BÁO CÁO TÌM HIỂU PHẦN MỀM WEKA

Nguyễn Thành Tân: 1512491 Đỗ Thành Nhơn: 1512387

I. Tìm hiểu Weka

1. Thông tin chung

Weka là một phần mềm mã nguồn mở được viết trên ngôn ngữ java gồm các chức năng:

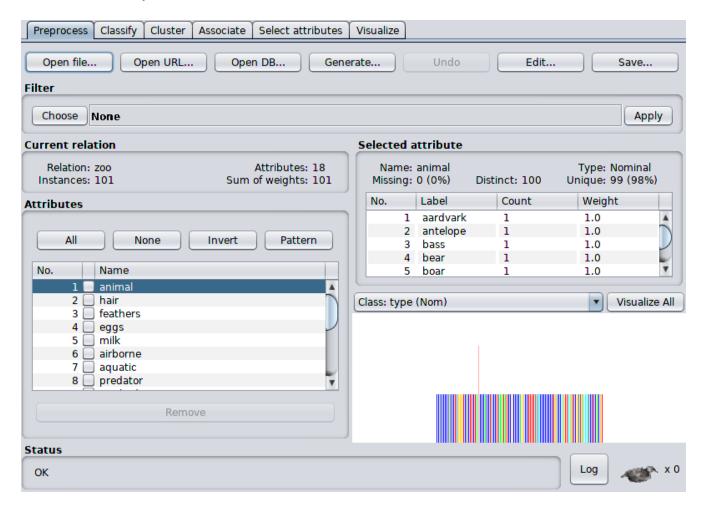
- Phân loại
- Gom nhóm
- Luật quan hệ
- 2. Interface
- Màn hình GUI chính:



• Các command line cơ bản:

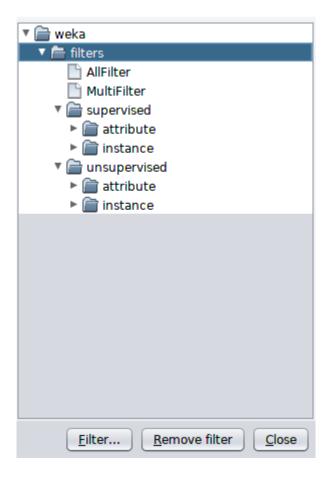
SimpleCLI Welcome to the WEKA SimpleCLI Enter commands in the textfield at the bottom of the window. Use the up and down arrows to move through previous commands. Command completion for classnames and files is initiated with <Tab>. In order to distinguish between files and classnames, file names must be either absolute or start with './' or '~/' (the latter is a shortcut for the home directory). <Alt+BackSpace> is used for deleting the text in the commandline in chunks. > help Command must be one of: java <classname> <args> [> file] kill capabilities <classname> <args> cls history exit help <command>

- Explorer (nơi thực hiện đa phần công việc)
 - Tiền xử lý dữ liệu



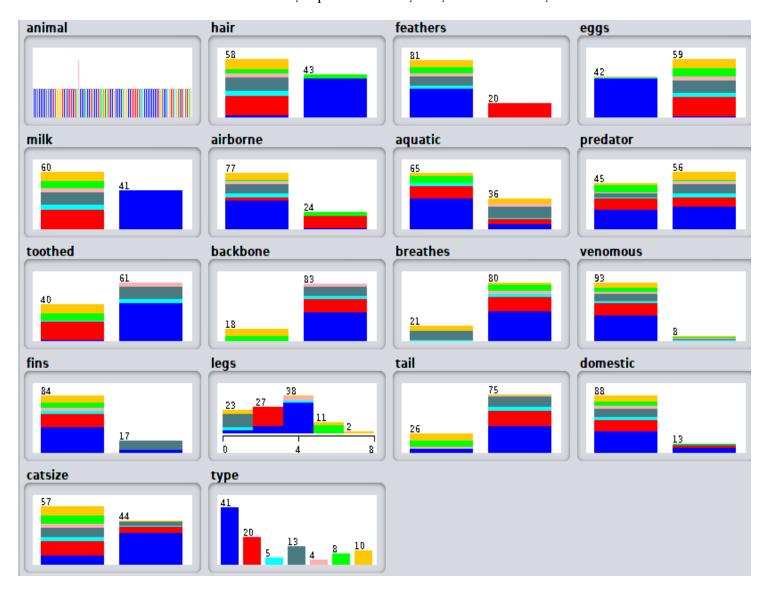
Load data bằng file, url,... Sau khi edit data có thể save lại data mới.

> Filter

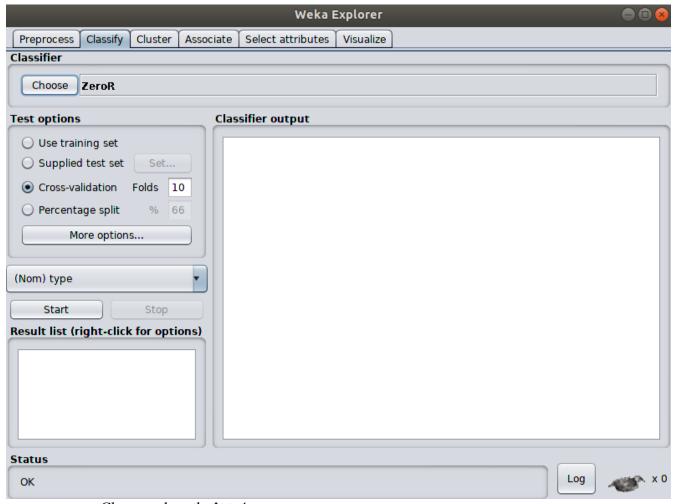


Ta có thể áp dụng filter lên dataset để loại bớt dữ liệu không cần thiết hoặc chọn dữ liệu cần thiết.

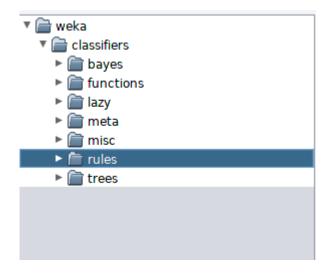
Visualization
 Visualize all để xem trực quan về toàn bộ thuộc tính của dữ liệu.



Phân lớp



Choose: chọn thuật toán



Test option:

Test options							
Use training set							
O Supplied test set	Set						
Cross-validation	Folds	10					
O Percentage split	%	66					
More options							

Trong đó "Use training set" là dùng dữ liệu train để test, "Supplied test set" là người dùng cung cấp dữ liệu test, "Cross-validation" là chia dữ liệu train thành nhiều folds và giữ lại 1 fold để test trong lúc train, "Percentage split" chia tỉ lệ dữ liệu train là bao nhiêu %.

Output khi chạy thuật toán J48 (cải tiến ID3) trên tập dữ liệu Zoo.arff: Các thông tin cơ bản bao gồm thuật toán, dataset, số lượng, thuộc tính, test option. Kết quả cây quyết định (các thông số của cây như độ chính xác, F-mearsure,...).

```
=== Stratified cross-validation ===
=== Summary ===
Correctly Classified Instances
                                       93
                                                        92.0792 %
Incorrectly Classified Instances
                                                        7.9208 %
                                       0.8955
Kappa statistic
Mean absolute error
                                       0.0225
Root mean squared error
                                        0.14
Relative absolute error
                                      10.2478 %
Root relative squared error
                                      42.4398 %
Total Number of Instances
=== Detailed Accuracy By Class ===
```

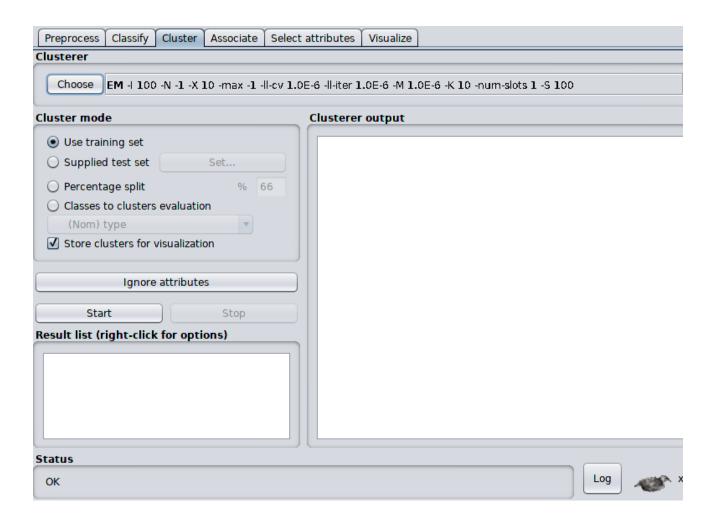
	IP Rate	FP Rate	Precision	Recall	r-Measure	MCC	ROC Area	PRC Area
	1.000	0.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	1.000	0.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	0.600	0.010	0.750	0.600	0.667	0.656	0.793	0.420
	1.000	0.011	0.929	1.000	0.963	0.958	0.994	0.929
	0.750	0.000	1.000	0.750	0.857	0.862	0.872	0.760
	0.625	0.032	0.625	0.625	0.625	0.593	0.920	0.677
	0.800	0.033	0.727	0.800	0.762	0.735	0.986	0.812
Weighted Avg.	0.921	0.008	0.922	0.921	0.920	0.914	0.976	0.908

Size of the tree: 17

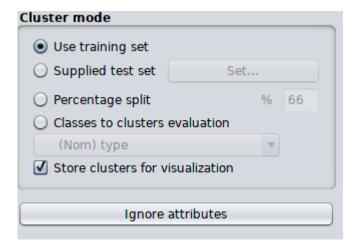
Confusion matrix cho biết các sample nào đúng, sai.

=== Confusion Matrix ===

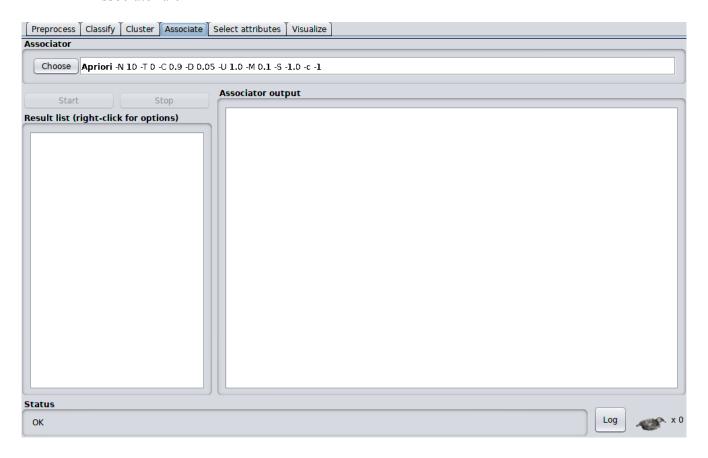
➢ Gom nhóm



Cách sử dụng tương tự như phân lớp. Điểm khác biệt duy nhất là có thêm tính năng Ignore attributes để loại bớt những thuộc tính không dùng trong thuật toán gom nhóm.

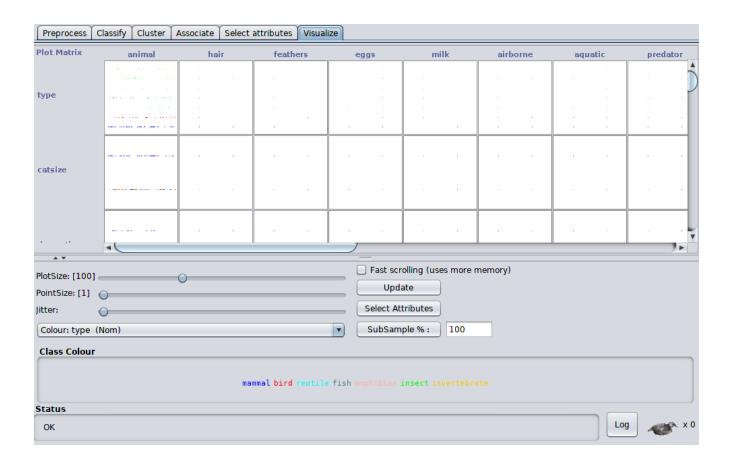


• Associate rule



Cách sử dụng tương tự như classify và cluster, chỉ cần load dữ liệu, chọn thuật toán và chạy.

Mục visualize chi tiết về dữ liệu (plot matrix)
 Ta có thể tùy chọn các options để explore dữ liệu sao cho thuận tiện nhất.



II. THAO TÁC TRÊN DỮ LIỆU ZOO.arff

Dữ liệu
 Số mẫu: 101
 Thuộc tính: 18

1. animal name: Unique for each instance

2. hair Boolean
3. feathers Boolean
4. eggs Boolean
5. milk Boolean
6. airborne Boolean

7. aquatic Boolean

8. predator Boolean

9. toothed Boolean

10. backbone Boolean11. breathes Boolean12. venomous Boolean

13. fins Boolean

14. legs Numeric (set of values: {0,2,4,5,6,8})

15. tail Boolean16. domestic Boolean

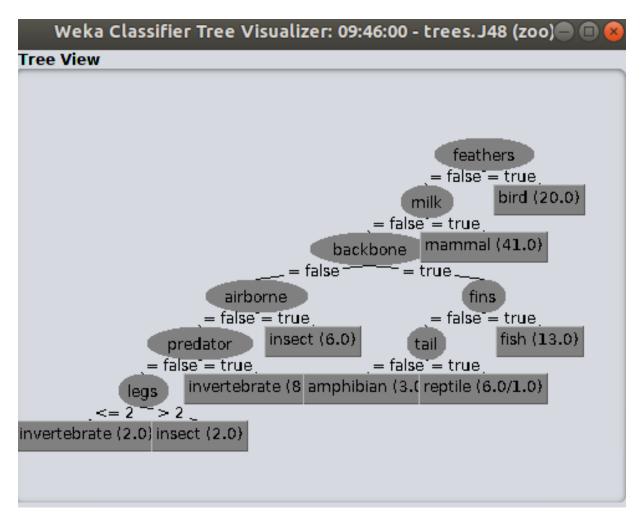
17. catsize Boolean

18. type Numeric (integer values in range [1,7])

Đặt lại tên cho phân lớp:

@ATTRIBUTE type { mammal, bird, reptile, fish, amphibian, insect, invertebrate }

2. Cây đã sinh:



3. Kết quả trên 5 sample:

```
=== Re-evaluation on test set ===
User supplied test set
Relation: zoo
Instances:
            unknown (yet). Reading incrementally
Attributes:
=== Predictions on user test set ===
          actual predicted error prediction
            1:? 1:mammal
1:? 2:bird
       1
                                 1
       2
                                  1
             1:? 3:reptile
                                0.833
       3
             1:? 4:fish
                                1
              1:? 3:reptile
                                 0.833
```

Predicted là model dự đoán với độ tự tin tương ứng là 1,1,0.833,1,0.833.