Curso de R y estadística básica

[Felipe de J. Muñoz González]

fmunoz@lcg.unam.mx

Introducción Descargar Presentación

Archivos

Ver archivos,
 obtener el
 directorio y
 cambiar de
 directorio

Escritura y lectura de archivos en R

Supongamos que tenemos un fichero denominado lista_de_datos.txt y que lo queremos leer utilizando scan(file=" ", what = numeric(), n, sep, ...)

```
datos = scan("lista_de_datos.txt",sep=",")
```

Para leer tablas directamente en R tenemos diversas funciones como read.table()

```
datos = read.table("edadaltura.csv", sep=",")
colnames(datos)
rownames(datos)
?read.table
```

?read.csv

Archivos

Ver archivos,
 obtener el
 directorio y
 cambiar de
 directorio

Escritura y lectura de archivos en R

Para el caso análogo de escritura utilizamos la función write.table

```
?write.table
```

guardemos la tabla de datos en el archivo datos1

```
write.table(datos, "datos1.csv")
write.table(datos, "datos2.tsv", sep="\t")
write.table(datos, "datos3.tsv", sep="\t", quote=T)
```

adicional a la función write.table, tenemos la función write para vectores.

```
x<-seq_len(1:100)
write(x, file="seq_numerica.txt")
```

Datos y gráficas básicas en R

datum se refiere a la información concreta, cualquier pieza de información colectada.

Un **"Data set"** o set de datos es una colección de datos relacionadas de alguna forma.

Se definen 5 tipos de datos:

- Cuantitativos
- Cualitativos
- Logicos
- Faltantes

- Datos cuantitativos Son datos que se pueden medir o son asociados a alguna cantidad.

Se subdividen en:

- Datos discretos
- Datos continuos (datos escalares o de intervalos)

Nota Cuando no se sabe que tipo de dato cuantitativo es, considerese continuo

- Datos cuantitativos (Ejemplo) Ejemplo Precipitaciones anuales en ciudades de EE.UU. El vector contiene la cantidad promedio de lluvia (en pulgadas) para cada una de las 70 ciudades de los Estados Unidos.

str(precip)

precip[1:4]

Ejercicio

Describir los datos dentro de los dataset "rivers" y "discoveries"

- Datos cuantitativos
- Gráficas de puntos

Una de las cosas básicas que debe de manejarse cuando se describen los datos son gráficas que nos permitan tener mas información.

- 1. Graficas de puntos (Strip charts). Existen 3 metodos:
 - overplot:
 Diagrama de dispersión unidimensional
 - jitter:
 Diagrama de dispersion bidimencional (quita superposiciones)
 - stack:
 Diagrama de puntos apilados por su

```
str(airquality)
stripchart(airquality$0zone, xlab = "0zono")
```

Podemos ver que la mayoría de los datos están llenos por debajo de 50 con uno fuera de 150.

Podemos pasar parámetros adicionales para controlar el aspecto de la grafica. Puedes leer sobre ellos en la sección de ayuda. ?stripchart

- Datos cuantitativos

- Gráficas de puntos

Generamos una gráfica de puntos agregeando un ruido aleatorio para separar las muestras sobrelapadas

```
stripchart(airquality$0zone,
main="Mean ozone in parts per billion at Roosevelt Island",
xlab="Parts Per Billion",
ylab="0zone", method="jitter",
col="orange", pch=1)
```

Consideremos el campo de temperatura del conjunto de datos de calidad del aire. También generemos una distribución normal con la misma media y desviación estándar y tráigalos lado a lado para la comparación.

```
# Preparación de la información
temp <- airquality$Temp
# Generar una distribución normal
tempNorm <- rnorm(200,mean=mean(temp, na.rm=TRUE), sd = sd(temp)
# Generar una lista
x <- list('temp'=temp, 'norm'=tempNorm)</pre>
```

- Datos cuantitativos
- Gráficas de puntos

```
stripchart(x, main="Multiple stripchart for comparision", xlab="Degree Fahrenheit", ylab="Temperature", method="jitter", col=c("orange","red"), pch=16)
```

```
stripchart(discoveries, method = "stack", xlab = "number")
```

La función stripchart() también puede tomar fórmulas de la forma y ~ x donde, y es un vector numérico que se agrupa de acuerdo con el valor de x.

```
stripchart(Temp~Month,
  data=airquality,
  main="Different strip chart for each month",
  xlab="Months",
  ylab="Temperature",
  col="brown3",
  group.names=c("May","June","July","August","September"),
  vertical=TRUE,
  pch=16
  )
```

- Datos cuantitativos
- Gráficas de puntos

Ejercicio

• Comparar las diferentes gráficas y definir sus diferencias con un solo dataset

demo("graphics")

- Datos cuantitativos
- Histogramas

1. Histogramas (Bar Graphs)

Normalmente se usan para datos continuos y se requiere decidir un conjunto de clases o compartimientos que dividen la linea real en un conjunto de cajas a los cuales caen los valores.

```
hist(precip, main = "Histograma de lluvias en U.S.A")
```

```
hist(precip, freq = FALSE, main = "") #Frecuencias Relativas
```

Consideraciones:

• La gráfica depende de los "bins" elegidos

- Datos cuantitativos
- Histogramas

Ejercicio

- Jugar con el valor de ~breaks~ dentro de histograma
- probar las diferentes opciones de ~labels~,~freq~, ~col~, ~main, xlab, ylab, xlim, ylim~ y ~labels~.
 Revisar el manual
- Genera dos histogramas de los datos de precipitación, el primero con 10 divisiónes y el segundo con 200

- Datos cuantitativos

- Gráficas de tallo

Definición

Las Gráficas de tallo tienen dos partes básicas: tallos y hojas. El último dígito de los valores de datos se toma como una hoja y el (los) dígito (s) principal (es) se toma (n) como tallos. Permite obtener simultáneamente una distribución de frecuencias de la variable y su representación gráfica.

Ejemplo UKDriverDeaths serie de datos en el tiempo que contiene las muertes en accidentes automovilisticos o con lesiones fuertes en Reino Unido de Enero de 1969 a Diciembre de 1984. ?UKDriverDeaths.

```
install.packages("aplpack", dependencies=T)
library(aplpack)
stem.leaf(UKDriverDeaths, depth = FALSE)
```

- Datos cuantitativos

- Gráficas de Índice Estas se realizan utilizando la función **plot** y son buenas para visualizar datos que han sido ordenados, cuando los datos fueron medidos a traves del tiempo.

Es una gráfica de dos dimensiones que tiene una variable índice (x) y una variable medida (y).

Existen los siguientes métodos:

- picos (spikes). code: (type = "h")
- puntos (points) code: (type = "p"=)

Ejemplo Mediciones anuales (En pies) del lago Huron de 1875-1972. Los datos son en el tiempo. ?LakeHuron

```
plot(LakeHuron, type = "h")
```

plot(LakeHuron, type = "p")

- Datos cuantitativos

Gráficas con plot()

La función de graficación más utilizada en la programación de R es la función plot(). Es una función genérica, es decir, tiene muchos métodos que se llaman según el tipo de objeto pasado a plot().

```
x <- seq(-pi,pi,0.1)
plot(x, sin(x))</pre>
```

```
plot(x, sin(x),
main="Overlaying Graphs",
ylab="",
type="l",
col="blue")
lines(x,cos(x), col="red")
legend("topleft",
c("sin(x)","cos(x)"),
fill=c("blue","red")
)
```

- Datos cuantitativos
- Gráficas con plot()

Ejercicio

- Utilizar diferentes tipos de gráficas de plot, definir nombres de los ejes y la proporcion de los ejes x/y
- utilizar la función abline con la opcion lty para trazar una linea horizontal punteada que divida el 15% de las muestras menores y una linea vertical que divida antes y despúes del año de inicio de la primera guerra mundial (tip. 1914).

Podemos poner varios gráficos en una sola gráfica estableciendo algunos parámetros gráficos con la ayuda de la función par().

- Datos cuantitativos

```
#Establecer par sin parametros nos permite ver las opciones
par()
#Tambien podemos ver la ayuda
?par
```

Gráficas con par()

El parámetro gráfico mfrow se puede usar para especificar el número de subgraficas que necesitamos. Toma un vector de la forma c (m, n) que divide la trama dada en m * n matriz de subgraficas.

```
max.temp<-c(22, 27, 26, 24, 23, 26, 28)
names(max.temp)<-c("Sun", "Mon", "Tue", "Wen", "Thu", "Fri", par(mfrow=c(1,2))
barplot(max.temp, main="Barplot")
pie(max.temp, main="Piechart", radius=1)</pre>
```

- Datos cuantitativos

Gráficas con par() Las funciones mfrow y mfcol funcionan de manera similar.

```
Temperature <- airquality$Temp
Ozone <- airquality$Ozone
par(mfrow=c(2,2)) #probar con mfcol en vez de mfrow
hist(Temperature)
boxplot(Temperature, horizontal=TRUE)
hist(Ozone)
boxplot(Ozone, horizontal=TRUE)
```

- Datos cuantitativos

Gráficas con par()

El parámetro gráfico fig nos permite controlar la ubicación de una figura de manera precisa en una gráfica.

Nota: hemos utilizado los parámetros cex para disminuir el tamaño de las etiquetas y mai para definir los márgenes.

```
# make labels and margins smaller
par(cex=0.7, mai=c(0.1,0.1,0.2,0.1))
Temperature <- airquality$Temp
# define area for the histogram
par(fig=c(0.1,0.7,0.3,0.9))
hist(Temperature)
# define area for the boxplot
par(fig=c(0.8,1,0,1), new=TRUE)
boxplot(Temperature)
# define area for the stripchart
par(fig=c(0.1,0.67,0.1,0.25), new=TRUE)
stripchart(Temperature, method="jitter")</pre>
```

Datoscualitativos

Datos **no numericos** o que no representan cantidades numericas.

Ej. Nombre, genero, grupo etnico, estado socioeconomico, numero de seguridad social, licencia, ...

Algunos datos parecen ser cuantitativos pero no lo son por que no representan cantidades numericas medibles ni conservan reglas matemáticas.

Ej. Tamaño del pie de una persona (si sumas el tamaño del pie de dos personas no tiene sentido)

La información cuantitativa que se puede utilizar para subdividir información en diversas categorias se le llama **factor** .

- Datos cualitativos
- Presentación de Datos

Factores Un factor es un vector que se usa para especificar una clasificación discreta de los componentes de otros vectores de la misma longitud.

```
estudiantes.origen = c("Sonora","Nuevo Leon","CDMX","I
"Yucatan","Sonora","Yucatan","CDMX","Nuevo Leon","Durango","Ja
"Sonora","Yucatan")
estudiantes.origen
length(estudiantes.origen)
```

Ahora creamos una variable de tipo factor, a partir de la existente:

```
festudiantes = as.factor(estudiantes.origen)
festudiantes
levels(festudiantes)
summary(festudiantes)
```

Supongamos ahora que disponemos de las estaturas de cada uno de los estudiantes del ejemplo anterior y vamos a calcular la estatura promedio

```
estudiantes.estaturas = c(1.83, 1.71, 1.79, 1.64, 1.74, 1.81 tapply(estudiantes.estaturas, festudiantes, mean)
```

- Datos cualitativos

- Presentación de Datos **Factores ordenados** Son factores cuyos niveles guardan un determinado orden. Para crear un factor ordenado o para transformar un factor en ordenado se usa la función ordered().

Supongamos que tenemos un vector con el nivel de inglés de 10 estudiantes:

```
nivel.ingles = c("medio", "medio", "bajo", "medio", "bajo",
nivel.ingles
```

Ahora creamos un factor ordenado con el nivel de inglés de los estudiantes:

```
fnivel.ingles = ordered(nivel.ingles,levels=c("bajo","medio")
fnivel.ingles
```

Si ahora queremos saber qué estudiantes tienen un nivel de inglés por debajo de "medio":

```
fnivel.ingles<"medio"
```

Tablas Una forma de mostrar resumenes de datos estadisticos es con el uso de las tablas.

- Datos cualitativos state.XXXX Data sets related to the 50 states of the United States of America.

- Presentación de Datos

str(state.abb)

Frecuencias absolutas

Tbl <- table(state.division)
Tbl</pre>

Frecuencias Relativas

Tbl/sum(Tbl)

Tbl/sum(Tbl)

Los datos de state.region enumera cada uno de los 50 estados y la región a la que pertenece, ya sea en el noreste, sur, norte central u oeste.

- Datos cualitativos str(state.region)

state.region[1:5]

- Descripción

str(state.abb)

Frecuencias absolutas

Tbl <- table(state.division)
Tbl</pre>

Frecuencias Relativas

Tbl/sum(Tbl)

prop.table(Tbl) # same thing

Un gráfico de barras es el análogo de un histograma para datos categóricos.

- Datos cualitativos

Se muestra una barra Para cada nivel de un factor, con las alturas de las barras proporcionales a las frecuencias de observaciones Pertenecientes a las respectivas categorías.

- Gráficas de Barras

Una desventaja de los gráficos de barras es que los niveles están ordenados alfabéticamente (por defecto), lo que a veces puede oscurecer los patrones en la pantalla.

```
barplot(table(state.region), cex.names = 0.5)
```

barplot(prop.table(table(state.region)), cex.names = 0.5)

- Datos cualitativos

- Diagramas de Pareto

Un diagrama pareto es muy parecido a un gráfico de barras excepto que las barras se reordenan de tal manera que disminuyen en altura, pasando de izquierda a derecha.

La reorganización es útil porque puede revelar visualmente la estructura (si es que hay) en la velocidad de las barras disminuyen - esto es mucho más difícil cuando las barras se mezclan.

```
install.packages("qcc")

library(qcc)

pareto.chart(table(state.division), ylab = "Frequency")
```

Ejercicio cambia los colores de la gráfica de pareto, utilizando alguna de las paletas de colores.

```
install.packages("RColorBrewer")
library(RColorBrewer)
display.brewer.all()
```

Estos se parecen mucho a un gráfico de barras que se ha girado en su lado con las barras reemplazadas por puntos en líneas horizontales.

- Datos cualitativos No transmiten más (o menos) información que el gráfico de barras asociado, pero la fuerza reside en la economía de la pantalla.

- Gráfica de puntos

Los gráficos de puntos son tan compactos que es fácil graficar interacciones multi-variables muy complicadas en un gráfico.

```
x <- table(state.region)</pre>
```

dotchart(as.vector(x), labels = names(x))

- Datos cualitativos
- Gráfica de pastel

"These can be done with R but they fallen out of favor in recent years because researchers have determined that while the human eye is good at judging linear measures, it is notoriously bad at judging relative areas."

Introduction to probability using P

- Introduction to probability using R.

```
slices <- c(10, 12,4, 16, 8)
lbls <- c("US", "UK", "Australia", "Germany", "France")
```

pie(slices, labels = lbls, main="Pie Chart of Countries"

Matrices, Factores en R y DataFrames

Los estudios estadísticos requieren mas de un factor o medición asociado a cada objeto, para esto utilizamos otra **estructura de datos**.

Introducción

Para esto existen dos tipos de estructuras en R:

- Matrices
- DataFrames

Ambas son estructuras arreglas en dos dimensiones en forma rectangular y estaremos considerando que (a menos que se indique lo contrario):

- Las lineas son objetos
- Las columnas contienen diferentes mediciones o factores

Ejemplo:

```
x <- 5:8
y <- letters[3:6]
z <- 1:4*pi
A <- data.frame(v1 = x, v2 = y, v3=z)</pre>
```

Matrices

```
A = matrix(
+ c(2, 4, 3, 1, 5, 7), # the data elements
+ nrow=2, # number of rows
+ ncol=3, # number of columns
+ byrow = TRUE) # fill matrix by rows

A # print the matrix
```

```
A = matrix(
+ c(2, 4, 3, 1, 5, 7), # the data elements
+ nrow=2, # number of rows
+ ncol=3, # number of columns
+ byrow = TRUE) # fill matrix by rows

A # print the matrix
```

```
dimnames(A) = list(
+ c("row1", "row2"),  # row names
+ c("col1", "col2", "col3")) # column names
```

```
rownames(x) <- c("row1", "row2")
colnames(x) <- c("C1","C2","C3")
```

Matrices

Se puede acceder al igual que un vector de dos dimenciones, tanto por columnas como por renglones

Acceso a DataFrames

```
A[3, ]
A[1, ]
A[, 2]
```

También podemos acceder a las columnas por medio de la función \$ utilizando los nombres de las columnas

names(A) A\$v1

Modificar un DataFrame

```
A <- data.frame(SN = c(1,2), Age = c(21,15), Name=c("John","
```

```
A[1,"Age"] <- 20; x
```

Agregar nuevos elementos

```
rbind(A,list(1,16,"Paul"))
```

```
cbind(A,State=c("NY","FL"))
```

Eliminar un elemento

```
A$State <- NULL
```

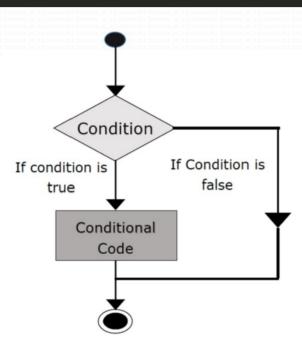
DataFrames vs Matrices:

Las **Matrices** son solamente arreglos numericos de dos dimensiones mientras que los **DataFrame** contienen diferentes tipos de valores

Estructuras de Control

if (test_expression) {
 statement
}

lf



Si test_expression es TRUE, la instrucción se ejecuta. Pero si es FALSO, no pasa nada.

Ejercicio Crea un if que evalue si X es positivo

If else

Si test_expression es TRUE, la instrucción 1 se ejecuta. Pero si es FALSO se ejecuta la instrucción 2

Ejercicio Crea un if,else que evalue si X es positivo o negativo

Cascada if..else

```
if ( test_expression1) {
+    statement1
+ } else if ( test_expression2) {
+    statement2
+ } else if ( test_expression3) {
+    statement3
+ } else {
+    statement4
+ }
```

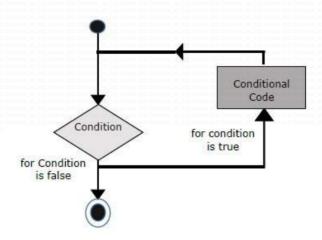
ifelse

```
ifelse(test_expression, x, y)
```

Ejercicio Crea un ifelse que evalue si X es par o no

```
a = c(5,7,2,9)
ifelse(a %% 2 == 0,"even","odd")
```

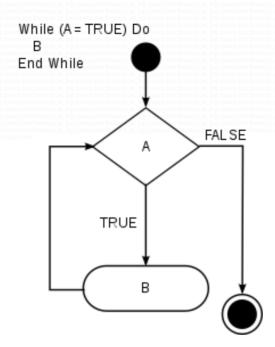
For



Aquí, la secuencia es un vector y val toma cada uno de sus valores durante el ciclo. En cada iteración, se evalúa la declaración.

Ejercicio contar el número de números pares en un vector.

R while Loop



Aquí, test_expression se evalúa y el cuerpo del loop se ingresa si el resultado es TRUE.

R while Loop

Las instrucciones dentro del ciclo se ejecutan y el flujo vuelve a evaluar test_expression nuevamente.

Esto se repite cada vez hasta que test_expression se evalúa como FALSE, en cuyo caso, el ciclo sale

break and next

Una instrucción break se usa dentro de un ciclo (repeat, for, while) para detener las iteraciones y hacer fluir el control fuera del ciclo.

Una siguiente declaración es útil cuando queremos omitir la iteración actual de un ciclo sin terminarlo. Al encontrar el siguiente, el analizador R omite una evaluación adicional y comienza la siguiente iteración del ciclo.

```
if (test_condition) {
   next
}
```

repeat

Un ciclo de repetición se usa para iterar sobre un bloque de código varias veces.

No hay verificación de condición en repetir bucle para salir del bucle.

Nosotros mismos debemos poner una condición explícitamente dentro del cuerpo del ciclo y usar la instrucción break para salir del ciclo. De lo contrario, se producirá un ciclo infinito.

```
repeat {
+ statement
+ break
}
```

```
x <- 1
repeat {
+   print(x)
+   x = x+1
+   if (x == 6){
+      break
+   }
+ }</pre>
```

apply

Cuando usar apply.

Cuando tenemos una función para aplicar a una estructura de datos determinada. Donde estructura se puede definir como un tipo de matriz o lista.

```
m <- matrix(data=cbind(rnorm(30, 0), rnorm(30, 2), rnorm(30,
```

Primero quiero asegurarme de haber creado correctamente la matriz, tres columnas cada una con una media de 0, 2 y 5 respectivamente.

```
apply(m, 1, mean)
```

Al pasar un 1 en el segundo argumento, recuperamos 30 valores, dando la media de cada fila. No son los tres números que esperábamos, intente de nuevo.

```
apply(m, 2, mean)
```

apply

Utilizar tus propias funciones

```
mifuncion<-function(x){
    length(x[x<0])
}
apply(m, 2, FUN=mifuncion)</pre>
```

```
apply(m, 2, function(x) length(x[x<0]))
```

```
apply(m, 2, function(x) is.matrix(x)) <br>
apply(m, 2, is.matrix) <br>
apply(m, 2, is.vector)
```

sapply and lapply

Estas dos funciones funcionan de manera similar, atraviesan un conjunto de datos como una lista o un vector y llaman a la función especificada para cada elemento.

```
sapply(1:3, function(x) x^2)
lapply(1:3, function(x) x^2)
```

Utilizando la opcion simplify = F, saplly te da una lista

```
sapply(1:3, function(x) x^2, simplify=F)<br>
?unlist<br>
?tapply
?
```

sapply and lapply

La función apply() es la función base.

```
data(beavers)
head(t(beaver1)[1:4,1:10])
apply(t(beaver1),1,max)
apply(mtcars,2,mean)
head(apply(mtcars,2,function(x) x%%10))
```

La función **lapply()** se aplica para operaciones en objetos de lista y devuelve un objeto de lista de la misma longitud del conjunto original.

```
#Crea una lista con dos elementos
l = (a=1:10,b=11:20)
#Calcula el promedio de cada elemento
lapply(l, mean)
class(lapply(l, mean))
#Suma los valores de cada elemento
lapply(l, sum)
```

sapply es similar a lapply con la diferencia de que devuelve un vector o una matriz en lugar de un objeto de lista.

sapply and lapply

```
#Crea una lista con dos elementos
l = (a=1:10,b=11:20)
#Calcula el promedio de cada elemento
sapply(l, mean)
```

tapply() es una función muy poderosa que te permite dividir un vector en pedazos y luego aplicar alguna función a cada uno de ellos.

```
#Cilindros de diferentes autos
str(mtcars$cyl)
#mpg= Millas por galon (Rendimiento)
tapply(mtcars$mpg,mtcars$cyl,mean)
```

by() funciona de manera similar a group by function en SQL, aplicado a factores, donde podemos aplicar operaciones en un conjunto de resultados individuales.

```
data(iris)
by(iris[,1:4],iris$Species,colMeans)
```

That's all folks (for now)!

Slideshow created using remark.