

Figure 1 displays the schematic representation of the 23h genome of the European spruce sawfly, showing the distribution of genes across 23 hours. The genome is divided into seven segments, each with a specific length and performance (Perf) value.

Segment	Length (km)	Performance (Perf)
1 (7 → 1 → 2)	533	61%
2 (1 → 2 → 3)	425	50%
3 (2 → 3 → 4)	496	58%
4 (3 → 4 → 5)	324	38%
5 (4 → 5 → 6)	244	27%
6 (5 → 6 → 7)	137	14%
7 (6 → 7 → 1)	72	8%

# Paramètres de l'attribution – marches\_marseille-aix-en-provence

## Paramètres généraux :

- Temps minimal entre deux marches : 0.200 h (~12 min)
- Seuil atelier (évolution) : 1.250 h (~75 min)
- Tampon général : 0.333 h (~19 min)
- Tampon 15 min : 0.250 h (~15 min)
- Durée navette (HLP dépôt↔gare) : 0.083 h (~4 min)

## Paramètres d'affichage :

- Plage horaire affichée : 4h → 23h
- Offset premier label gare : 15 pts
- Affichage minutes uniquement pour les heures de départ / arrivée

## Indicateur de performance :

- Fenêtre de référence : 5.50h → 22.50h (≈ 5h30–22h30)
- Durée de la fenêtre : 17.0 h
- Pour chaque rame : somme des durées en marche voyageurs dans cette fenêtre divisée par la durée de la fenêtre, affichée en pourcentage (Perf : XX%).

## Parc de rames utilisé :

- R2N – regi2n: 10 rames (numéros 22201 à 22210), 505 places par rame
- BGC – BGC: 27 rames (numéros 81501 à 81527), 200 places par rame
- REG – Regiolis: 15 rames (numéros 84501 à 84515), 220 places par rame
- 2NPG – 2NPG: 30 rames (numéros 23501 à 23530), 210 places par rame