

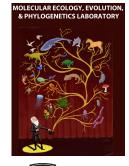
Resumen del workshop

- · Interpretar árboles filogenéticos
- · Alineamiento de secuencias de ADN
- Métodos filogenéticos
- · Análisis filogenético Bayesiano
- Tasas moleculares y fechas de divergencia





Contribuidores



THE UNIVERSITY OF SYDNEY Australian National University Australian Research Australian Research

Simon Ho

Charles Foster

Jun Tong Matt Phillips Luana Lins **Rob Lanfear** Andrew Ritchie Matt Brandley Mark de Bruyn Martyna Molak Zoe Patterson Ross Christian Bruhn Nik Mather Nathan Lo Cara Van Der Wal Sebastian Duchene Perry Beasley-Hall Frank Jia Yi-Kai Tea Daej Arab

David Duchene

Sam Traves

Para tener en mente

- Instalaciones
- Descansos
- Apoyo técnico
- Preguntas

Cuenta de internet de invitado

Usuario: UR-Invitados o prestamoqm Contraseña: siyqx,k\

Material del workshop

github.com/duchene/filogenetica_rosario_19

4