HMM Practice

1.1)实验过程见代码

1.2)参数最大似然参数估计,因为含有隐含变量,采用 EM 框架。

E-step 计算完全似然函数对隐含变量的后验分布求期望,计算 gama, epsilon 序列。

M-step 相对于参数 pi, T, theta 求 Q 函数的最大值。更新参数。

以上两步骤交替进行直到收敛。

推断 gama = P(y_nIX), epsilon = P(y_n-1,y_nIX)有两种方法:1.前向后向算法。2.吉布斯采样。

前向后向算法效果:

序列长度 1000, 迭代次数 1000。

转移矩阵 T 的估计结果:

[[1.11722383e-01 1.20776559e-10 8.88277617e-01]

[1.07679434e-01 8.86488570e-01 5.83199538e-03]

[7.58864000e-01 2.13373319e-01 2.77626809e-02]]

原始转移矩阵:

[[0.8, 0.2, 0.0]

[0.1, 0.7, 0.2],

[0.1, 0.0, 0.9]]

通过对比发现,对估计的参数标定:

横轴依次是 T1 T2 T3;纵轴依次是 T3,T2,T1

最大加和算法(Vitebi)与加和乘积算法(前向后向算法)的区别只有:

他们都计算需要 alpha_list,只是 alpha_list 的迭代过程中,前向后向是:

alpha*T 是向量与矩阵相乘,内在就是先逐点乘积再求和,对应内积。

而在最大加和算法中,逐点相乘后,并不是求和,而是求最大值。这需要一个 parent_list 记录最大值的位置,以便回溯找到最大状态序列。

sampling list:

```
[0001011111000000000011101110110011111
10110111111111011111111111100000011111
01111111111100010110000001111111111101
1100000000001011001111111100000000100
00010001100000111111000100000011000000
0101111110000000001011111010011111111
0100001100000010011100000000000010000
00000000000110001111000001010000010
1100111111100111101101000000000000011
1101000011111111011111111111111111100001
01000101111111110001110111111111111111
11111110001001000001111111111000000001
1000010011111111111111100100001101111
10100111001111111111110011011010001110
011111000110111011100111111111110000110
10000101001101110011110111111111111111
11111011111111111110111101101010101111
10111011111100000001000000111111111111
0011000001110100000010110001011101110
```

0]

最大状态序列:

真正状态序列:

[001222222200000000011111122220012222

```
1222222222222222222222222222222222
2222201222220000000000000122222222222
01
matching rate: 0.78
长度为 10000 时, 迭代次数 100, 转移矩阵收敛到:
[[ 0.46835248  0.50233874  0.02930877]
[0.44579876 0.31914616 0.23505508]
[0.04998488 0.08124883 0.86876629]]
与真实矩阵相差较大。
运行维特比算法时,相应的 match rate 在 0.73 左右徘徊。
1.3)每次估计出来的参数属于哪个状态都是变动的,没有想到合适的标定方法。方差没做。
2.1)用 Gibbs 采样的方法估计的参数很不准。长度 1000 的序列,MLE 每次迭代中吉布斯采样 200
次,取后 100 次结果作为计算 gama, epsilon 的数据。下面为估计转移概率矩阵 MLE 算法迭代 100
次时的结果:
[[ 0.08409778  0.39429735  0.52160487]
[0.29867453 0.42026743 0.28105804]
[ 0.34233917  0.26247855  0.39518228]]
伪代码:
MLE:
    初始化 pi, T, theta
    for:
         gama_list, epsilon_list = get_gama_epsilon(pi, T, theta);
         利用 gamma, epsilon 更新 pi, T, theta;
    for end
MLE end
get_gama_epsilon(pi, T, theta):
    随机初始化一个 Y 序列;
    for:(吉布斯采样循环)
         初始化 t = N;
         for t > 0: (采样每一个 y t)
              计算 P(y_t|X) 正比于 P(Y_t|Y_t-1)*P(Y_t+1|Y_t)*P(X_t|Y_t);
              根据上 P(y tIX)采样 Y t;
         存储本次采样序列 Y;
    统计所有采样序列 Y,得到 gamma, epsilon:
    gamma[i]即采样序列 Y 在位置 i 处出现的所有状态的频率;
    epsilon[i]即在采样序列 Y 在 i-1 到 i 状态跳变的频率;
return: gamma, epsilon;
2.2)链长度 100,最大似然迭代 200 次,每一次 MLE 迭代里吉布斯采样整个链 200 次,取后 100
次的所为统计对象。实验结果如下:
```

```
转移概率矩阵 T 的估计:
iter: 100
T:
[[ 0.45193303  0.21905853  0.32900844]
[ 0.48279304  0.30971734  0.20748962]]
iter: 200
T :
[[ 0.40068952  0.24902822  0.35028226]
[0.2766782 0.43997596 0.28334584]
[0.39892087 0.35158258 0.24949655]]
相比之下,用前向后向算法估计,相同链长度,最大似然迭代 200 次,后转移概率矩阵的估计效
iter: 200
T:
[ 7.96880292e-01 2.03119692e-01 1.54557459e-08]
[ 5.92132553e-08 1.00914553e-01 8.99085388e-01]
[ 2.45660536e-01 5.57285032e-01 1.97054432e-01]]
大约就是:
[[0.8 0.2 0]
[0 0.1 0.9]
[0.24 0.56 0.2]]
从上面可以看出前向后向算法参数估计效果很好,吉布斯采样近似估计很差。
可能的原因有
1.采样长度不够。
2.多链取平均。
因此实验吉布斯采样迭代次数变成 500,300 次以后链作为统计对象。其余参数不变,转移矩阵在
MLE 迭代 200 次时候估计效果:
iter: 200
T:
[[ 0.28937043  0.39387948  0.31675009]
[ 0.28361764  0.44474342  0.27163894]
[ 0.32577332  0.27939762  0.39482906]]
迭代次数 400 次:
iter: 400
T:
[[ 0.37265166  0.28619676  0.34115158]
[0.27365409 0.45117668 0.27516922]
[ 0.34325026  0.28619666  0.37055308]]
吉布斯链变长了效果依然很差。
把链变长到 1000,吉布斯迭代 2000 次,MLE 迭代 55 次的效果依然很差。
iter: 55
T:
[[ 0.37590303  0.33152869  0.29256828]
[ 0.27029092  0.4491388  0.28057028]
[ 0.38866919  0.4022148  0.20911601]]
实验吉布斯采样分 10 个链,均迭代 200 次,取后一百次作为统计对象。EM 迭代 100 次与 200 次结
```

果如下:

```
iter: 100
T:
[[ 9.99979881e-01 1.00596377e-05 1.00596377e-05]
[ 3.45952378e-01  3.27444652e-01  3.26602971e-01]
[ 3.3333333e-01 3.3333333e-01 3.3333333e-01]]
iter: 200
T:
[[ 9.99979783e-01 1.01085682e-05 1.01085682e-05]
[ 3.47627319e-01  3.29136842e-01  3.23235838e-01]
[ 3.3333333e-01  3.3333333e-01  3.3333333e-01]]
实验第二次:
iter:200
T:
[ 9.98879430e-01 1.11027249e-03 1.02974584e-05]
[ 3.55299598e-01  3.28193881e-01  3.16506521e-01]
[ 3.3333333e-01  3.3333333e-01  3.3333333e-01]]
从两次实验看出,多链模拟也不能提升效果。
2.3)
由 MEMM 的马尔科夫毯可知,吉布斯采样中 Yt 的条件概率分布如下图:
  P(Y_t = y \mid X, Y_{-t}) \propto P(Y_t \mid Y_{t-1}, X_t) \cdot P(Y_{t+1} \mid X_{t+1}, Y_t)
  = P(Y_{t} = y \mid Y_{t-1} = y_{t-1}, X_{t} = x_{t}) \cdot P(Y_{t+1} = y_{t+1} \mid X_{t+1} = x_{t+1}, Y_{t} = y)
因此用吉布斯采样推断进行 MEMM 参数估计算法如下:
伪代码:
MLE:
      初始化 pi, T, theta
      for:
            gama_list, epsilon_list = get_gama_epsilon(pi, T, theta);
            利用 gamma, epsilon 更新 pi, T, theta;
      for end
MLE end
get_gama_epsilon(pi, T, theta):
      随机初始化一个 Y 序列;
      for:(吉布斯采样循环)
            初始化 t = N:
            for t > 0: (采样每一个 y_t)
                  计算 P(y tlX,Y -t);
                  根据上 P(y_tIX)采样 Y_t;
            存储本次采样序列 Y;
      统计所有采样序列 Y,得到 gamma, epsilon:
      gamma[i]即采样序列 Y 在位置 i 处出现的所有状态的频率;
      epsilon[i]即在采样序列 Y 在 i-1 到 i 状态跳变的频率;
return: gamma, epsilon;
```