

Heatmap showing the correlation matrix of gene expression data across 12 conditions. The color scale ranges from 0.85 (blue) to 1.0 (red). The diagonal is all red (1.0). Correlation is generally higher within the same treatment group (WT or qa) and time point (0hr or 24hr).

condition	WT_0hr_rep1	WT_0hr_rep2	WT_0hr_rep3	WT_24hr_rep1	WT_24hr_rep2	WT_24hr_rep3	qa_0hr_rep1	qa_0hr_rep2	qa_0hr_rep3	qa_24hr_rep1	qa_24hr_rep2	qa_24hr_rep3
WT_0hr_rep1	1.00	0.88	0.88	0.85	0.88	0.90	0.92	0.85	0.88	0.88	0.88	0.85
WT_0hr_rep2	0.88	1.00	0.98	0.88	0.90	0.92	0.92	0.95	0.90	0.90	0.88	0.88
WT_0hr_rep3	0.88	0.98	1.00	0.88	0.90	0.92	0.90	0.95	0.90	0.90	0.88	0.88
WT_24hr_rep1	0.85	0.88	0.88	1.00	0.92	0.95	0.88	0.88	0.88	0.92	0.95	0.95
WT_24hr_rep2	0.88	0.90	0.92	0.92	1.00	0.98	0.88	0.90	0.90	0.92	0.95	0.95
WT_24hr_rep3	0.88	0.92	0.92	0.95	0.98	1.00	0.88	0.90	0.92	0.92	0.95	0.95
qa_0hr_rep1	0.92	0.92	0.90	0.88	0.88	0.88	1.00	0.88	0.90	0.90	0.88	0.88
qa_0hr_rep2	0.85	0.92	0.92	0.88	0.90	0.92	0.88	1.00	0.95	0.90	0.90	0.88
qa_0hr_rep3	0.88	0.92	0.92	0.88	0.90	0.92	0.92	0.95	1.00	0.90	0.90	0.88
qa_24hr_rep1	0.88	0.90	0.90	0.92	0.92	0.92	0.88	0.90	0.90	1.00	0.92	0.92
qa_24hr_rep2	0.88	0.88	0.88	0.92	0.92	0.92	0.88	0.90	0.90	0.92	1.00	0.92
qa_24hr_rep3	0.85	0.88	0.88	0.95	0.92	0.92	0.88	0.88	0.88	0.92	0.92	1.00

WT_0hr
qa_0hr
qa_24hr
WT 24hr