

Načteme dataset "studenti20.RData".

```
load("C:\\Users\\marek\\Desktop\\biostatistika\\úkol 1\\studenti20.RData")
attach(studenti20) #zjednodušíme si práci s daty
```

Příklad 1:

```
mean(zapesti.leve)
## [1] 157.7857

median(zapesti.leve)
## [1] 155

quantile(zapesti.leve)
##   0%   25%   50%   75%  100%
##  130   150   155   165   201

sd(zapesti.leve)
## [1] 12.38634

mean(bota)
## [1] 40.04643

median(bota)
## [1] 39

quantile(bota)
##   0%   25%   50%   75%  100%
##   36   38   39   42   48

sd(bota)
## [1] 2.71281
```

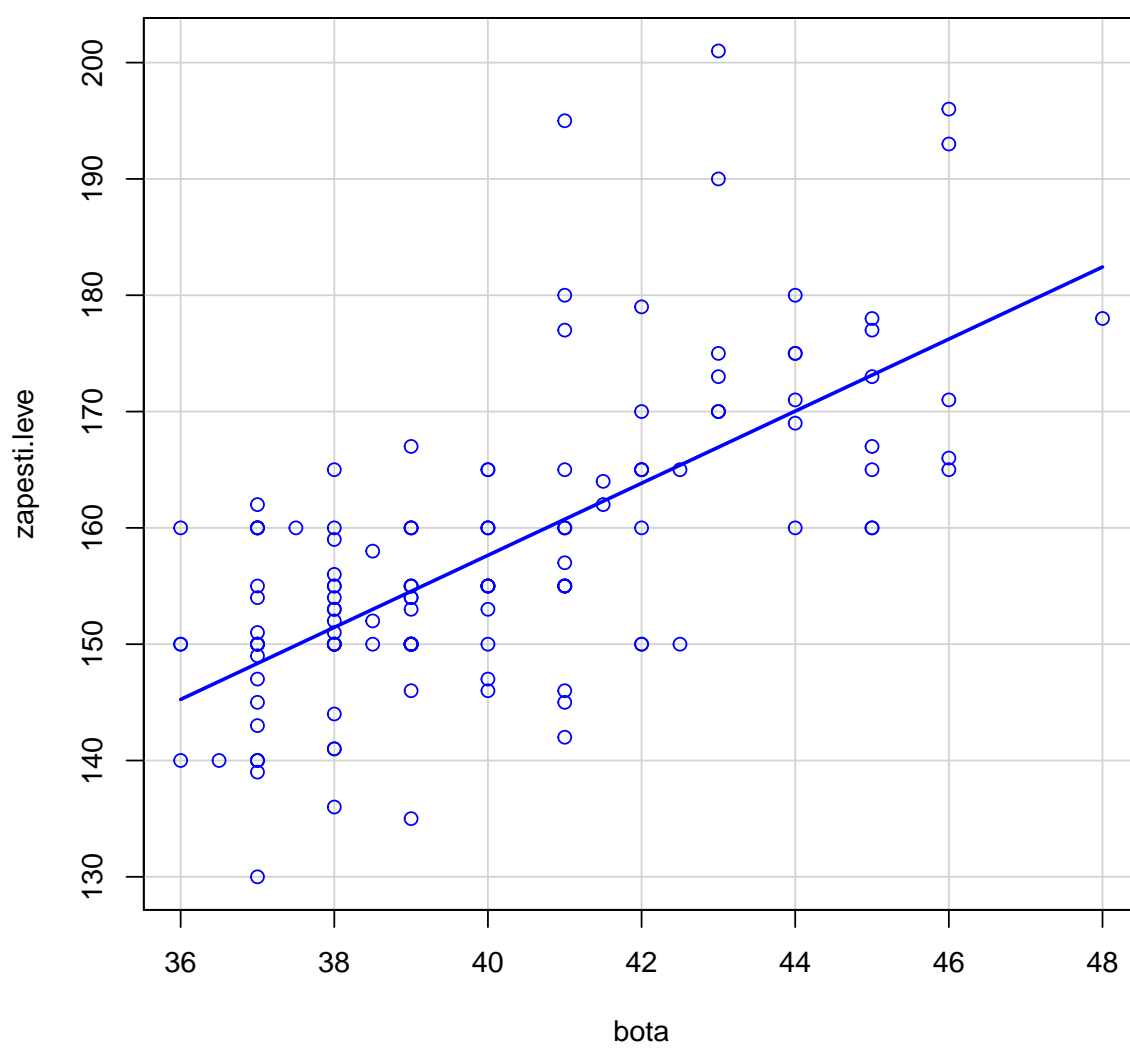
Průměr šířky levého zápěstí je 157,79 mm, medián je 155 mm, první kvartily 150 mm, třetí kvartil 165 mm a směrodatná odchylka je 12,39. Průměr velikosti bot je 40,05, medián je 39, první kvartil 38, třetí kvartil 42 a směrodatná odchylka je 2,71.

Příklad 2:

```
cor(zapesti.leve, bota)
## [1] 0.6784696

scatterplot(zapesti.leve~bota, regLine=TRUE, smooth=FALSE, boxplots=FALSE)
```

Velikost zápěstí a velikost bot mají 67.78 % korelaci



Obrázek 1: Závislost mezi velikostí bot a velikostí zápěstí