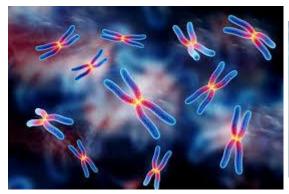
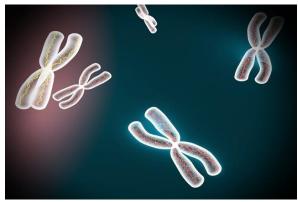


Universidade Federal do Acre Centro de Ciências da Saúde e dos Desportos

Citogenética









Profa Leila P Peters
UFAC

Conteúdo programático

- Casos Clínicos;
- Conceitos de citogenética;
- Citogenética clássica;
- Citogenética molecular;
- > Correlação das técnicas citogenéticas com os casos clínicos.

> Histórico e exame clínico

- 1- Uma menina de 14 anos de idade foi encaminhada à clinica de endrocrinologia para avaliação da ausência de características sexuais secundárias;
- 2- Sempre teve saúde boa e intelecto normal;
- 3- Nenhum outro membro da família tinha problemas semelhantes;
- 4- Seu exame físico apresentou: baixa estatura, tórax largo com mamilos amplamente espaçados, desenvolvimento sexual atrasado ou ausente.

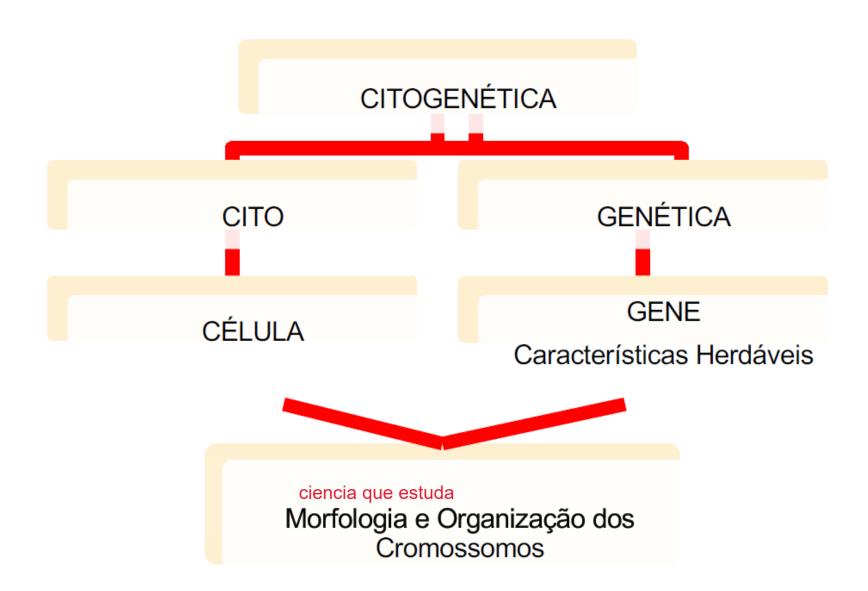
> Histórico e exame clínico

- 1- Uma mulher de 45 anos apresentou se ao médico para exames rotineiros;
- 2- Estava em bom estado de saúde e sem queixas específicas;
- 3- O resultado do hemograma: elevada taxa de glóbulos brancos, esfregaço de sangue periférico revelou basofilia e granulócitos imaturos;
- 4- Nas análises ancológicas descobriu se que sua medula óssea estava hipercelular e com um número aumentado de células mieloides.

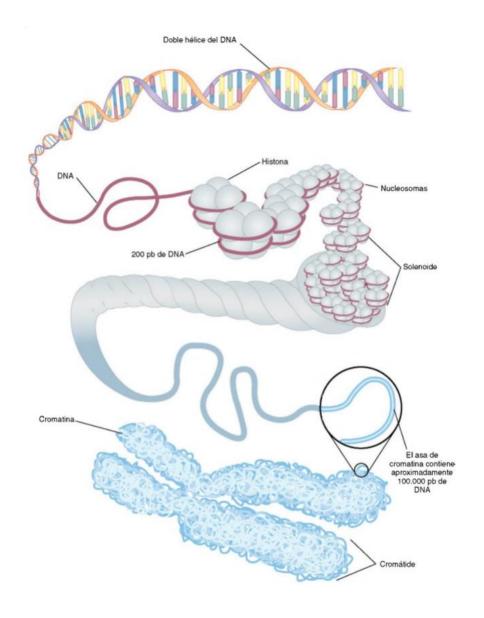
> Histórico e exame clínico

- 1- Um menino de 3 anos de idade foi encaminhado à clinica de genética medica para avaliação de seu atraso na fala;
- 2- Andou com 14 meses e falou suas primeiras palavras aos 30 meses;
- 3- Seu exame físico apresentou: orelhas simples com baixa implantação, uma única prega transversal palmar da mão esquerda;
- 4- Seus pais o descrevem como um solitário "prefere brincar sozinho que com os colegas".

> O que é citogenética?



O que é citogenética?



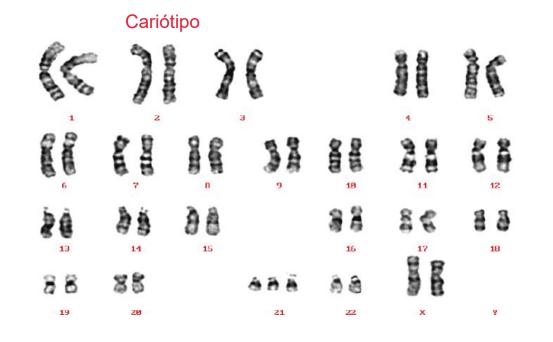
Citologia + genética = citogenética

"Compreende todo e qualquer estudo relativo ao cromossomo isolado ou em conjunto, condensado ou distendido, tanto no que diz respeito a sua morfologia, organização, função e replicação quanto a sua variação e evolução." (Guerra, 1988)

Citogenética clínica

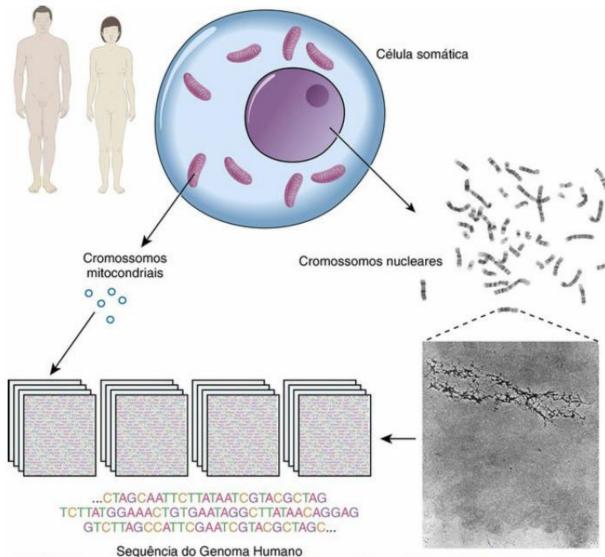
É o estudo dos cromossomos, sua estrutura, aplicado à prática médica.

Mudanças no número ou na estrutura dos cromossomos podem ser responsáveis por várias condições clínicas, sendo referidas como transtorno cromossômicos.



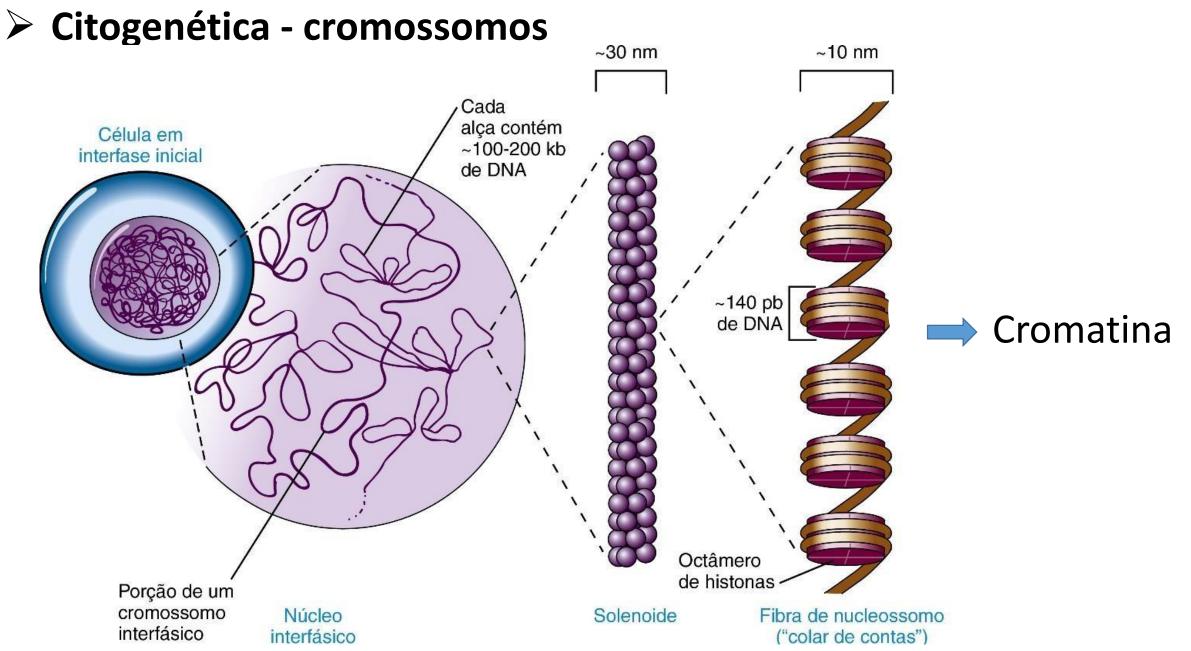
Síndrome de Down - trissomia do cromossomo 21

Citogenética - cromossomos



Genoma humano é codificado tanto nos cromossomos nucleares quanto nos cromossomos mitocondriais.

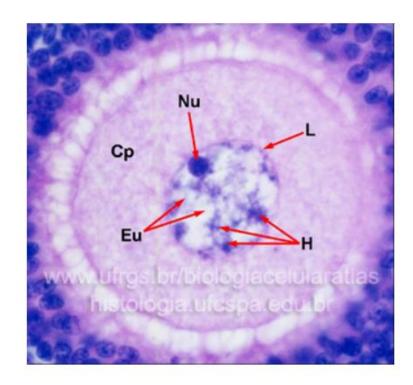
FIGURA 2-1 Genoma humano, codificado tanto nos cromossomos nucleares quanto nos cromossomos mitocondriais. Veja Fontes & Agradecimentos.



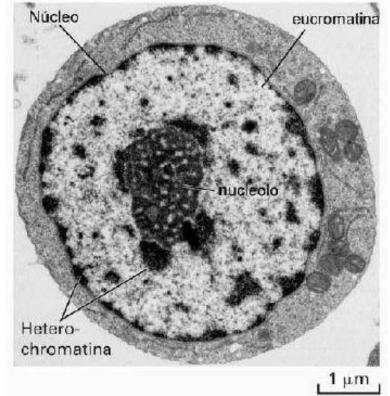
Citogenética - cromossomos

Do ponto de vista citogenético, a cromatina como um todo pode ser classificada em duas categorias principais:

Eucromatina – regiões do DNA menos condensadas, Heterocromatina – regiões do DNA mais condensadas.



Micrografia de luz de um oócito



(Lodish, H, 2014)

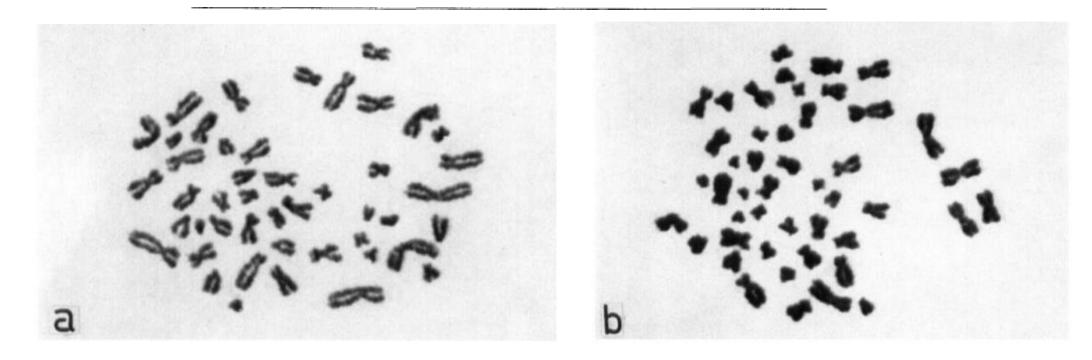
Micrografia eletrônica de uma célula tronco da medula óssea

THE CHROMOSOME NUMBER OF MAN

By JOE HIN TJIO and ALBERT LEVAN

ESTACION EXPERIMENTAL DE AULA DEI, ZARAGOZA, SPAIN, AND CANCER CHROMOSOME
LABORATORY, INSTITUTE OF GENETICS, LUND, SWEDEN

Publicado em 1956



Conclusão: as células somáticas em humanos era constituída em 46 cromossomos

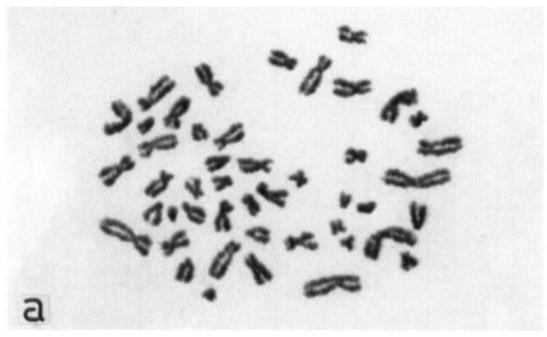
Como foi realizado esse estudo?

THE CHROMOSOME NUMBER OF MAN

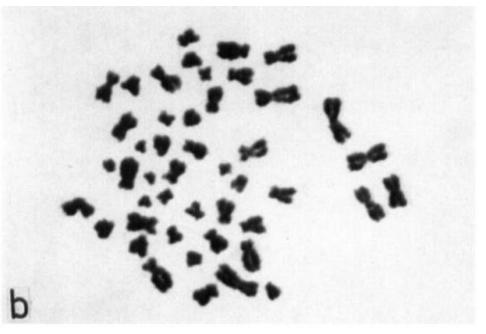
By JOE HIN TJIO and ALBERT LEVAN

ESTACION EXPERIMENTAL DE AULA DEI, ZARAGOZA, SPAIN, AND CANCER CHROMOSOME LABORATORY, INSTITUTE OF GENETICS, LUND, SWEDEN

- Fibroblastos pulmonares embrionários de humanos;
- Colchicina;
- Solução hipotônica;
- Giemsa

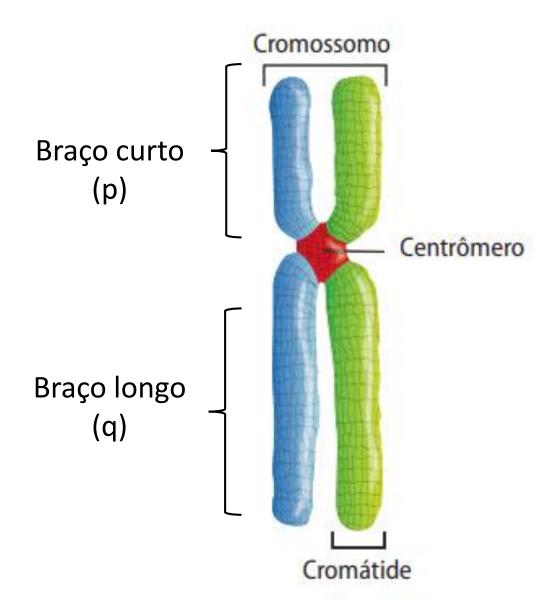


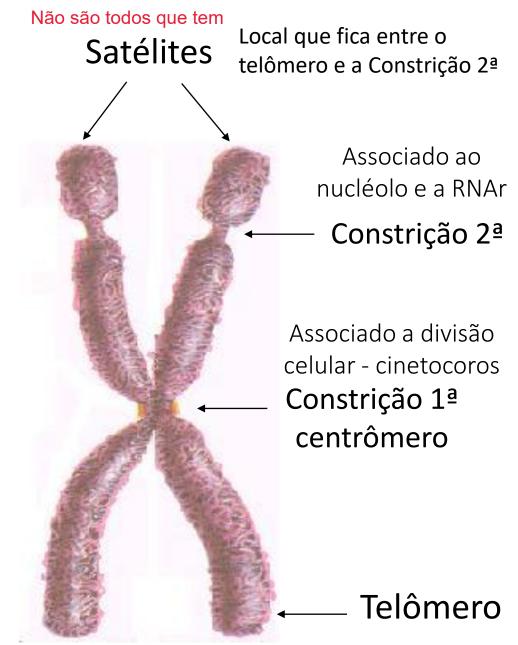
Pré-metáfase



Metáfase

> Citogenética clássica





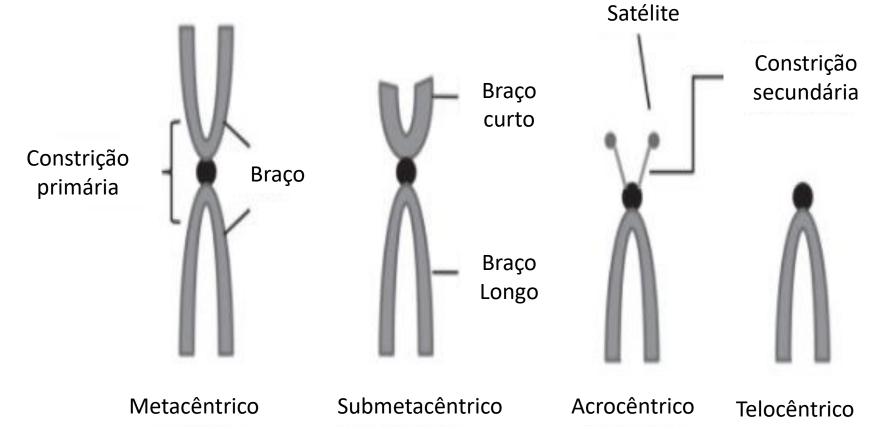
Sequências repetitivas de DNA que existem nas extremidades de todos os cromossomos.

Conferência de Denver no Colorado em 1960



Ordenar os cromossomos humanos de acordo com o tamanho e forma.

1. Posição do centrômero

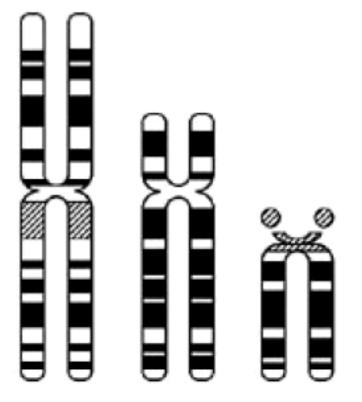


Conferência de Denver no Colorado em 1960



Ordenar os cromossomos humanos de acordo com o tamanho e forma.

2. Tamanho dos cromossomos (grande, médio e pequeno)

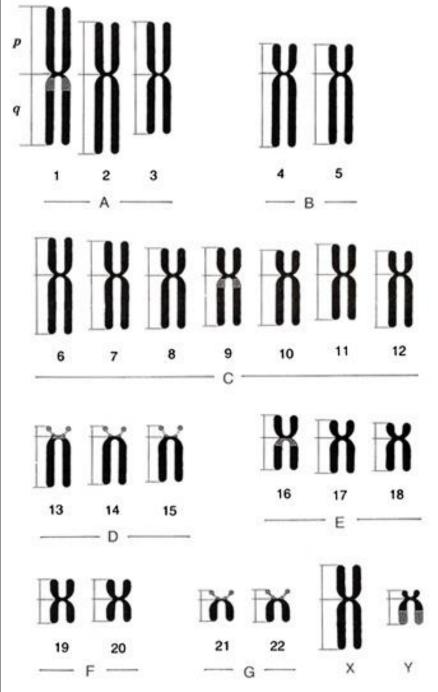


Conferência em Londres em 1963

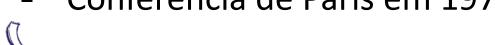


Cromossomos foram agrupados dentro de 7 grupos.

Nº	Grupo	Cromossomo	Descrição
1	Grupo A	1–3	Grandes cromossomos r <mark>netacêntricos fa</mark> cilmente identificados com base em seu tamanho e posição do centrômero.
2	Grupo B	4–5	Cromossomos submetacêntricos grandes.
3	Grupo C	6–12, X	Cromossomos submetacêntricos de tamanho médio.
4	Grupo D	13–15	Cromossomos acrocêntricos de tamanho médio com satélites.
5	Grupo E	16–18	Cromossomos metacêntricos ou submetacêntricos moderadamente curtos.
6	Grupo F	19–20	Cromossomos r <mark>netacêntricos curtos</mark> .
7	Grupo G	21–22, Y	C <mark>romossomos acrocêntricos curtos com satélit</mark> es, cromossomo Y não possui satélites.



Conferência de Paris em 1971



Identificação e marcação do cromossomo usando técnicas de bandeamento.

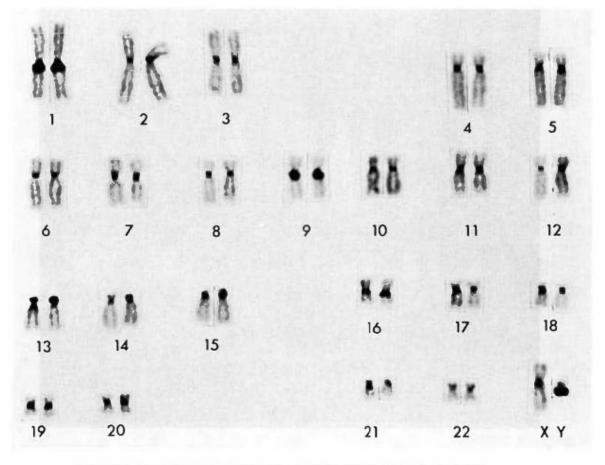
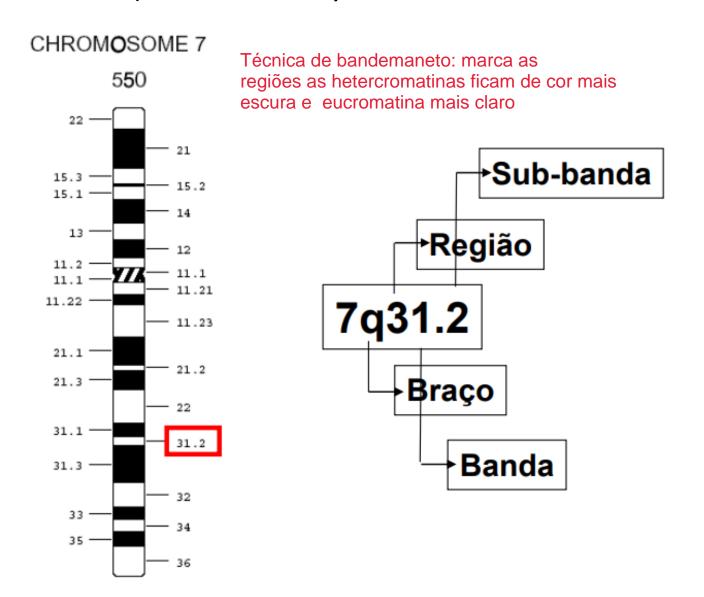


Fig. 1. The human karyotype: C-banding (courtesy of Dr. F. RUDDLE).

Nomenclatura de acordo ISCN (International System for Human Chromosome Nomenclature)

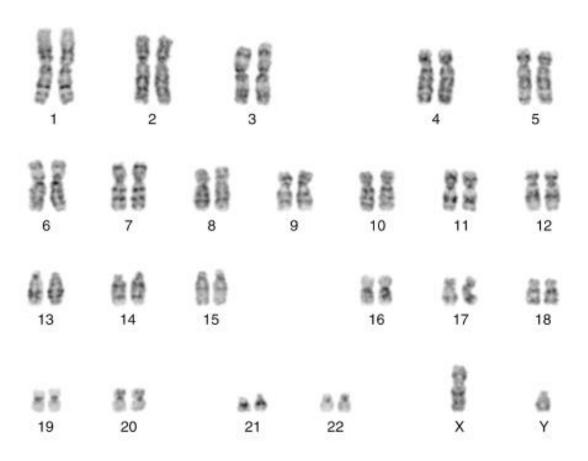


Citogenética clássica

Cariótipo

A descrição das características do conjunto cromossômico de uma espécies

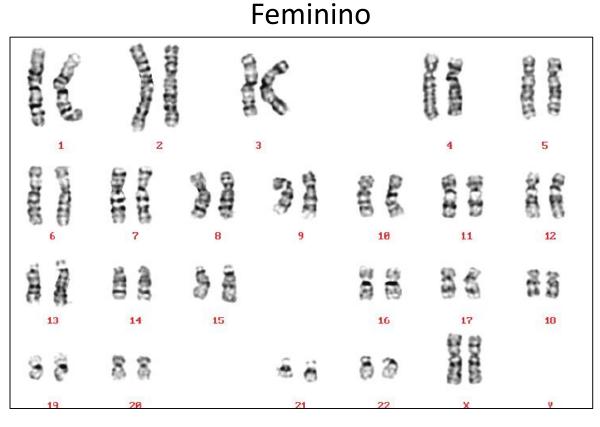
Pode ser apresentado na forma de cariótipo com as fotos dos cromossomos, ordenados de acordo com os grupos.

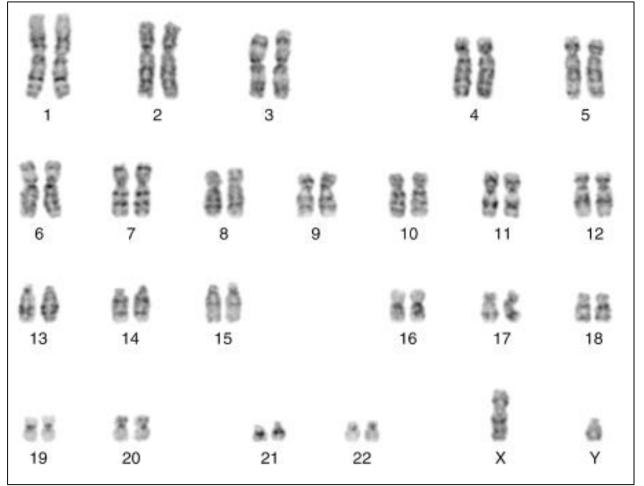


> Citogenética clássica

Cariótipo humano feminino e masculino

Masculino



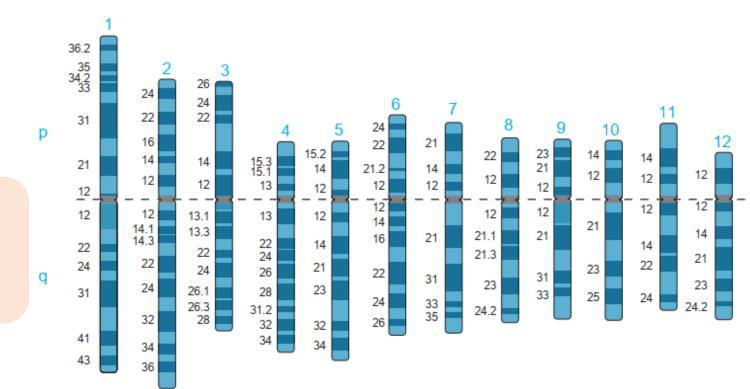


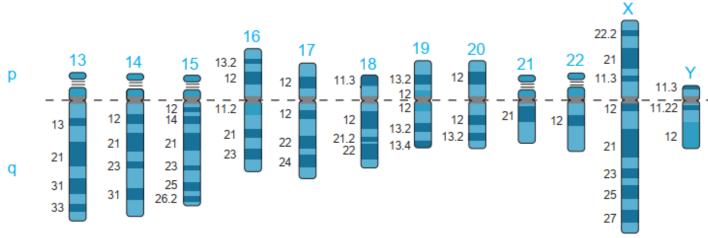
Citogenética clássica

Cariótipo

A descrição das características do conjunto cromossômico de uma espécies

Ideograma é uma representação esquemática, utilizando valores médios da posição do centrômero e o tamanho de cada cromossomo no conjunto haploide.





(NUSSBAUM, ROBERT L, 11º ed., 2015)

Citogenética clássica

Indicações clínicas

Problemas de crescimento e desenvolvimento precoce: falha no crescimento, atraso no desenvolvimento, fácies dismórficas, múltiplas malformações, estatura baixa, genitália ambígua e deficiência intelectual.

Natimorto e morte neonatal: incidência alta de anomalias cromossômicas entre natimortos. Cariotipagem importante para aconselhamento genético preciso. Podem gerar informações importantes para pré-natal em futuras gestações.

Problemas de infertilidade: Estudos cromossômicos são indicados para mulheres que apresentam amenorreia e para casais com história de infertilidade ou abortos recorrentes. Uma anomalia cromossômica é vista em um ou outro progenitor em 3% a 6% dos casos de infertilidade ou de abortos seguidos.

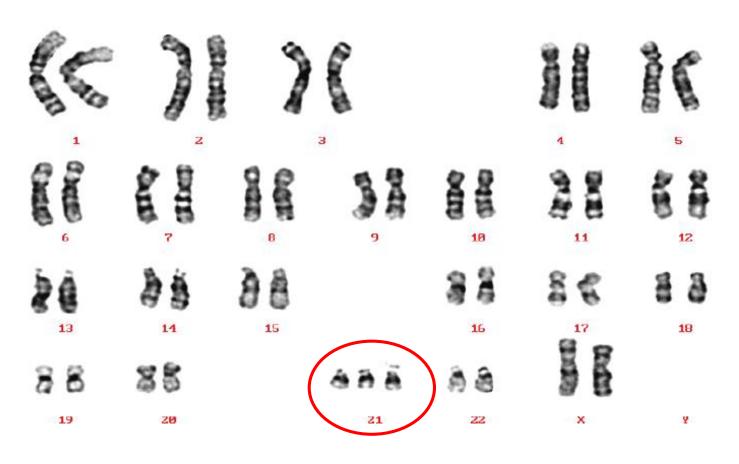
História familiar: Uma anomalia cromossômica ou genômica conhecida ou suspeita num familiar de primeiro grau é indicativa de análise cromossômica e genômica.

Neoplasia: geralmente os cânceres estão associados com uma ou mais anomalias cromossômicas. A avaliação cromossômica e genômica das células malignas pode oferecer informação diagnóstica e prognóstica.

Gestação: Existe um alto risco de anomalias cromossômicas em fetos concebidos por mulheres acima de 35 anos. A análise cromossômica e genômica pode fazer parte da rotina de cuidados pré-natais, nesses casos. Também pode ser realizado em fertilização *in vitro*.

> Citogenética clássica

Síndrome de Down (47,XX, +21)



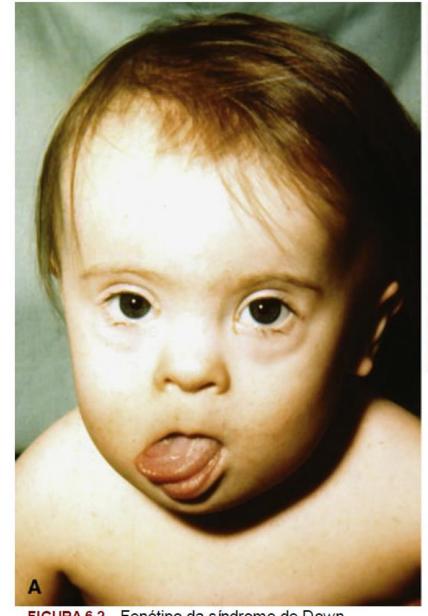
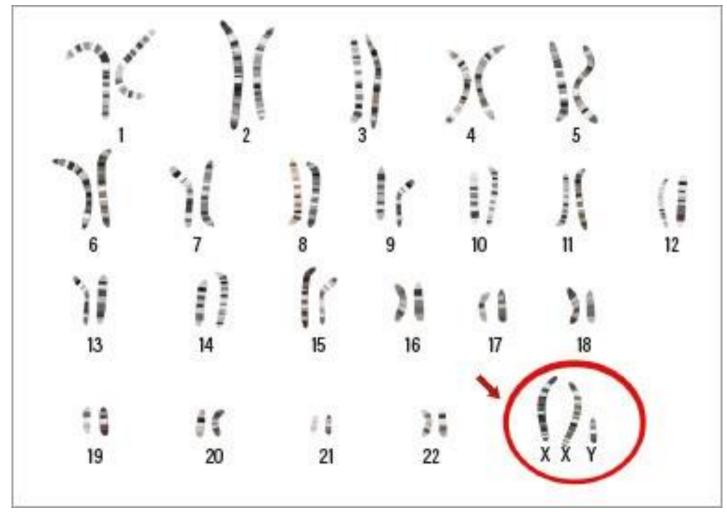


FIGURA 6-2 Fenótipo da síndrome de Down.

(NUSSBAUM, ROBERT L, 11º ed., 2015)

> Citogenética clássica

Síndrome de Klinefelter (47, XXY)







Citogenética clássica

Como são realizadas essas técnicas de citogenética clássica?

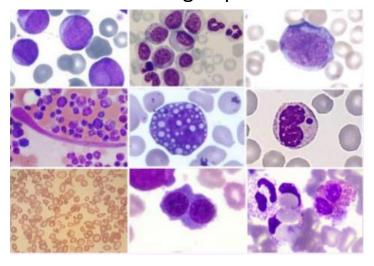
Citogenética clássica

Amostras para as análises cromossômicas

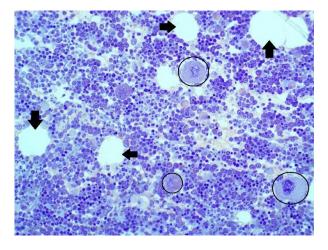
- Médula óssea
- Sangue periférico
- Fibroblastos
- Amniócitos

Tumores

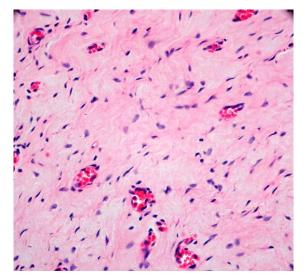
Células do sangue periférico



Células da medula óssea

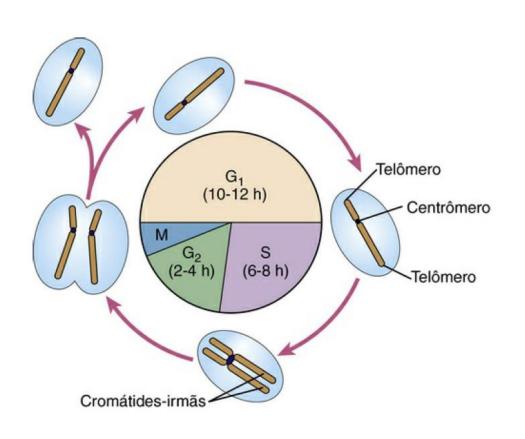


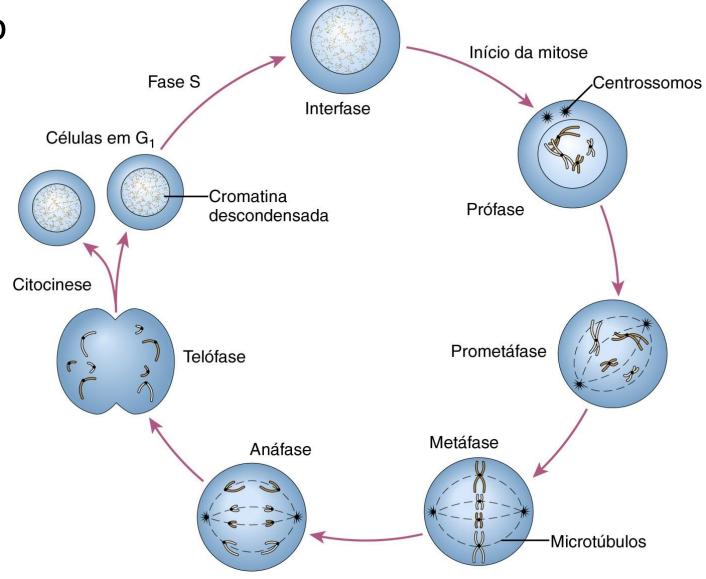
Fibroblastos



Citogenética clássica – ciclo celular

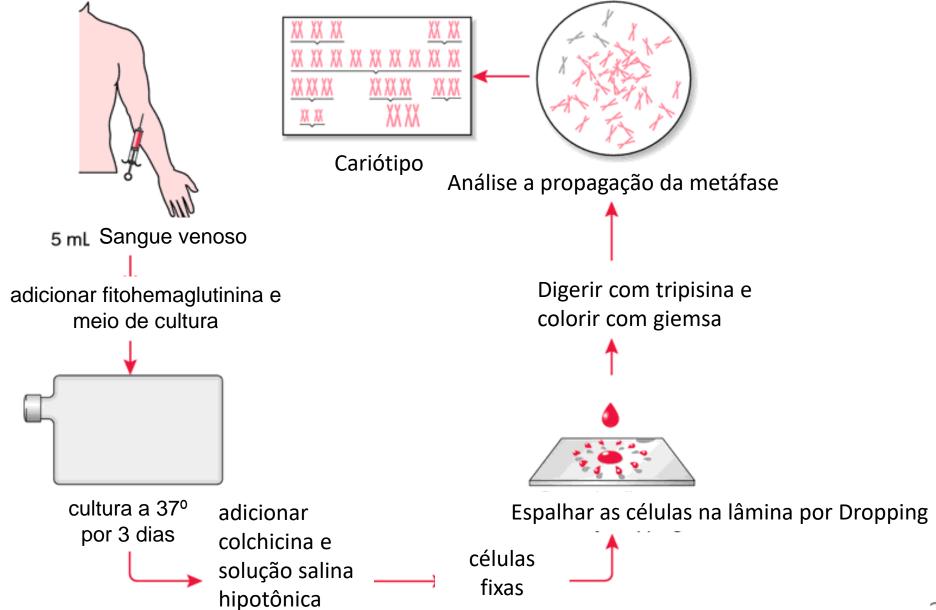
Ciclo celular mitótico típico





Célula em G₂

Citogenética clássica



Citogenética Clássica

Bandeamento NOR



Cromossomos acrocêntricos 13, 14, 15, 21,22

Os cromossomos são corados em suas regiões satélites, ou seja, na região organizadora do nucléolo (constrição secundária). A prata (Ag) é um dos corantes mais usados.

Citogenética Clássica

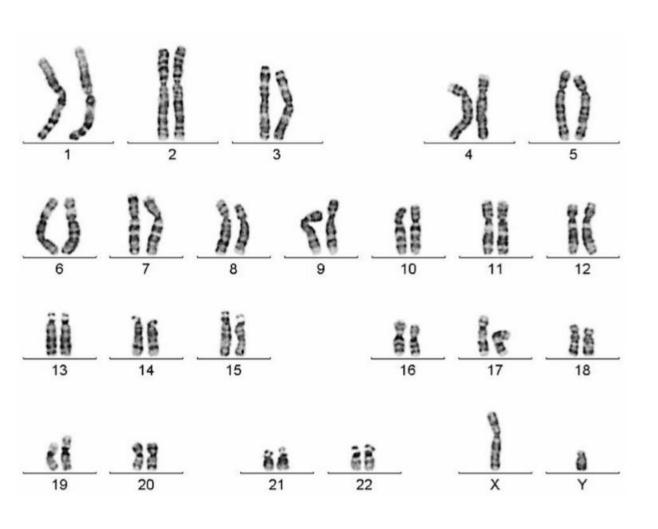
Coloração com Giemsa



Normalmente, 20 metáfases são coradas e analisadas quanto a anomalias menores, como quebras e lacunas de cromátides; anomalias maiores, como fragmentos acêntricos e cromossomos dicêntricos.

Citogenética clássica - técnicas de bandeamento

Bandeamento G - Giemsa

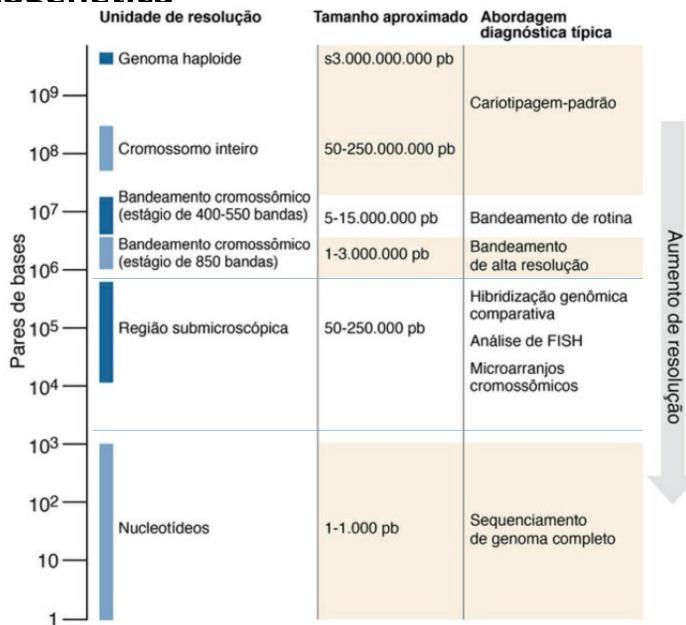


Os cromossomos são desproteinizados por ação da tripsina e, posteriormente são corados com Giemsa;

Faixas escuras correspondem ao DNA rico em bases AT e poucos genes ativos;

As bandas G claras têm DNA rico em bases GC e apresentam muitos genes ativos.

Importância: alterações numéricas e estruturais em humanos.



Citogenética clássica

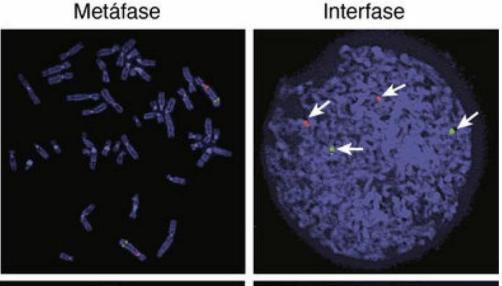
Citogenética molecular

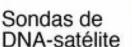
33

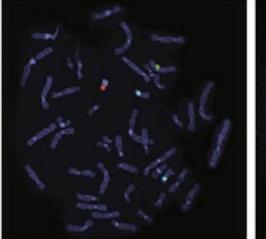
FISH

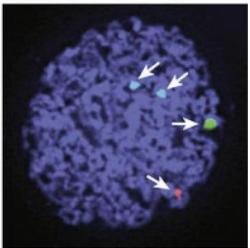
(Fluorescence in situ hybridization)

Sondas locusespecíficas









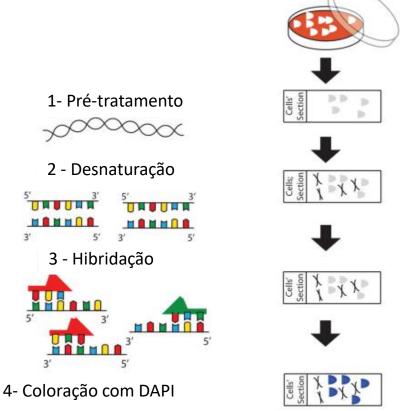
- Determinar/Validar a presença ou ausência de sequências específicas de DNA ou RNA;
- Confirmar alterações cromossômicas observadas pela citogenética clássica;
- Detectar alterações crípticas e submicroscópicas.

FISH

(Fluorescence in situ hybridization)

Condições básicas:

- Especificidade da sonda pela região de interesse;
- Marcação fluorescente da sonda que permita a detecção;
- Qualidade de preservação do material biológico.



5- Visualização com microscópio de fluorescência

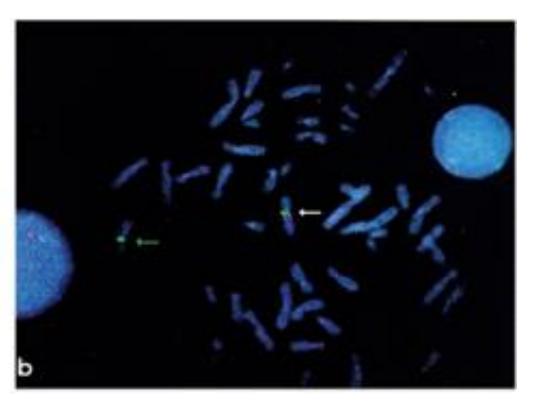


FISH

(Fluorescence in situ hybridization) - exemplo

A síndrome de Williams-Beuren é uma condição genética rara causada por uma mutação no cromossomo 7, que afeta a produção de elastina.





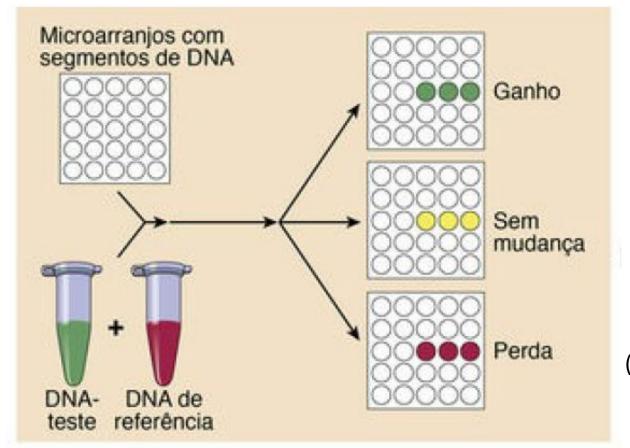
- a) Metáfase com dois sinais vermelhos (gene elastina) e dois sinais verdes (marcador do cromossomo 7).
- b) b) Detecção de síndrome de Williams-Beuren, apenas um sinal vermelho.

Análise Genômica usando Microarranjos - Hibridização genômica comparativa (CGH),

Genoma do paciente (*verde*) é cohibridizado com um genoma controle de referência (*vermelho*).

As sondas são misturadas e permite-se que elas hibridizem com sua sequência complementar

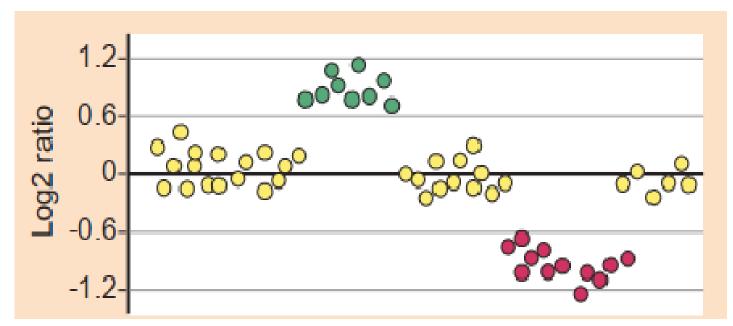
no arranjo.



(NUSSBAUM, ROBERT L, 11º ed., 2015)

Análise Genômica usando Microarranjos - Hibridização genômica comparativa (CGH),

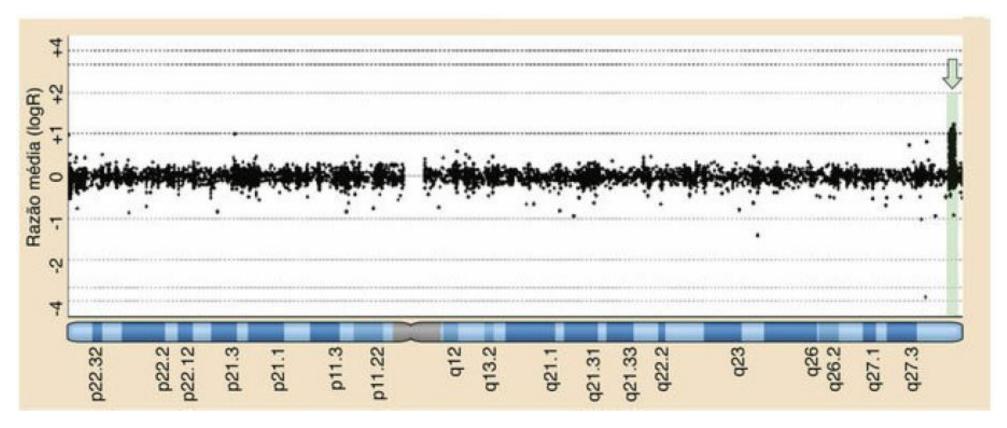
- As intensidades relativas da hibridização de duas sondas são mensuradas;
- Dosagem equivalente entre os dois genomas (em amarelo) ou um ganho (em verde) ou uma perda (em vermelho) na amostra do paciente.



Posição ao longo do genoma

Análise Genômica usando Microarranjos - Hibridização genômica comparativa (CGH)

Resultado de um paciente com síndrome de Rett, indicando duplicação de aproximadamente 800 kb em uma banda Xq28 contendo o gene *MECP2*.



As razões de fluorescência foram plotadas ao longo do comprimento do cromossomo X Regiões duplicadas no genoma do paciente –seta verde

> Aumento de resolução

Sequenciamento de Genoma Completo

(Next Generation Sequencing - NGS)

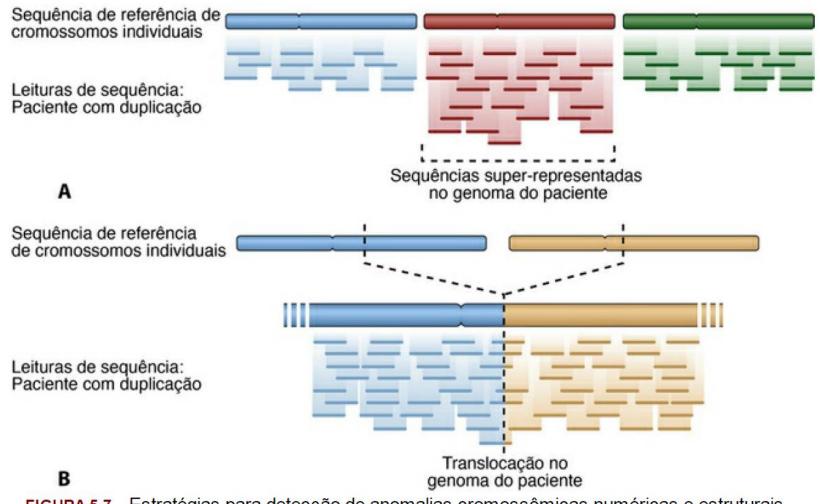
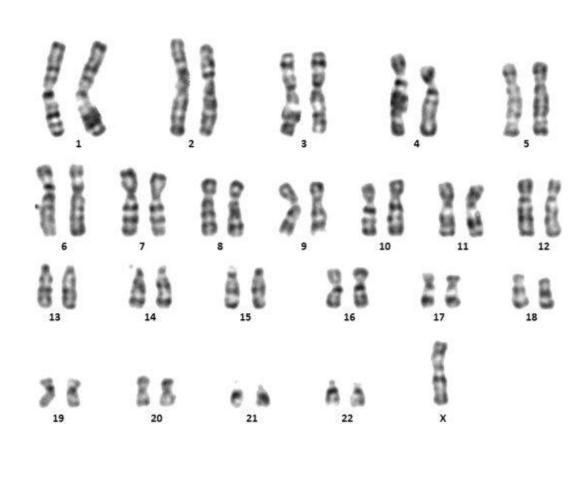


FIGURA 5-7 Estratégias para detecção de anomalias cromossômicas numéricas e estruturais

Síndrome de Tuner – 45, X – bandeamento G





Síndrome de Tuner – 45, X – bandeamento G



Sintomas

Estatura menor que a média ao nascer; Mamilos mais espaçados; Atraso da puberdade; Baixa estatura; Pescoço curto e largo; Orelhas baixas ou protuberantes;

Leucemia Mieloide Crônica - FISH

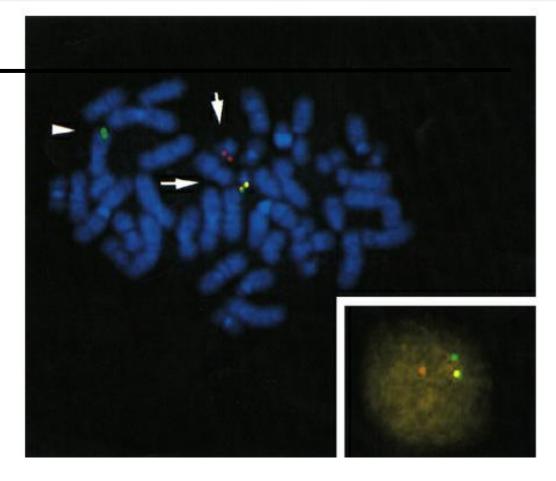
É uma expansão clonal das células progenitoras hematopoiéticas que aumenta as células mieloides.

A transformação das células progenitoras ocorre pela expressão dos oncogenes BCR-ABL1;

ABL1: está presente no cromossomo 9 e ocorre sua translocação para o cromossomo 22;

Sintomas: mal-estar, perda de peso, aumento do baço e lesões ósseas.

Quando não tratada é falal.



Ponta da seta (verde) = cromossomo 9 (ABL1)

Seta curta (vermelho) = cromossomo 22 (BCR)

Seta longa (amarelo) = translocação de ABL1 9q22

(NUSSBAUM, ROBERT L, 11º ed., 2015)

> Autismo – síndrome da microdeleção 16p11.2

Análise Genômica usando Microarranjos - Hibridização genômica comparativa (CGH)

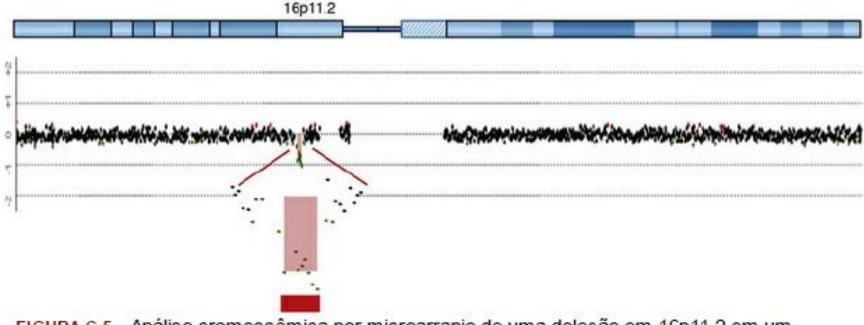
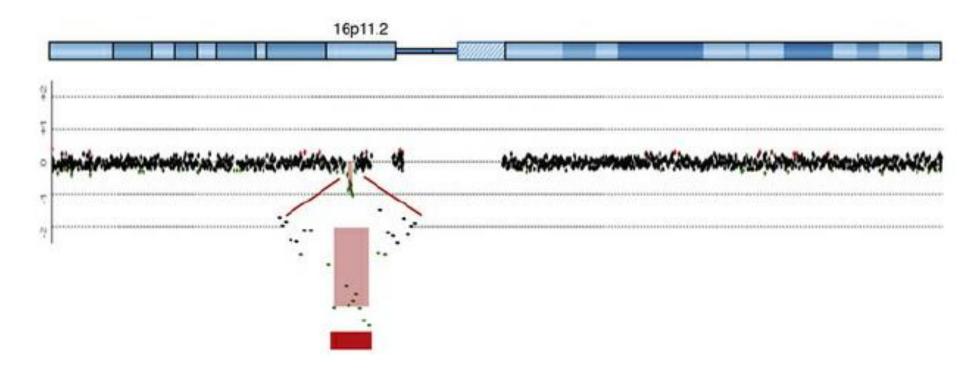


FIGURA C-5 Análise cromossômica por microarranjo de uma deleção em 16p11.2 em um paciente com transtorno do espectro autista.

Sondas com uma fluorescência normal (preto), enquanto que as sondas com uma razão sugestiva de alguma perda (verde). A região deletada está destacada (rosa). A barra vermelha corresponde à região deletada (≈ 600 kb).

(NUSSBAUM, ROBERT L, 11º ed., 2015)

Autismo – síndrome da microdeleção 16p11.2



Sintomas - é caracterizada por suscetibilidade ao atraso no desenvolvimento/deficiência intelectual. Normalmente, os atrasos presentes são mais pronunciados nas habilidades de discurso/idioma e socialização, em vez do funcionamento motor.

> Referências

GRIFFITHS, A.J.F.; MILLER, J.H.; SUZUKI, D.T.; LEWONTIN, R.C. & GELBART. Ed. Guanabara Koogan, Rio de Janeiro, 11 edição, 2015.

NUSSBAUM, ROBERT L.; MCINNES, RODERICK R.; WILLARD, HUNTINGTON F. Thompson & Thompson – Genética Médica. Ed. Guanabara Koogan, Rio de Janeiro, Oitava Edição, 2016.

Hereditas - May 1956 - TJIO - THE CHROMOSOME NUMBER OF MAN

> Referências

