Genomeeting 2016 Análisis de datos RNA-Seq



Breviario sobre Objetos en R

M. en C. Israel Aguilar Ordóñez (iaguilar@wintergenomics.com)

Instituto Nacional de Medicina Genómica
Octubre 2016

¿Qué es un objeto en R?

En términos prácticos:

Es un nombre que almacena cualquier tipo y cantidad de datos (inputs o outputs)

Diferentes Tipos de datos en R

Tipos de datos	Ejemplo	Ejemplo práctico		
carácter	"Alejandra", "IMSS_311"	Id de paciente		
numérico	9, 4.15, 1000	cigarrillos por día		
lógico	TRUE (T), FALSE (F)	¿Fumador?		

Para R, no es lo mismo:

Juan y "Juan"

¿Por qué?

Para R, no es lo mismo:

Juan y "Juan"

¿Por qué?

Juan, sin comillas, es el nombre de un objeto

Tipos de objetos en R

Tipos de datos	Ejemplo	Descripción rápida
vector	c("Mary","Juan",)	Colecciòn de datos en serie
matriz	matrix(37, 20, 25, 17,)	Vector ordenado por filas y columnas
data frame	data.frame(ID_Pacientes, cigarrillos por día, Fumador)	Colección de vectores ordenados por columnas; todos los vectores deben ser de la misma longitud
lista	list(mi_vector, mi_matriz, mi_dataframe, mi gráfico)	Son contenedores generales de datos. Muy flexibles, pero sin estructura.

Ejemplo de vector:

datos de la diferencia de temperatura entre una habitación y el exterior

diff_temperatura <- c(2.5, 3.9, 4.7, 9.9, 0.5, 1.7)

Dato	2.5	3.9	4.7	9.9	0.5	1.7
Índice	1	2	3	4	5	6

Un vector **es una variable en el significado comúnmente asumido.**

El objeto más simple que se puede almacenar en R es un vector con 1 elemento.

mi_simple <- "Dora"

diff_temperatura

Dato	2.5	3.9	4.7	9.9	0.5	1.7
Índice	1	2	3	4	5	6

diff_temperatura[4]

¿qué regresaría R?

diff_temperatura

Dato	2.5	3.9	4.7	9.9	0.5	1.7
Índice	1	2	3	4	5	6

diff_temperatura[4]

¿qué regresaría R?

Matriz

Una matriz en R es un vector indexado por filas y columnas. **Todos los datos deben ser del mismo tipo.**

diff_temperatura

Dato	2.5	3.9	4.7	9.9	0.5	1.7
Índice	1	2	3	4	5	6

Como vector, el índice del dato 9.9 es 4

Una matriz es una tabla de dos dimensiones (filas y columnas).

matrix(diff_temperatura)

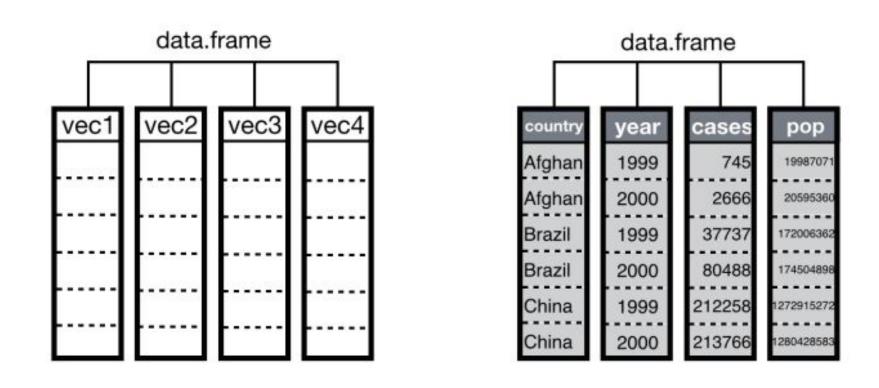
	columna 1	columna 2
fila 1	2.5	9.9
fila 2	3.9	0.5
fila 3	4.7	1.7

Como matriz, el índice del dato 9.9 es [1, 2] (fila 1, columna 2)

Data Frame

Un **data.frame** es una tabla compuesta de **vectores** de la misma longitud pero que pueden contener **datos de diferentes tipos**.

data.frame()



Lista

Sirven para concatenar objetos donde cada uno puede tener una **estructura distinta** (un vector, una matriz, un dataframe, otras listas).

Son **contenedores generales** de datos. Muy flexibles, pero sin estructura.

```
vector <- 1:5
matrix <- matrix(1:9, ncol = 3)
dataframe <- NFLdatos</pre>
```

lista <- list(vector, matrix, dataframe)

```
lista
## [[1]]
## [1] 1 2 3 4 5
##
## [[2]]
##
        [,1] [,2] [,3]
## [1,]
## [2,]
                 5
                      8
           3
                      9
## [3,]
##
## [[3]]
##
      Equipos SBganados AnilloDeSB
## 1
       Chiefs
                               FALSE
      Cowboys
                                TRUE
## 2
## 3
         Jets
                                TRUE
## 4 Patriots
                                TRUE
```

> Turning data into forefront knowledge



www.wintergenomics.com

Contacto

Manizales No.906, Colonia Lindavista.

México, Distrito Federal.

Tel/fax: (52) (55) 5119-0240

(52) (55) 5119-5624

E-mail: contacto@wintergenomics.com