grafów w formie konsolowej (dot.exe) oraz okienkowej (gvedit.exe).

7.3 Kierunki dalszego rozwoju

Kierunki dalszego rozwoju dzielą się na kierunki związane z podejściem oraz związane z implementacją. Do tych pierwszych można zaliczyć uwzględnianie czasu w wytycznych i konfliktach, które polegałoby na tym, że konflikt występuje wtedy, gdy dwie akcje są wykonywane w tym samym czasie. Ponadto, do kierunków związanych z podejściem mogłoby należeć uwzględnianie kosztów w konfliktach. Wtedy metoda wybierałaby rozwiązanie konfliktu o najmniejszym koszcie.

Jeśli chodzi o implementację, to dalszy rozwój projektu mógłby dążyć do bardziej interaktywnej odpowiedzi na pytania. Program mógłby pozwalać na klikanie na krawędzie grafu zamiast wybierać odpowiedzi za pomocą pól wyboru. Ponadto, program mógłby wspierać także inne formaty grafów, nie tylko format Graphviza o rozszerzeniu dot. Dobrymi pomysłami byłyby także integracja programu z zewnętrznymi systemami w celu pobrania danych pacjenta oraz przygotowanie wersji na aplikacje mobilne.

Bibliografia

- [1] Choco 3 Solver User Guide. http://choco-solver.org/user_guide/1_overview.html. [Przeglądano 2015-09-29].
- [2] Constraint logic programming Wikipedia. https://en.wikipedia.org/wiki/Constraint_logic_programming. [Przeglądano 2015-09-29].
- [3] Graphviz Graph Visualization Software. http://www.graphviz.org. [Przeglądano 2015-09-29].
- [4] JPGD Java-based Parser for Graphviz Documents. http://www.alexander-merz.com/graphviz. [Przeglądano 2015-09-29].
- [5] The ECLiPSe Constraint Programming System. http://eclipseclp.org. [Przeglądano 2015-09-29].
- [6] A. Latoszek-Berendsen, H. Tange, H. J. van den Herik, A. Hasman. From Clinical Practice Guidelines to Computer-interpretable Guidelines. Methods Inf Med., 49(6):550–570, 2010.
- [7] C. M. Boyd, J. Darer, C. Boult, L. P. Fried, L. Boult, A. W. Wu. Clinical Practice Guidelines and Quality of Care for Older Patients With Multiple Comorbid Diseases. *JAMA*, 294(6):716– 724, 2005.
- [8] K. Janczura, T. Gabiga. Wprowadzenie do Programowanie Logicznego z Ograniczeniami z wykorzystaniem ECLiPSe.
- [9] L. Piovesan, P. Terenziani. A Mixed-Initiative approach to the conciliation of Clinical Guidelines for comorbid patients. W: Proceedings of International Joint Workshop KR4HC 2015 -ProHealth 2015 (in conjunction with AIME 2015). 2015, 73-86.
- [10] A. Niederliński. Programowanie w logice z ograniczeniami. Łagodne wprowadzenie dla platformy ECLiPSe. Wydawnictwo Pracowni Komputerowej Jacka Skalmierskiego, 2014.
- [11] S. Wilk, M. Michalowski, X. Tan and W. Michalowski. Using First-Order Logic to Represent Clinical Practice Guidelines and to Mitigate Adverse Interactions. W: S. Miksch, D. Riano, A. ten Teije (red.): Knowledge Representation for Health Care. 6th International Workshop, KR4HC 2014, held as part of the Vienna Summer of Logic, VSL 2014, Vienna, Austria, July 21, 2014. Revised Selected Papers. Springer, 2014, 45-61.
- [12] S. Wilk, W. Michalowski, M. Michalowski, K. Farion, M. M. Hing, S. Mohapatra. Mitigation of Adverse Interactions in Pairs of Clinical Practice Guidelines Using Constraint Logic Programming. *Journal of Biomedical Informatics*, 46(2):341–353, 2013.