

Krok 1

Vytvoření statistiky

*.sam

*.bam

*_exp2_step1.pyc

Krok 2

Odstřížení pokrytí
< config.CUT_COVERAGE_ALLELES

Vytvoření a zarovnání na
novou referenci

*.sam

*.bam

*_exp2_step2.pyc

Krok 3

Odstřížení podobných

*_exp2_step3.pyc

Krok 4

Odstřížení alel bez vrcholu

*_exp2_step4.pyc

*.txt