

Simulování dat

Vytvoření haplotypu

Vytvoření readů

*.fa (FASTA)

*.fq (FASTQ)

Nebo

Zarovnání vzhledem k referenčním
genům

*.sam

Vyhodnocení zarovnání

Experiment 1

Experiment 2

*.txt

Překlad alel z pořadových čísel do názvů
vyjadřující skladbu alely

*.txt

Data z FN

