

# Large Language Models

## Architettura, Addestramento e Impatti Applicativi

[Il tuo nome]

Anno Accademico 2024–2025



# Indice

<b>1</b>	<b>Introduzione</b>	<b>1</b>
1.1	Introduzione . . . . .	1
1.1.1	Motivazioni . . . . .	1
1.1.2	Obiettivi e struttura della tesi . . . . .	2
<b>2</b>	<b>Parole e Tokens</b>	<b>3</b>
2.1	Parole e Tokens . . . . .	3
2.1.1	Le parole . . . . .	3
2.1.2	Unicode . . . . .	5
2.1.3	Subword Tokenization: Byte-Pair Encoding . . . . .	8
2.1.4	BPE Training . . . . .	10
2.1.5	BPE Encoder . . . . .	14
2.1.6	Corpora . . . . .	15
2.1.7	Minimum Edit Distance . . . . .	17
<b>3</b>	<b>N-gram Language Models</b>	<b>21</b>
3.1	N-Grams . . . . .	21
3.1.1	La regola della catena . . . . .	22
3.1.2	L'assunzione di Markov e i modelli n-gram . . . . .	22
3.1.3	Stima MLE per modelli n-gram . . . . .	23
3.1.4	Calcolo in log-spazio e modelli n-gram estesi . . . . .	23

3.1.5	Set di addestramento, sviluppo e test . . . . .	24
3.1.6	Perplexity . . . . .	24
3.1.7	Perplessità come fattore medio di diramazione . . . . .	25
3.1.8	Campionamento da un modello linguistico . . . . .	25
3.2	Smoothing, Interpolation e Backoff . . . . .	27
3.2.1	Laplace (Add-One) Smoothing . . . . .	27
3.2.2	Add-k Smoothing . . . . .	28
3.2.3	Interpolazione . . . . .	28
3.2.4	Backoff e Stupid Backoff . . . . .	28
3.3	Perplessità ed Entropia . . . . .	29
3.3.1	Entropia . . . . .	30
3.3.2	Entropia di una sequenza . . . . .	30
3.3.3	Cross-Entropy . . . . .	31
3.3.4	Relazione con la Perplessità . . . . .	32
3.3.5	Entropia e Compressione dei Dati . . . . .	33
<b>4</b>	<b>Regressione Logistica e classificazione del testo</b>	<b>35</b>
4.1	Machine learning e classificazione . . . . .	35
4.2	Funzione sigmoide . . . . .	36
<b>5</b>	<b>Embeddings</b>	<b>39</b>
5.1	Embeddings . . . . .	40
5.1.1	Ipotesi distribuzionale . . . . .	40
5.1.2	Semantica lessicale . . . . .	41
5.1.3	Proprietà del significato lessicale . . . . .	42
5.1.4	Semantica vettoriale . . . . .	44
5.1.5	Simple count-based embeddings . . . . .	45
5.1.6	Cosine Similarity . . . . .	48

5.1.7	Word2Vec . . . . .	49
5.1.8	Proprietà semantiche degli embeddings . . . . .	56
5.1.9	Embeddings as the input to neural net classifiers . . . . .	58
<b>6</b>	<b>Reti Neurali</b>	<b>59</b>
6.1	Unità neurali . . . . .	60
6.2	Il problema dell'XOR e la necessità dei livelli nascosti . . . . .	60
6.3	Feedforward Neural Networks . . . . .	61
6.4	Feedforward Networks per l'NLP: Classificazione . . . . .	62
6.4.1	Classificatori neurali con feature costruite a mano . . . . .	62
6.5	Embeddings come input dei classificatori neurali . . . . .	64
6.5.1	La embedding matrix . . . . .	64
6.5.2	Ottenere l'embedding tramite vettori one-hot . . . . .	64
6.5.3	Rappresentare una sequenza di parole . . . . .	65
6.5.4	Dare gli embedding in input a un classificatore . . . . .	65
6.5.5	Pooling: esempio per la classificazione di sentiment . . . . .	65
6.5.6	Concatenazione: esempio per il language modeling . . . . .	66
6.5.7	Perché gli embedding migliorano i modelli neurali . . . . .	66



# Capitolo 1

## Introduzione

### 1.1 Introduzione

Negli ultimi anni, i *Large Language Models* (LLM) hanno rappresentato un punto di svolta nel campo del *Natural Language Processing* (NLP). Questi modelli, basati sull'architettura *Transformer*, hanno raggiunto risultati senza precedenti in una vasta gamma di compiti linguistici, come la traduzione automatica, la generazione di testo e la comprensione semantica.

L'interesse verso gli LLM non deriva solo dalle loro prestazioni tecniche, ma anche dalle implicazioni economiche, etiche e sociali che ne derivano. Oggi, modelli come GPT, LLaMA, PaLM e Claude alimentano sistemi di intelligenza artificiale conversazionale e strumenti di supporto scientifico, didattico e creativo.

#### 1.1.1 Motivazioni

La crescente adozione degli LLM nei contesti accademici e industriali richiede una comprensione profonda delle loro architetture e dei processi di addestramento. Comprendere come questi modelli apprendono, generalizzano e talvolta falliscono è essenziale per garantire un uso responsabile e consapevole dell'IA.

Questa tesi nasce dall'esigenza di:

- analizzare le basi teoriche e pratiche che rendono gli LLM così efficaci;

- valutare le principali tecniche di ottimizzazione e allineamento;
- discutere i limiti, i bias e i rischi connessi al loro impiego.

### 1.1.2 Obiettivi e struttura della tesi

L'obiettivo generale di questa tesi è esplorare i principi alla base dei Large Language Models, discutendo il loro funzionamento interno, le tecniche di addestramento e le implicazioni derivanti dal loro utilizzo.

La tesi è strutturata come segue:

- **Capitolo 2** – Descrive le basi teoriche e l'architettura *Transformer*, cuore degli LLM moderni.
- **Capitolo 3** – Presenta il processo di *pre-training*, *fine-tuning* e *reinforcement learning from human feedback* (RLHF).
- **Capitolo 4** – Analizza i risultati ottenuti e le metriche di valutazione.
- **Capitolo 5** – Discute le implicazioni etiche, i rischi e le prospettive future dell'uso degli LLM.
- **Capitolo 6** – Riassume le conclusioni e propone possibili sviluppi futuri.

In sintesi, questa tesi intende offrire una panoramica completa degli LLM, integrando l'aspetto tecnico con una riflessione critica sul loro impatto nella società contemporanea.

# Capitolo 2

## Parole e Tokens

### 2.1 Parole e Tokens

Viviamo immersi nei simboli: parole, numeri, codici, linguaggi formali. E' necessario trovare un modo per preparare i modelli alla manipolazione di tali simboli, e tale processo è chiamato **tokenizzazione**. Essa consiste nella pratica di mettere insieme dei caratteri per costruire dei mattoncini basilari la cui combinazione di essi ricostruisce un intero simbolo. In questo capitolo verrà introdotto il sistema **Unicode**, il moderno sistema per rappresentare i caratteri e la codifica **UTF-8**. Successivamente verrà presentato un algoritmo standard detto **Byte-Pair Encoding (BPE)** che automaticamente spezza un input testuale in tokens. Tutti i sistemi di tokenizzazione dipendono dalle **Regular Expressions**. Infine si introducirà una metrica chiamata **Edit Distance** utile a misurare la similarità tra parole o stringhe.

#### 2.1.1 Le parole

Quante parole ci sono nella frase:

*They picnicked by the pool, then lay back on the grass and looked at the stars.*

Questa frase contiene **16 parole** se non consideriamo la punteggiatura, oppure **18** se la includiamo. La scelta dipende dal compito: i modelli di linguaggio, ad esempio, tendono a considerare la punteggiatura come parole separate, mentre in altri contesti si può ignorarla.

Nel **linguaggio parlato** la definizione di “parola” diventa ancora più com-

plessa. In un’*utterance* (cioè una frase pronunciata), possiamo trovare **disfluenze** come *uh* o *um*, oppure parole interrotte come *main-* in “I do uh main- mainly business data processing”. Questi elementi sono detti rispettivamente *filled pauses* e *fragments*. A seconda dell’applicazione, possiamo decidere se trattarli come vere e proprie parole oppure no. Ad esempio, in un sistema di **trascrizione automatica** potremmo volerli rimuovere; ma in un sistema di **riconoscimento vocale**, mantenerli può essere utile, perché le disfluenze forniscono indizi sul ritmo e la struttura del discorso, e possono persino aiutare a identificare il parlante.

Un’altra distinzione importante riguarda i **word types** e le **word instances** (chiamate anche *word tokens*).

- I **word types** sono le **parole distinte** presenti in un corpus: se il vocabolario è  $V$ , allora il numero di tipi è la sua dimensione  $|V|$ .
- Le **word instances** sono invece il **numero totale di parole effettive**, cioè le *running words*, indicate con  $N$ .

Nella frase del picnic, ignorando la punteggiatura, abbiamo **14 tipi** e **16 occorrenze** di parole:

*They picnicked by the pool, then lay back on the grass and looked at the stars.*

Infine, dobbiamo ancora prendere decisioni come: le parole *They* e *they* sono da considerarsi uguali? La risposta dipende dall’obiettivo. In alcuni casi possiamo trattarle come lo stesso tipo di parola, in altri la distinzione tra maiuscole e minuscole è significativa. Una conseguenza di queste definizioni è che maggiore è il numero di parole in un corpus.

### **La relazione tra numero di tipi e numero di istanze: la legge di Heaps (o di Herdan)**

La relazione tra il numero di tipi di parola  $|V|$  e il numero totale di parole  $N$  segue una legge empirica nota come **Legge di Herdan** (Herdan, 1960) o **Legge di Heaps** (Heaps, 1978). Essa descrive come la dimensione del vocabolario cresce al crescere della lunghezza del testo, ed è espressa dalla seguente equazione:

$$|V| = kN^\beta \quad (2.1)$$

dove  $k$  e  $\beta$  sono costanti positive e  $0 < \beta < 1$ . Il valore di  $\beta$  dipende dal tipo di testo e dal genere linguistico: in molti casi empirici varia tra 0.44 e 0.56. In termini qualitativi, possiamo dire che la dimensione del vocabolario cresce un po' più rapidamente della radice quadrata della lunghezza del testo (in parole).

La legge di Heaps riflette il fatto che, man mano che si leggono o generano più parole, si incontrano continuamente termini nuovi. Tuttavia, la crescita del vocabolario rallenta progressivamente: all'inizio ogni nuova parola è spesso inedita, ma col tempo la maggior parte delle parole incontrate sono già apparse in precedenza.

È anche possibile distinguere due categorie di parole:

- le **function words**, ovvero parole grammaticali come *a*, *of*, *the*, il cui numero è tendenzialmente limitato in una lingua;
- le **content words**, cioè sostantivi, verbi e aggettivi che esprimono significato, e che possono crescere indefinitamente (ad esempio nomi propri o termini tecnici).

Modelli che distinguono tra queste due classi di parole possono mostrare due diverse fasi di crescita del vocabolario, con due valori distinti di  $\beta$ : uno iniziale (quando si introducono sia parole grammaticali sia di contenuto), e uno successivo, in cui solo le parole di contenuto continuano ad aumentare.

### 2.1.2 Unicode

L'Unicode standard è un metodo per rappresentare testo scritto usando qualsiasi carattere in qualsiasi lingua. Un piccolo accenno alla storia. Nel 1960 i caratteri latente usati per scrivere l'inglese weano rappresentati con un codice chiamato **ASCII** (American Standard Case for Information Interchange). Un byte è una sequenza di 8 bit e quindi può rappresentare

$$N = 2^8 = 256$$

valori diversi da 0 a 255 in decimale, o da 00 a FF in esadecimale. Lo standard ASCII del 1960 usava solamente 7 bit, quindi 128 valori diversi che andavano da 0 a 127. Il bit più significativo *high-order bit*, quello più a sinistra, veniva impostato a 0 e quindi non veniva utilizzato per codificare caratteri. Perché

solamente 127 caratteri? Dei 128 possibili codici (da 0 a 127) 95 rappresentano **caratteri stampabili** (lettere, numeri, punteggiatura, simboli). 33 (da 0 a 31 e il 127) sono **codici di controllo** non stampabili. Servivano per le teletypes, cioè macchine da scrivere elettroniche e antichi terminali per indicare cose come andare a capo, nuova linea, cancellare, bip sonoro ecc.

<b>Tipo di codice</b>	<b>Range ASCII</b>	<b>Quantità</b>	<b>Descrizione</b>
Controllo	0–31, 127	33	Istruzioni per dispositivi (non caratteri stampabili)
Stampabili	32–126	95	Lettere, numeri, simboli, punteggiatura
Totale	0–127	128	Usano solo 7 bit (bit alto = 0)

Tabella 2.1: Classificazione dei codici ASCII

Quindi il primo bit veniva messo sempre a zero in parte perché non era necessario per i sistemi informatici del tempo, in parte perché questo faceva risparmiare traffico di trasmissione e veniva quindi utilizzato solo come bit di verifica e di controllo per verificare che non vi fossero errori di trasmissione. Solo successivamente si è iniziata a sentire l'esigenza di introdurre ulteriori caratteri come le lettere accentate o ulteriori simboli e di conseguenza anche quindi la necessità di utilizzare il bit rimanente. Per esempio i Cinesi hanno circa 100.000 caratteri nel sistema Unicode e in totale sono circa 150.000. Quindi come si fa ad organizzare questa necessità? In

### Code points

Il sistema Unicode assegna a ogni carattere del mondo un identificatore univoco chiamato code point. Un code point è una rappresentazione astratta del carattere (non della sua forma grafica) ed è identificato da un numero, tradizionalmente scritto in esadecimale, che va da 0x0000 a 0x10FFFF — cioè da 0 a 1.114.111 in decimale. Avere più di un milione di possibili code point significa che c'è ampio spazio per rappresentare tutti i caratteri esistenti — inclusi quelli di lingue con migliaia di simboli, come il cinese (che ne ha circa 100.000), oltre a simboli matematici, emoji e perfino lingue antiche o inventate. Per convenzione i code points si scrivono con il prefisso U+. Ad esempio

Codice Unicode	Carattere	Descrizione
U+0041	A	LATIN CAPITAL LETTER A
U+0061	a	LATIN SMALL LETTER A

Tabella 2.2: Esempi di caratteri Unicode e le loro descrizioni

### UTF-8 Encoding

Sebbene il punto di codice (l'ID univoco) sia la rappresentazione Unicode astratta del carattere, non inseriamo semplicemente quell'ID in un file di testo. Invece ogniqualvolta abbimao biosngi di rappresentare un carattere in una stirnga di testo, noi scriviamo un **encoding** del carattere. Ci sono molti metodi di encoding, ma l'UTF-8 è lo standard e l'intero web utlizza tale metodo. I code points vanno da U+0000 che corrisponde allo 0 a U+10FFFF che corrisponde a 1.114.111 nel decimale. Per catturare tutte le possibilità occorrono al minimo **21 bit** questo perché

$$2^{21} = 2.097.152 > 1.114.111$$

Le possibili soluzioni di encoding sono le seguenti

- **UTF-32.** Utilizzare 4 byte (32 bit) per ogni carattere e scriviamo direttamente il numero in un code point

Carattere	Code point	UTF-32 (esadecimale)
h	U+0068	00 00 00 68
e	U+0065	00 00 00 65
l	U+006C	00 00 00 6C
l	U+006C	00 00 00 6C
o	U+006F	00 00 00 6F

Tabella 2.3: Rappresentazione dei caratteri della parola “hello” in UTF-32

quindi "hello" in UTF-32 occupa 20 byte (5 caratteri x 4 byte). Funziona ma è **poco efficiente**. I file diventano quattro volte più grandi rispetto all'ASCII.

- **UTF-8.** Per risolvere il problema si è inventata una soluzione di encoding **alunghezza variabile**. I caratteri ASCII (i primi 127 code points, cioè da U+0000 a U+007F) utilizzano **1 solo byte** (esattamente come in ASCII). I caratteri successivi (accenti, simboli, ideogrammi, emoji) usano 2, 3 o 4 byte a seconda del valore del code point.

Carattere	Code point	UTF-8 (esadecimale)	Byte usati
h	U+0068	68	1
e	U+0065	65	1
l	U+006C	6C	1
o	U+006F	6F	1
ñ	U+00F1	C3 B1	2

Tabella 2.4: Esempi di caratteri Unicode e loro codifica UTF-8

In questo modo "hello" resta identico in ASCII e UTF-8: 68 65 6C 6C 6F. Ed è per questo che **i file ASCII sono validi anche in UTF-8.**

Riassumendo:

Encoding	Byte fissi o variabili?	Byte per carattere	Pro
<b>ASCII</b>	1	1	Semplice, compatibile
<b>UTF-32</b>	Fissi (4)	Sempre 4	Facile da usare in memoria
<b>UTF-16</b>	Variabili (2 o 4)	2-4	Compromesso per lingue eu
<b>UTF-8</b>	Variabili (1-4)	1-4	Efficiente, compatibile con .

Tabella 2.5: Confronto tra diverse codifiche di caratteri

e in conclusione i code points servono per *identificare logicamente* ogni carattere. Gli encoding (UTF-8, UTF-16 e UTF-32) servono a *rappresentare fisicamente* i code points nei file. UTF-8 è il formato standard del web perché è efficiente, compatibile con ASCII, non introduce byte nulli e può rappresentare tutti i caratteri Unicode.

### 2.1.3 Subword Tokenization: Byte-Pair Encoding

La **tokenizzazione** è il **primo stadio dell'elaborazione del linguaggio naturale (NLP)**. È il processo di **segmentazione** che converte il testo in **tokens**, ossia unità di base utilizzate dagli algoritmi di elaborazione.

Per convertire un testo in tokens possiamo scegliere tra **parole**, **sillabe** o **caratteri**, ma ognuna di queste opzioni presenta dei limiti. Le parole e le sillabe possono sembrare una buona scelta, ma sono **difficili da definire in modo preciso e coerente** tra lingue e contesti diversi. Le lettere, invece, sono **unità troppo piccole** per catturare il significato linguistico.

In pratica, quindi, si utilizza un **approccio data-driven**, ovvero basato sull'analisi dei dati, per determinare automaticamente le unità linguistiche più appropriate.

Una domanda fondamentale è: **perché abbiamo bisogno di tokenizzare l'input?** Una ragione principale è che la tokenizzazione consente di convertire il testo in un **insieme deterministico e standardizzato di unità**. In questo modo, diversi sistemi e algoritmi possono operare sullo stesso testo in maniera **coerente e confrontabile**.

Ad esempio, la tokenizzazione ci permette di rispondere in modo univoco a domande come: “Quanto è lungo questo testo?” oppure “‘don’t’ o ‘New York’ sono un token o due?”. Questa **standardizzazione** è quindi essenziale per la **riproducibilità degli esperimenti di NLP** e per il corretto funzionamento di molti algoritmi, come le **misure di perplexity** nei modelli linguistici, che assumono che tutti i testi siano tokenizzati secondo criteri fissi.

Un ulteriore vantaggio dei metodi di **tokenizzazione basati su unità più piccole**, come **morfemi** o **lettere**, è che essi **eliminano il problema delle parole sconosciute** (*unknown words*).

Cosa intendiamo con questo? Nei sistemi di NLP, gli algoritmi apprendono informazioni sul linguaggio da un insieme di testi chiamato **corpus di addestramento** (*training corpus*), e poi applicano queste conoscenze a un **corpus di test**, che contiene testi nuovi. Il problema nasce quando nel corpus di test compaiono **parole mai viste** durante l'addestramento.

Ad esempio, se il sistema ha incontrato le parole *low*, *new* e *newer*, ma non *lower*, non saprà come trattare quest'ultima, poiché non la riconosce come unità nota.

Per affrontare questo problema, i **tokenizzatori moderni** adottano un **approccio data-driven**, inducendo automaticamente **insiemi di token più piccoli delle parole**, chiamati **subword units** o **subwords**. Queste unità possono essere **sottostringhe arbitrarie** oppure **unità linguisticamente significative**, come i morfemi *-er* o *-est*.

Nei moderni schemi di tokenizzazione, molti tokens corrispondono a **parole intere**, ma altri rappresentano **morfemi** o **frammenti ricorrenti di parole**. Questo approccio consente di rappresentare qualsiasi parola non vista come una **combinazione di subword già note**.

Ad esempio, se il sistema non avesse mai incontrato la parola *lower*, potrebbe comunque segmentarla in *low* e *er*, entrambe già presenti nel vocabolario. Nel caso limite, una parola particolarmente rara o un acronimo (come *GRPO*)

potrebbe essere **scomposto in singole lettere**, garantendo comunque una rappresentazione coerente e gestibile.

Infine, gli **algoritmi di tokenizzazione** maggiormente utilizzati nei moderni **modelli di linguaggio** sono due:

- **Byte-Pair Encoding (BPE)** [sennrich-etal-2016-neural]
- **Unigram Language Modeling** [kudo-2018-subword]

Come quasi tutti i sistemi di tokenizzazione, il **Byte-Pair Encoding (BPE)** si compone di due parti: un **trainer** e un **encoder**. In generale, nella fase di **training dei tokens** prendiamo un **corpus di addestramento** e da esso estraiamo un **vocabolario**, ovvero un insieme di tokens che rappresentano le unità apprese dal modello. Successivamente, l'**encoder** utilizza questo vocabolario per **segmentare e convertire una nuova frase di test** nei corrispondenti tokens appresi durante la fase di training.

Nel paragrafo seguente vedremo più nel dettaglio come funziona l'algoritmo BPE e come esso costruisce progressivamente il proprio vocabolario di subword.

#### 2.1.4 BPE Training

L'algoritmo di **Byte-Pair Encoding (BPE)** effettua un processo di **fusione iterativa** di tokens adiacenti più frequenti per creare progressivamente tokens più lunghi. In altre parole, il BPE parte da unità molto piccole (come i singoli caratteri) e, ad ogni iterazione, unisce le coppie di simboli più frequenti nel corpus di addestramento, costruendo un vocabolario di subword sempre più ricco.

All'inizio, il vocabolario è semplicemente l'insieme di tutti i **caratteri individuali** presenti nel corpus. L'algoritmo esamina quindi il **corpus di training** e trova la **coppia di simboli adiacenti più frequente**. Immaginiamo, ad esempio, che il nostro corpus sia composto da 10 caratteri e che il vocabolario iniziale contenga 5 simboli: {A, B, C, D, E}.

A B D C A B E C A B

La coppia più frequente è “A B”. L'algoritmo quindi unisce questa coppia in un nuovo token **AB**, lo aggiunge al vocabolario e sostituisce tutte le occorrenze di “A B” con “AB”:

AB D C AB E C AB

Ora il vocabolario diventa  $\{A, B, C, D, E, AB\}$  e il corpus ha lunghezza 7. La coppia più frequente diventa “C AB”, che viene fusa in un nuovo token **CAB**, aggiornando il vocabolario a  $\{A, B, C, D, E, AB, CAB\}$  e riducendo ulteriormente la lunghezza del corpus.

L’algoritmo continua in questo modo a **contare e fondere** coppie di tokens, creando sequenze sempre più lunghe, fino a quando non vengono effettuate **k fusioni**. Il parametro **k** rappresenta quindi il numero di nuove unità (subword) da apprendere. Il vocabolario finale sarà costituito dall’insieme dei caratteri iniziali più i **k nuovi simboli generati**. Questo è il **cuore dell’algoritmo BPE**.

In pratica, però, il BPE non viene eseguito sull’intera sequenza di caratteri del corpus, ma solo **all’interno delle parole**. Ciò significa che le fusioni non attraversano i confini tra parole. Per ottenere questo risultato, il corpus viene prima suddiviso in parole utilizzando **spazi bianchi e punteggiatura** (spesso tramite espressioni regolari). In questo modo, ogni parola viene trattata come una sequenza di caratteri indipendente, con le fusioni permesse solo all’interno di ciascuna di esse. Vediamo ora un piccolo esempio sintetico con il seguente corpus:

*set new new renew reset renew*

Dividendo il corpus in parole (con i rispettivi conteggi di frequenza), ottieniamo:

<b>Corpus</b>	<b>Conteggio</b>
_ n e w	2
_ r e n e w	2
_ s e t	1
_ r e s e t	1

Il vocabolario iniziale sarà:  $\{ \_, e, n, r, s, t, w \}$ .

L’algoritmo ora conta tutte le **coppie di simboli adiacenti**. La coppia più frequente è **n e**, che compare 4 volte (due in “new” e due in “renew”). Questa viene quindi fusa in un nuovo simbolo **ne**, aggiornando il vocabolario:

$\{ \_, e, n, r, s, t, w, ne \}$

Il corpus aggiornato diventa:

— ne w — r e ne w — s e t — r e s e t

La coppia più frequente ora è **ne w**, che viene fusa nel nuovo token **new**:

— new — r e new — s e t — r e s e t

Aggiornando così il vocabolario: { \_, e, n, r, s, t, w, ne, new }.

Successivamente, la coppia più frequente è **r e**, che viene fusa in **re**, inducendo naturalmente il **prefisso linguistico “re-”**:

— new — re new — s e t — re s e t

Se continuiamo, le prossime fusioni (*merge*) e i rispettivi vocabolari sono i seguenti:

Merge	Vocabolario corrente
(_, new)	_, e, n, r, s, t, w, ne, new, _r, _re, _new
(_re, new)	_, e, n, r, s, t, w, ne, new, _r, _re, _new, _renew
(s, e)	_, e, n, r, s, t, w, ne, new, _r, _re, _new, _renew, se
(se, t)	_, e, n, r, s, t, w, ne, new, _r, _re, _new, _renew, se, set

Infine, il processo di training del BPE può essere riassunto dal seguente pseudocodice:

```
def byte_pair_encoding(corpus, num_merges):
```

```
    """
```

Implementazione semplificata del training BPE.

Parametri:

corpus (list of list of str): corpus tokenizzato a livello di carattere.

Esempio: [[“n”, “e”, “w”], [“r”, “e”, “n”, “e”, “w”]]

num\_merges (int): numero di merge (k)

Ritorna:

```

vocab (set): insieme dei token appresi
"""

# 1. vocabolario iniziale: tutti i caratteri unici
vocab = set(char for word in corpus for char in word)

# 2. funzione ausiliaria per contare coppie adiacenti
def get_stats(corpus):
    pairs = {}
    for word in corpus:
        for i in range(len(word) - 1):
            pair = (word[i], word[i + 1])
            pairs[pair] = pairs.get(pair, 0) + 1
    return pairs

# 3. funzione per unire la coppia più frequente
def merge_pair(pair, corpus):
    merged = []
    bigram = " ".join(pair)
    replacement = " ".join(pair)
    for word in corpus:
        word_str = " ".join(word)
        # sostituisce la coppia più frequente con il nuovo token
        new_word = word_str.replace(bigram, replacement)
        merged.append(new_word.split())
    return merged

# 4. ciclo principale: effettua k fusioni
for i in range(num_merges):
    pairs = get_stats(corpus)
    if not pairs:
        break
    # coppia più frequente
    best_pair = max(pairs, key=pairs.get)
    corpus = merge_pair(best_pair, corpus)
    vocab.add(" ".join(best_pair))
    print(f"Merge {i+1}: {best_pair} -> {' '.join(best_pair)}")

return vocab

```

```
# Esempio d'uso
corpus = [
    ["_", "n", "e", "w"], ,
    ["_", "r", "e", "n", "e", "w"], ,
    ["_", "s", "e", "t"], ,
    ["_", "r", "e", "s", "e", "t"]
]

vocab = byte_pair_encoding(corpus, num_merges=7)
print("\nVocabolario finale:")
print(vocab)
```

In sintesi, il **BPE training** costruisce un vocabolario di subword apprendendo iterativamente le combinazioni di simboli più frequenti, consentendo così ai modelli linguistici di gestire in modo efficiente parole nuove o rare.

### 2.1.5 BPE Encoder

In questa fase non si impara più nulla. Una volta appreso il **vocabolario**, entra in gioco il **BPE encoder**, che viene utilizzato per tokenizzare nuove frasi di test. L'encoder applica al testo di input le stesse **regole di fusione** (*merge rules*) apprese durante la fase di training, seguendo rigorosamente lo **stesso ordine** in cui queste sono state acquisite. In altre parole, l'encoder non tiene conto delle frequenze presenti nei dati di test, ma utilizza esclusivamente le regole derivate dalle frequenze osservate nel corpus di addestramento.

Il processo di codifica avviene come segue: innanzitutto, ogni parola della frase di test viene segmentata nei suoi **caratteri costituenti**. Successivamente, le regole di fusione vengono applicate una dopo l'altra in modo **greedy** (cioè sempre scegliendo la fusione valida più lunga possibile), secondo l'ordine stabilito durante il training. Ad esempio, la prima regola sostituirà ogni occorrenza di **n e con ne**, la seconda unirà **ne w in new**, e così via. Alla fine del processo, molte delle fusioni ricreeranno semplicemente parole già viste nel corpus di addestramento. Tuttavia, il vantaggio del BPE è che esso impara anche **unità morfologiche riutilizzabili**, come il prefisso *re-* (che potrà apparire in combinazioni non viste come *revisit* o *rearrange*), oppure la radice *new*, che potrà ricomparire in parole nuove come *anew*. Nelle applicazioni reali, il BPE viene eseguito su corpora molto grandi, con **decine di migliaia di fusioni** (ad esempio 50.000, 100.000 o persino 200.000 merge). Il risultato è che la maggior parte delle parole comuni può essere rappresentata come un

singolo token, mentre solo le parole più rare o sconosciute vengono suddivise in più subword. Questo approccio funziona particolarmente bene per lingue come l’inglese. Nei sistemi multilingue, invece, il vocabolario appreso può essere fortemente **sbilanciato verso l’inglese**, lasciando un numero inferiore di tokens disponibili per le altre lingue, come approfondiremo più avanti.

**Le regole di fusione.** Durante la fase di training del BPE non viene prodotto soltanto un vocabolario finale, ma anche un insieme ordinato di **regole di fusione** (*merge rules*). Ogni regola rappresenta una coppia di simboli che è stata fusa durante l’addestramento, e l’ordine in cui le regole vengono apprese è fondamentale.

Il **vocabolario** descrive l’insieme dei tokens appresi, mentre le **regole di fusione** costituiscono la sequenza di operazioni che l’encoder dovrà applicare per tokenizzare nuovi testi. In fase di encoding, infatti, il modello non ricalcola le frequenze nei dati di test, ma applica in modo deterministico le stesse regole apprese nel training, nell’ordine in cui sono state salvate.

In pratica, un sistema BPE salva due file distinti:

- un file di vocabolario (`vocab.txt`), che contiene tutti i tokens finali;
- un file di regole (`merges.txt`), che elenca le coppie fuse in ordine di apprendimento.

Queste informazioni permettono di riprodurre in modo coerente la stessa tokenizzazione su nuovi testi.

### 2.1.6 Corpora

Le **parole** non compaiono nel vuoto: ogni testo che analizziamo è prodotto da una o più persone, in un determinato **contesto linguistico**, in un luogo e in un tempo specifico, con un preciso scopo comunicativo. Per questo motivo, ogni **corpus linguistico** è una rappresentazione situata del linguaggio, e riflette una varietà di fattori come la lingua, il dialetto, la provenienza geografica, lo stile o il genere testuale.

Un aspetto fondamentale riguarda la **varietà linguistica**. Gli algoritmi di NLP dovrebbero essere testati e sviluppati su più lingue, e non solo sull’inglese, che purtroppo domina gran parte della ricerca contemporanea

(Bender, 2019). Anche all'interno di una stessa lingua, esistono molteplici **varietà** e **registri**, legati a differenze regionali, sociali o culturali. Ad esempio, i testi che incorporano caratteristiche dell'**African American English (AAE)** o dell'**African American Vernacular English (AAVE)** presentano strutture e forme diverse rispetto al Mainstream American English (MAE), e richiedono strumenti NLP in grado di riconoscere e gestire tali varietà (Blodgett et al., 2016; King, 2020).

Inoltre, è frequente che in uno stesso testo compaiano più lingue, fenomeno noto come **code-switching**. Questo è comune in contesti multilingue, ad esempio nei social media, dove un utente può alternare spontaneamente parole o frasi in lingue diverse (Solorio et al., 2014; Jurgens et al., 2017).

Oltre alla lingua, altre dimensioni influenzano la natura di un corpus:

- il **genere testuale** (articoli di giornale, narrativa, testi scientifici, conversazioni, social media, ecc.);
- le **caratteristiche demografiche** degli autori (età, genere, classe sociale, provenienza);
- il **periodo storico** in cui il testo è stato prodotto, poiché la lingua cambia nel tempo.

Poiché il linguaggio è così fortemente situato, è fondamentale, nello sviluppo di modelli di NLP basati su corpora, considerare **chi ha prodotto il linguaggio, in quale contesto e con quale scopo**. Per garantire trasparenza, riproducibilità e uso etico dei dati, è buona pratica accompagnare ogni corpus con una **datasheet** (Gebru et al., 2020) o una **data statement** (Bender et al., 2021). Questi documenti descrivono in modo dettagliato le caratteristiche e il processo di costruzione del corpus, specificando informazioni fondamentali come:

- **Motivazione:** per quale scopo è stato raccolto il corpus, da chi e con quale finanziamento;
- **Contesto situazionale:** quando e in quali condizioni il testo è stato scritto o parlato (ad esempio: linguaggio spontaneo, social media, dialogo, monologo, ecc.);
- **Varietà linguistica:** quale lingua, dialetto o regione rappresenta il corpus;

- **Demografia degli autori:** età, genere, provenienza socioeconomica o etnica dei produttori del testo;
- **Processo di raccolta:** dimensione del corpus, modalità di campionamento, consenso informato, eventuali pre-processing e metadati disponibili;
- **Annotazione:** tipo di annotazioni presenti, formazione e caratteristiche degli annotatori, metodologia utilizzata;
- **Distribuzione:** eventuali vincoli di copyright o restrizioni di proprietà intellettuale.

L'inclusione di una datasheet o di una data statement consente di **documentare il contesto, la provenienza e i limiti del corpus**, facilitando la valutazione critica dei risultati e promuovendo pratiche di NLP più **trasparenti, eque e riproducibili**.

### 2.1.7 Minimum Edit Distance

La **Minimum Edit Distance (MED)** è una misura di somiglianza tra due stringhe. Essa rappresenta il *numero minimo di operazioni di modifica* (inserzioni, cancellazioni o sostituzioni) necessarie per trasformare una stringa sorgente  $X$  in una stringa obiettivo  $Y$ .

Date due stringhe

$$X = x_1, x_2, \dots, x_n \quad \text{e} \quad Y = y_1, y_2, \dots, y_m,$$

definiamo  $D[i, j]$  come la distanza minima per trasformare il prefisso  $X[1..i]$  in  $Y[1..j]$ . La distanza tra le stringhe intere sarà quindi  $D[n, m]$ .

La **ricorrenza** del problema, basata sulla programmazione dinamica, è:

$$D[i, j] = \min \begin{cases} D[i - 1, j] + \text{del-cost}(x_i) & (\text{cancellazione}) \\ D[i, j - 1] + \text{ins-cost}(y_j) & (\text{inserzione}) \\ D[i - 1, j - 1] + \text{sub-cost}(x_i, y_j) & (\text{sostituzione o match}) \end{cases}$$

con condizioni di base

$$D[0, 0] = 0, \quad D[i, 0] = i, \quad D[0, j] = j.$$

Nella versione di **Levenshtein**, i costi sono:

$$\text{ins-cost}(x) = 1, \quad \text{del-cost}(x) = 1, \quad \text{sub-cost}(x, y) = \begin{cases} 0 & \text{se } x = y \\ 2 & \text{se } x \neq y \end{cases}$$

L'algoritmo seguente mostra l'implementazione in pseudocodice:

```
function MIN_EDIT_DISTANCE(source, target)
    n ← length(source)
    m ← length(target)
    create matrix D[n+1, m+1]

    for i = 1 to n: D[i,0] ← i
    for j = 1 to m: D[0,j] ← j

    for i = 1 to n:
        for j = 1 to m:
            if source[i] == target[j]:
                cost ← 0
            else:
                cost ← 2
            D[i,j] ← min(
                D[i-1,j] + 1,          # cancellazione
                D[i,j-1] + 1,          # inserzione
                D[i-1,j-1] + cost    # sostituzione
            )
    return D[n,m]
```

**Esempio.** Consideriamo la trasformazione di `intention` in `execution` con costi (1, 1, 2):

$$D(\text{intention}, \text{execution}) = 8.$$

Una possibile sequenza di operazioni ottimali è:

```
intention  $\xrightarrow{\text{del } i}$  ntention
            $\xrightarrow{\text{sub } n \rightarrow e}$  etention
            $\xrightarrow{\text{sub } t \rightarrow x}$  exention
            $\xrightarrow{\text{ins } u}$  exentionu
            $\xrightarrow{\text{sub } n \rightarrow c}$  executiou
            $\xrightarrow{\text{sub } o \rightarrow n}$  execution
```

Totale: 1 cancellazione, 1 inserzione, 4 sostituzioni → costo complessivo = 8.

La MED è utilizzata in molti ambiti del Natural Language Processing: *correzione ortografica* (distanza tra parola digitata e dizionario), *riconoscimento vocale* (Word Error Rate), *traduzione automatica* (allineamento di frasi) e persino in *biologia computazionale* (confronto tra sequenze di DNA).

È importante notare che la Minimum Edit Distance misura una **distanza di forma**, non di significato. Due parole possono essere simili ortograficamente ma diverse semanticamente (*es.* cane e pane), o viceversa (*es.* gatto e felino). Come vedremo più avanti con gli **embeddings semantici**, esistono metriche in grado di catturare la *somiglianza di significato*, anziché quella puramente ortografica.

$$\text{Minimum Edit Distance} = \min_{\text{tutte le sequenze di edit}} \sum \text{costo delle operazioni}$$

Essa fornisce una misura quantitativa della somiglianza tra stringhe e rappresenta una base fondamentale per molti algoritmi di NLP basati sulla **programmazione dinamica**.



# Capitolo 3

## N-gram Language Models

Si consideri la frase:

Il Po è il fiume più grande della ...

È naturale aspettarsi completamenti come *Lombardia* o *penisola italiana*, mentre parole come *frigorifero* risultano improbabili. Questa intuizione — scegliere la parola più plausibile dato un contesto — è alla base dei *language models* (LM), che stimano la probabilità di una parola successiva  $P(w_t | w_{1:t-1})$ . Tali modelli hanno applicazioni pratiche (correzione ortografica, riconoscimento vocale, predizione di parole) e sono il fondamento anche dei moderni LLM, addestrati tramite *next-word prediction*. In questo capitolo ci concentriamo sugli *n-grammi*, i modelli più semplici e trasparenti: una sequenza di  $n$  parole che approssima

$$P(w_t | w_{1:t-1}) \approx P(w_t | w_{t-n+1:t-1}),$$

assumendo una dipendenza di Markov di ordine  $n-1$ . Gli n-grammi permettono di introdurre i concetti fondamentali della modellazione del linguaggio: stima delle probabilità dai corpus, valutazione con la *perplexity*, generazione tramite *sampling* e gestione della scarsità di dati con *smoothing*, *interpolation* e *backoff*.

### 3.1 N-Grams

Si inizi a considerare il compito di calcolare la probabilità

$$P(w | h)$$

cioè la probabilità di una parola  $w$  dato un contesto (o storia)  $h$ . Ad esempio, se  $h = \text{“L’acqua del Po è così splendidamente”}$  e vogliamo conoscere la probabilità che la prossima parola sia “blu”, stiamo cercando:

$$P(\text{blu} \mid \text{L’acqua del Po è così splendidamente}).$$

Un modo diretto per stimare questa probabilità è tramite le frequenze relative osservate in un corpus:

$$P(w \mid h) \approx \frac{C(h w)}{C(h)},$$

dove  $C(h w)$  è il numero di volte in cui la sequenza “ $h w$ ” compare nel corpus, e  $C(h)$  è il numero di volte in cui compare la sola storia  $h$ . Tuttavia, anche usando corpora molto grandi, raramente troveremo abbastanza occorrenze per frasi lunghe: il linguaggio è creativo e nuove combinazioni di parole compaiono di continuo. Non possiamo quindi stimare con affidabilità le probabilità di intere frasi basandoci solo sui conteggi.

### 3.1.1 La regola della catena

Per affrontare il problema, decomponiamo la probabilità con la *chain rule* della probabilità:

$$P(w_{1:n}) = \prod_{k=1}^n P(w_k \mid w_{1:k-1}),$$

dove  $w_{1:k-1}$  indica la sequenza delle prime  $k - 1$  parole. In questo modo, la probabilità di una frase può essere calcolata come prodotto di probabilità condizionate di ogni parola dato il contesto precedente. Ma resta una difficoltà: non possiamo stimare in modo affidabile  $P(w_k \mid w_{1:k-1})$  per contesti lunghi, poiché essi compaiono raramente nei dati.

### 3.1.2 L’assunzione di Markov e i modelli n-gram

Per risolvere il problema si introduce l'**assunzione di Markov**: invece di considerare tutta la storia, si approssima la dipendenza considerando solo le ultime  $N-1$  parole. Si assume quindi che la *probabilità di una parola dipende solo dalla probabilità delle  $N-1$  precedenti*. Ad esempio, un **bigramma** ( $N = 2$ ) approssima:

$$P(w_n \mid w_{1:n-1}) \approx P(w_n \mid w_{n-1}),$$

così che:

$$P(\text{blu} \mid \text{L'acqua del Po è così splendidamente}) \approx P(\text{blu} \mid \text{splendidamente}).$$

In generale, per un modello  $n$ -gram:

$$P(w_n \mid w_{1:n-1}) \approx P(w_n \mid w_{n-N+1:n-1}).$$

Sostituendo questa approssimazione nella regola della catena, otteniamo una stima per la probabilità di un'intera sequenza:

$$P(w_{1:n}) \approx \prod_{k=1}^n P(w_k \mid w_{k-N+1:k-1}),$$

che per un bigramma diventa

$$P(w_{1:n}) \approx \prod_{k=1}^n P(w_k \mid w_{k-2+1:k-1}) = \prod_{k=1}^n P(w_k \mid w_{k-1}).$$

### 3.1.3 Stima MLE per modelli n-gram

La **stima di massima verosimiglianza (MLE)** assegna la probabilità a una sequenza dividendo i conteggi osservati: la probabilità di una parola dipende dalla frequenza relativa al suo contesto.

$$P(w_n \mid w_{n-1}) = \frac{C(w_{n-1}, w_n)}{C(w_{n-1})} \quad (3.1)$$

Per generalizzare:

$$P(w_n \mid w_{n-N+1:n-1}) = \frac{C(w_{n-N+1:n})}{C(w_{n-N+1:n-1})} \quad (3.2)$$

Queste stime funzionano bene nei casi frequenti, ma soffrono quando i bigrammi o trigrammi sono rari o assenti. Per questo motivo, nei paragrafi successivi verranno introdotte tecniche di *smoothing*.

### 3.1.4 Calcolo in log-spazio e modelli n-gram estesi

Per evitare problemi di *underflow numerico*, le probabilità nei modelli di linguaggio vengono calcolate in **logaritmo**:

$$\log(p_1 \cdot p_2 \cdot \dots \cdot p_n) = \log p_1 + \log p_2 + \dots + \log p_n.$$

Tutte le operazioni di moltiplicazione diventano somme, più stabili e computazionalmente efficienti. Quando i dati lo permettono, si utilizzano modelli con contesti più lunghi (trigrammi, 4-grammi, 5-grammi). Esistono anche dataset su larga scala come Google N-grams o COCA, e tecniche avanzate come gli  $\infty$ -gram che usano strutture come *suffix arrays* per gestire n arbitrario.

### 3.1.5 Set di addestramento, sviluppo e test

Per valutare un modello linguistico si usano tre insiemi distinti:

- **Training set**: per stimare i parametri del modello (conteggi, probabilità).
- **Development set (devset)**: per testare modifiche durante lo sviluppo.
- **Test set**: usato una sola volta per valutazione finale e imparziale.

Un buon test set riflette il dominio applicativo. I modelli non devono mai "vedere" il test set in fase di training: ciò porterebbe a stime artificialmente alte e a *overfitting*.

### 3.1.6 Perplexity

La **perplessità** misura quanto bene un modello predice un testo. È l'inverso normalizzato della probabilità del test set:

$$\text{Perplexity}(W) = P(w_1, w_2, \dots, w_N)^{-\frac{1}{N}}.$$

oppure, per modelli n-gram:

$$\text{Perplexity}(W) = \sqrt[N]{\prod_{i=1}^N \frac{1}{P(w_i \mid w_{i-n+1:i-1})}}.$$

Per evitare problemi numerici, la formula può essere riscritta in **logaritmo**:

$$\text{Perplexity}(W) = \exp \left( -\frac{1}{N} \sum_{i=1}^N \log P(w_i \mid w_{i-n+1:i-1}) \right).$$

Più è bassa la perplessità, più il modello è predittivo.

### 3.1.7 Perplessità come fattore medio di diramazione

La perplessità può essere interpretata anche come il **fattore medio di diramazione** di una lingua. Il *branching factor* rappresenta il numero medio di parole che possono seguire una determinata parola. Consideriamo un linguaggio artificiale molto semplice con un vocabolario costituito da tre colori:

$$L = \{\text{red, blue, green}\}$$

Supponiamo che questo linguaggio sia deterministico e che ogni parola possa seguire qualsiasi altra con probabilità uniforme. Il fattore di diramazione in questo caso è 3. Creiamo ora un modello linguistico probabilistico A, in cui ogni parola segue qualsiasi altra con probabilità  $\frac{1}{3}$ , basato su un training set con conteggi uguali per i tre colori. Consideriamo il seguente test set:

$$T = \text{red red red red blue}$$

La perplessità del modello A sul test set T sarà:

$$\text{Perplexity}_A(T) = P_A(\text{red red red red blue})^{-\frac{1}{5}} = \left(\frac{1}{3^5}\right)^{-\frac{1}{5}} = 3$$

Ora consideriamo un secondo modello linguistico B, addestrato su un training set in cui la parola "red" è molto più frequente. Le probabilità sono le seguenti:

$$P(\text{red}) = 0.8, \quad P(\text{green}) = 0.1, \quad P(\text{blue}) = 0.1$$

Calcolando la perplessità sullo stesso test set per il modello B otteniamo:

$$\text{Perplexity}_B(T) = P_B(\text{red red red red blue})^{-\frac{1}{5}} = (0.8^4 \cdot 0.1)^{-\frac{1}{5}} = 0.04096^{-\frac{1}{5}} \approx 1.89$$

Anche se il vocabolario contiene sempre tre parole (quindi il branching factor "teorico" resta 3), il modello B è molto più sicuro su quale parola verrà dopo (prevede spesso "red"). Questo rende la sequenza più prevedibile e quindi la perplessità più bassa. La perplessità può quindi essere vista come un **fattore di diramazione pesato**, che tiene conto delle probabilità effettive assegnate dal modello linguistico.

### 3.1.8 Campionamento da un modello linguistico

Un modo fondamentale per comprendere e visualizzare il comportamento di un modello linguistico è **campionare** da esso.

Campionare da una distribuzione significa scegliere dei valori in modo casuale, proporzionalmente alla loro probabilità. In questo contesto, campionare da un modello linguistico significa **generare frasi** secondo le probabilità apprese dal modello: le frasi più probabili verranno generate più frequentemente, mentre quelle improbabili appariranno raramente.

Questa tecnica fu proposta già nei primi lavori di Shannon (1948) e di Miller e Selfridge (1950). È particolarmente semplice da visualizzare nel caso dei modelli **unigramma**.

### Esempio: campionamento da un modello unigramma

Supponiamo di avere un modello unigramma in cui ogni parola ha una certa probabilità di comparire. Possiamo immaginare tutte le parole dell’inglese (o dell’italiano) disposte su un intervallo di probabilità compreso tra 0 e 1, ognuna occupando un sottointervallo proporzionale alla sua frequenza.

La figura seguente (Fig. 3.1) rappresenta visivamente questa distribuzione: scegliendo un numero casuale tra 0 e 1, troveremo l’intervallo in cui cade quel numero e stamperemo la parola corrispondente. Ripetendo il processo finché non si genera un token di fine frase (es. `</s>`), otteniamo una frase campionata.

Figura 3.1: Visualizzazione del campionamento da un modello unigramma. Le parole più frequenti (es. *the, of, a*) occupano intervalli più grandi, quindi è più probabile che vengano selezionate.

### Campionamento da modelli bigramma e oltre

Lo stesso principio si applica ai modelli **bigramma** o **n-gramma** di ordine superiore:

- Si inizia campionando una parola iniziale (es. `<s>`, o secondo le probabilità iniziali).
- Si sceglie poi una seconda parola in base alla distribuzione condizionata sul primo bigramma ( $P(w_2 | w_1)$ ).
- Si continua campionando parole successive secondo le probabilità condizionate ( $P(w_n | w_{n-1})$ , o più in generale  $P(w_n | w_{n-N+1:n-1})$ ) finché non si genera il token `</s>`.

Questo tipo di generazione è utile non solo per **valutare l'apprendimento del modello**, ma anche come base per applicazioni di *text generation*, *autocomplete* o *chatbot*.

## 3.2 Smoothing, Interpolation e Backoff

Uno dei problemi principali dei modelli n-gram è la presenza di **zeri**: sequenze di parole possibili che non compaiono nel *training set* ma che possono apparire nel *test set*. In questi casi la stima MLE assegna probabilità zero, con due conseguenze:

1. si sottostima la probabilità di sequenze plausibili;
2. la probabilità di un'intera frase può diventare zero, rendendo impossibile il calcolo della *perplexity*.

Per affrontare questo problema si utilizzano tecniche di **smoothing** o **discounting**, che ridistribuiscono parte della massa di probabilità dagli eventi frequenti a quelli rari o non osservati. Esistono varie strategie, tra cui *Laplace smoothing*, *add-k smoothing*, *interpolation* e *backoff*.

### 3.2.1 Laplace (Add-One) Smoothing

Il metodo più semplice consiste nell'aggiungere 1 a tutti i conteggi prima della normalizzazione. Per un unigramma:

$$P_{\text{Laplace}}(w_i) = \frac{c_i + 1}{N + V},$$

dove  $c_i$  è la frequenza della parola  $w_i$ ,  $N$  il numero totale di token e  $V$  la dimensione del vocabolario.

Per i bigrammi:

$$P_{\text{Laplace}}(w_n \mid w_{n-1}) = \frac{C(w_{n-1}, w_n) + 1}{C(w_{n-1}) + V}.$$

Questo metodo garantisce probabilità non nulle, ma introduce una forte distorsione: sequenze molto frequenti vengono “schiacciate” e quelle mai osservate ricevono troppa probabilità. Per questo motivo non è usato nei moderni modelli di linguaggio, ma resta utile come base concettuale.

### 3.2.2 Add-k Smoothing

Un'estensione del metodo precedente consiste nell'aggiungere non 1 ma una costante  $k$  (anche frazionaria):

$$P_{\text{Add-}k}(w_n \mid w_{n-1}) = \frac{C(w_{n-1}, w_n) + k}{C(w_{n-1}) + kV}.$$

La scelta di  $k$  viene fatta tipicamente ottimizzando su un *devset*. Sebbene riduca gli effetti negativi dell'add-one, anche questo metodo non si dimostra particolarmente efficace per il *language modeling*.

### 3.2.3 Interpolazione

Un approccio più robusto è combinare modelli di diverso ordine. Ad esempio, se un trigramma non è mai stato osservato, possiamo stimarne la probabilità tramite il corrispondente bigramma o unigramma. La **linear interpolation** calcola quindi:

$$\hat{P}(w_n \mid w_{n-2}, w_{n-1}) = \lambda_1 P(w_n) + \lambda_2 P(w_n \mid w_{n-1}) + \lambda_3 P(w_n \mid w_{n-2}, w_{n-1}),$$

con  $\lambda_1 + \lambda_2 + \lambda_3 = 1$ .

I pesi  $\lambda$  non sono fissati a priori, ma appresi da un *held-out set*, scegliendo quelli che massimizzano la probabilità dei dati di validazione. Questo metodo consente di sfruttare al meglio le informazioni disponibili, bilanciando specificità e robustezza.

### 3.2.4 Backoff e Stupid Backoff

In alternativa all'interpolazione, si può ricorrere al **backoff**: se un  $n$ -gramma non è disponibile, si “retrocede” a un  $(n-1)$ -gramma, e così via fino agli unigrammi. Nei modelli classici, per garantire una distribuzione di probabilità corretta, si effettua una forma di *discounting*.

Una variante molto usata in applicazioni pratiche è lo **stupid backoff**. Qui non si cerca di mantenere una distribuzione valida, ma si applica una semplice regola:

$$S(w_n \mid h) = \begin{cases} \frac{C(hw_n)}{C(h)} & \text{se } C(hw_n) > 0, \\ \lambda S(w_n \mid h') & \text{altrimenti,} \end{cases}$$

dove:

- $S(w_n \mid h)$  è la **funzione di punteggio** (*score*) assegnata alla parola  $w_n$  dato il contesto  $h$ ; non rappresenta una probabilità normalizzata, ma una quantità proporzionale alla probabilità stimata;
- $C(\cdot)$  indica i conteggi osservati nel corpus;
- $h'$  è il contesto accorciato (ad esempio, passando da trigramma a bigramma, o da bigramma a unigramma);
- $\lambda$  è un fattore di penalizzazione costante (tipicamente 0.4) applicato ogni volta che si “retrocede”.

Lo *stupid backoff* non definisce una vera distribuzione probabilistica (poiché i valori di  $S$  non sommano a 1), ma fornisce punteggi comparabili tra diverse sequenze. È molto efficace su grandi corpus e in scenari di ricerca su larga scala, come nel motore linguistico di Google [Brants2007].

### 3.3 Perplessità ed Entropia

Abbiamo introdotto la **perplessità** come misura di valutazione per i modelli n-gram. In realtà essa nasce dal concetto di **entropia** in teoria dell'informazione, che fornisce il legame con la **cross-entropia**. Per distinguere correttamente i concetti, introduciamo alcune definizioni fondamentali:

- **Vocabolario** ( $V$ ): l'insieme finito delle parole (token) conosciute dal modello. Ad esempio, in un corpus ridotto di italiano potremmo avere

$$V = \{\text{gatto, cane, dorme, corre}\}.$$

- **Linguaggio** ( $L$ ): l'insieme di tutte le *sequenze di parole* costruibili a partire da  $V$ . Ad esempio:

$$L = \{\text{gatto dorme, cane corre, gatto corre, ...}\}.$$

In generale  $L$  è potenzialmente infinito, poiché le sequenze possono avere lunghezza arbitraria.

- **Sequenze di parole** ( $w_{1:n}$ ): una specifica frase di lunghezza  $n$ , cioè una realizzazione concreta di elementi di  $V$ . Per esempio  $w_{1:3} = (\text{il, gatto, dorme})$ .

Quando in formule di entropia compare una somma del tipo

$$\sum_{w_{1:n} \in L} p(w_{1:n}) \log p(w_{1:n}),$$

il simbolo  $L$  indica l'insieme di tutte le sequenze possibili di lunghezza  $n$  (non il solo vocabolario). In altre parole, mentre  $V$  è l'insieme statico delle parole,  $L$  rappresenta l'insieme dinamico di tutte le frasi che la lingua può generare.

### 3.3.1 Entropia

L'entropia di una variabile casuale  $X$  con distribuzione  $p(x)$  è definita come:

$$H(X) = - \sum_{x \in \chi} p(x) \log_2 p(x).$$

Intuitivamente, rappresenta il numero medio di bit necessari a codificare un'informazione in modo ottimale. Ad esempio, se tutti gli eventi sono equiprobabili ( $p(x) = 1/|\chi|$ ), l'entropia diventa  $\log_2 |\chi|$ .

### 3.3.2 Entropia di una sequenza

Finora abbiamo considerato l'entropia di una singola variabile casuale (ad esempio, una parola). Per un linguaggio naturale, tuttavia, è più utile ragionare su **sequenze di parole**. Sia dunque  $W = (w_1, w_2, \dots, w_n)$  una frase di lunghezza  $n$ . L'entropia della sequenza è definita come:

$$H(w_1, \dots, w_n) = - \sum_{w_{1:n} \in L} p(w_{1:n}) \log p(w_{1:n}),$$

dove  $L$  rappresenta l'insieme di tutte le sequenze possibili di lunghezza  $n$  in una lingua. In altre parole, consideriamo tutte le frasi di lunghezza  $n$ , ne valutiamo la probabilità e ne calcoliamo l'informazione media.

**Tasso di entropia.** Poiché l'entropia cresce con la lunghezza della sequenza, conviene normalizzarla per il numero di parole. Si definisce quindi il **tasso di entropia** (o entropia per parola) come:

$$H(L) = \lim_{n \rightarrow \infty} \frac{1}{n} H(w_1, \dots, w_n).$$

Questo valore rappresenta la quantità media di informazione (in bit) che ogni parola porta con sé in una lingua.

**Il teorema di Shannon–McMillan–Breiman.** Questo teorema dice che, se la lingua può essere vista come un processo stocastico stazionario (le regole non cambiano nel tempo) ed ergodico (osservando a lungo una sequenza, si vedono tutte le probabilità “vere”), allora: non è necessario calcolare la somma su tutte le frasi possibili e l’entropia può essere stimata osservando una sola sequenza molto lunga. Formalmente:

$$H(L) = \lim_{n \rightarrow \infty} -\frac{1}{n} \log p(w_1, \dots, w_n).$$

**Intuizione.** Il risultato dice che se prendiamo un testo sufficientemente lungo, la media della sorpresa per parola (cioè  $-\log p(w_i)$ ) si stabilizza, e tale valore coincide con l’entropia della lingua. In questo modo l’entropia di un linguaggio diventa un concetto misurabile a partire da testi reali, senza dover enumerare tutte le possibili frasi.

### 3.3.3 Cross-Entropy

Finora abbiamo supposto di conoscere la distribuzione reale  $p$  che genera i dati (cioè la “vera lingua”). Nella pratica, però, non conosciamo mai  $p$ : possiamo solo stimarla tramite un modello  $m$  (ad esempio, un modello n-gram).

In questi casi si usa la **cross-entropy**, che misura quanto bene il modello  $m$  approssima la distribuzione reale  $p$ :

$$H(p, m) = \lim_{n \rightarrow \infty} -\frac{1}{n} \sum_{W \in L} p(W) \log m(W).$$

Qui stiamo calcolando l’informazione media rispetto alla distribuzione vera  $p$ , ma valutata con le probabilità fornite dal modello  $m$ . In pratica, chiediamo: *se i dati sono generati da  $p$ , quanto “costa” codificarli usando il modello  $m$ ?*

**Stima su sequenze lunghe.** Grazie al teorema di Shannon–McMillan–Breiman, non serve considerare tutte le possibili frasi: basta una sequenza sufficientemente lunga. Per un testo di  $N$  parole possiamo stimare:

$$H(W) = -\frac{1}{N} \log m(w_1, \dots, w_N).$$

**Relazione con l'entropia.** Per definizione, la cross-entropy è sempre maggiore o uguale all'entropia vera:

$$H(p) \leq H(p, m).$$

- Se il modello  $m$  coincide con la distribuzione reale  $p$ , allora  $H(p, m) = H(p)$ .
- Se il modello è impreciso, la cross-entropy è più grande, perché  $m$  “spende” più bit del necessario per descrivere i dati.

**Interpretazione intuitiva.** Immaginiamo di voler comprimere un testo in italiano. - Se usassimo la vera distribuzione  $p$  della lingua, otterremmo la massima compressione possibile, pari all'entropia  $H(p)$ . - Usando invece un modello approssimato  $m$  (ad esempio un modello bigramma), la compressione sarà meno efficiente: in media useremo più bit per parola. La cross-entropy misura esattamente questo “surplus” di informazione richiesto da un modello approssimato rispetto alla distribuzione ideale.

### 3.3.4 Relazione con la Perplessità

La **perplessità** è una misura derivata direttamente dalla cross-entropy. Ricordiamo che la cross-entropy  $H(W)$  ci dice quanti bit di informazione, in media, sono necessari per codificare una parola di un testo usando un modello linguistico  $P$ .

Se l'entropia è misurata in bit, allora  $2^{H(W)}$  ha un'interpretazione molto intuitiva: rappresenta il **numero medio di alternative equiprobabili** che il modello deve considerare a ogni passo.

**Intuizione.** - Se  $H(W) = 1$ , significa che in media servono 1 bit per parola: il modello è incerto come se dovesse scegliere tra 2 alternative equiprobabili (come il lancio di una moneta). - Se  $H(W) = 3$ , servono 3 bit per parola: il modello è incerto come se dovesse scegliere tra 8 alternative equiprobabili

(come un dado a 8 facce). - Se  $H(W) = 2.585$ , il modello è incerto come se avesse circa 6 alternative ugualmente probabili: questo è il caso del dado a 6 facce equo.

Per questo motivo la perplessità viene definita come:

$$\text{Perplexity}(W) = 2^{H(W)}.$$

**Forma pratica.** Sostituendo l'espressione della cross-entropy, otteniamo:

$$\text{Perplexity}(W) = \exp\left(-\frac{1}{N} \sum_{i=1}^N \log P(w_i | w_{i-n+1:i-1})\right).$$

Questa scrittura usa il logaritmo naturale: l'esponenziale ricostruisce il “numero equivalente di scelte equiprobabili”.

**Interpretazione.** La perplessità può quindi essere letta come un **fattore medio di diramazione**: quante possibilità il modello considera plausibili per ogni parola. Un modello con bassa perplessità è meno “perplesso”: ha meno incertezza e si avvicina di più a catturare la vera distribuzione della lingua.

### 3.3.5 Entropia e Compressione dei Dati

Il concetto di entropia non è solo teorico, ma ha applicazioni dirette in informatica, in particolare nella **compressione dati**. Shannon ha dimostrato che l'entropia di una sorgente è il **limite inferiore** del numero medio di bit necessari per rappresentarne i simboli senza perdita di informazione. In altre parole, nessun algoritmo di compressione potrà mai scendere sotto l'entropia: è un vincolo fondamentale.

**Codici a lunghezza fissa.** Se si rappresentano i simboli con lo stesso numero di bit, non si tiene conto delle probabilità. Ad esempio, il codice ASCII assegna sempre 8 bit per carattere, anche se alcune lettere sono molto più frequenti di altre. Questo approccio è semplice, ma inefficiente.

**Codici a lunghezza variabile.** Per avvicinarsi al limite teorico dell'entropia, si usano codici che tengono conto della distribuzione di probabilità:

- **Codifica di Huffman:** assegna sequenze di bit più corte ai simboli frequenti e più lunghe a quelli rari. È usata in algoritmi di compressione come ZIP, JPEG, MP3.
- **Arithmetic coding:** rappresenta l'intera sequenza come un unico numero reale in  $[0, 1)$ . È ancora più efficiente di Huffman ed è usata in standard moderni di compressione come H.264 e HEVC.

**Esempio intuitivo.** Nel linguaggio naturale, non tutte le lettere hanno la stessa probabilità (in inglese la lettera **e** è molto più frequente di **z**). Una codifica ottimizzata può sfruttare questa distribuzione, riducendo il numero medio di bit per carattere. Ad esempio, mentre l'ASCII usa 8 bit per ogni carattere, l'entropia stimata per l'inglese è circa 1.5 bit per carattere. I moderni algoritmi di compressione testuale si avvicinano a questo limite, ottenendo in pratica circa 2–3 bit per carattere.

In sintesi, l'entropia non solo fornisce una misura dell'incertezza, ma stabilisce anche il **limite teorico della compressione senza perdita**. La perplessità nei modelli linguistici è quindi strettamente connessa a questo concetto: modelli migliori riducono l'incertezza e, di conseguenza, la quantità di informazione necessaria a descrivere un testo.

# Capitolo 4

## Regressione Logistica e classificazione del testo

Introduzione

### 4.1 Machine learning e classificazione

Lo scopo della **classificazione** è quello di prendere una singola **osservazione**, estrarre da essa alcune proprietà utili, chiamate **feature**, e assegnarla a una delle **classi** presenti in un insieme discreto di categorie.

Ad esempio, una *task* di classificazione potrebbe consistere nel determinare se una **email** (l'osservazione), descritta dalle relative **feature** (come le parole contenute nel testo, l'orario di invio o il mittente), appartenga alla classe *spam* o *non spam*.

Il modo più efficace per affrontare questo tipo di problema è utilizzare un approccio di **apprendimento supervisionato**, ovvero un paradigma in cui al modello vengono mostrati esempi già etichettati. In questo modo, la macchina impara a generalizzare la funzione sottostante che associa le **feature** ( $x \in X$ ) alle **classi** ( $y \in Y$ ).

## 4.2 Funzione sigmoide

Lo scopo della **regressione logistica binaria** è quello di addestrare un classificatore in grado di prendere una decisione binaria sulla classe di un nuovo input. A tale scopo introduciamo il **classificatore sigmoide**, che ci permette di esprimere questa decisione in termini probabilistici.

Consideriamo un singolo input  $\mathbf{x}$ , rappresentato da un vettore di feature:

$$\mathbf{x} = [x_1, x_2, \dots, x_n].$$

Il classificatore produce in output una variabile  $y$  che può assumere due valori:  $y = 1$  (l'osservazione appartiene alla classe positiva) oppure  $y = 0$  (l'osservazione appartiene alla classe negativa). Il nostro obiettivo è stimare la probabilità condizionata  $P(y = 1|\mathbf{x})$ , cioè la probabilità che l'osservazione appartenga alla classe positiva dati i suoi valori di input.

La regressione logistica apprende, a partire da un insieme di addestramento, un vettore di **pesi**  $\mathbf{w} = [w_1, w_2, \dots, w_n]$  e un termine di **bias**  $b$ , detto anche **intercetta**. Ogni peso  $w_i$  è un numero reale associato alla feature  $x_i$  e rappresenta quanto quella feature contribuisce alla decisione finale del classificatore: un peso positivo fornisce evidenza a favore della classe positiva, mentre un peso negativo fornisce evidenza a favore della classe negativa.

Durante la fase di classificazione, una volta appresi i pesi e il bias, il modello calcola una combinazione lineare delle feature di input:

$$z = \sum_{i=1}^n w_i x_i + b = \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b.$$

Il valore  $z$ , detto **logit**, rappresenta la somma pesata delle evidenze a favore della classe positiva. Tuttavia, poiché  $z$  può assumere qualsiasi valore reale (da  $-\infty$  a  $+\infty$ ), non può essere interpretato direttamente come una probabilità.

Per ottenere una probabilità compresa tra 0 e 1, si applica al valore  $z$  la **funzione sigmoide** (o **funzione logistica**), definita come:

$$\sigma(z) = \frac{1}{1 + e^{-z}}.$$

La funzione sigmoide mappa un numero reale nel range  $(0, 1)$ , è quasi lineare intorno a  $z = 0$ , ma tende a saturarsi verso 0 e 1 per valori estremi di  $z$ . Inoltre, è continua e derivabile, una proprietà che la rende adatta ai metodi di ottimizzazione basati sul gradiente.

Di conseguenza, la probabilità che un'osservazione appartenga alla classe positiva è:

$$P(y = 1|\mathbf{x}) = \sigma(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b)$$

mentre la probabilità che appartenga alla classe negativa è:

$$P(y = 0|\mathbf{x}) = 1 - \sigma(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b) = \sigma(-(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b)).$$

Infine, ricordiamo che il termine *logit* deriva dal fatto che la funzione sigmoide è l'inversa della **funzione logit**, definita come:

$$\text{logit}(p) = \ln\left(\frac{p}{1-p}\right).$$

In altre parole, il valore  $z = \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b$  rappresenta il logaritmo del rapporto tra la probabilità che l'osservazione appartenga alla classe positiva e quella che appartenga alla classe negativa.



# Capitolo 5

## Embeddings

Nets are for fish; Once you get  
the fish you can forget the net.  
Words are for meaning; Once  
you get the meaning you can  
forget the words.

---

Zhuangzi

## 5.1 Embeddings

L’asfalto per cui Los Angeles è famosa si trova soprattutto sulle sue autostrade. Ma nel mezzo della città c’è un’altra distesa di asfalto, le pozze di catrame di La Brea, e questo asfalto conserva milioni di ossa fossili risalenti all’ultima delle ere glaciali dell’Epoca Pleistocenica. Uno di questi fossili è lo *Smilodon*, o tigre dai denti a sciabola, immediatamente riconoscibile per i suoi lunghi canini. Circa cinque milioni di anni fa viveva un tipo completamente diverso di tigre dai denti a sciabola, chiamata *Thylacosmilus*, in Argentina e in altre parti del Sud America. *Thylacosmilus* era un marsupiale, mentre *Smilodon* era un mammifero placentato, ma *Thylacosmilus* aveva gli stessi lunghi canini superiori e, come *Smilodon*, una protezione ossea (una flangia) sulla mandibola inferiore. La somiglianza tra questi due mammiferi è uno dei numerosi esempi di evoluzione parallela o convergente, in cui particolari contesti o ambienti portano all’evoluzione di strutture molto simili in specie differenti (Gould, 1980).

Caratteristica	<b>Smilodon</b>	<b>Thylacosmilus</b>
Tipo	Mammifero placentato	Marsupiale
Area geografica	Nord e Sud America	Sud America (Argentina)
Epoca	Pleistocene	Miocene
Periodo	2.5M – 10k anni fa	9M – 3M anni fa
Denti a sciabola	Sì	Sì
Flangia mandibolare	Sì	Sì
Relazione evolutiva	Felino (o simile)	Marsupiale predatore
Tipo di evoluzione	—	Convergente con Smilodon

Tabella 5.1: Confronto tra *Smilodon* e *Thylacosmilus*

### 5.1.1 Ipotesi distribuzionale

Il ruolo del contesto è importante anche per la somiglianza di un tipo di organismo meno biologico: la parola. *Le parole che compaiono in contesti simili tendono ad avere significati simili*. Questo legame tra somiglianza nella distribuzione delle parole e somiglianza nel loro significato è chiamato **ipotesi distribuzionale**. L’ipotesi fu formulata per la prima volta negli anni ’50 da linguisti come Joos (1950), Harris (1954) e Firth (1957), che notarono che parole sinonime (come oculist ed eye-doctor) tendevano a comparire nello stesso ambiente (ad esempio vicino a parole come eye o examined), con la

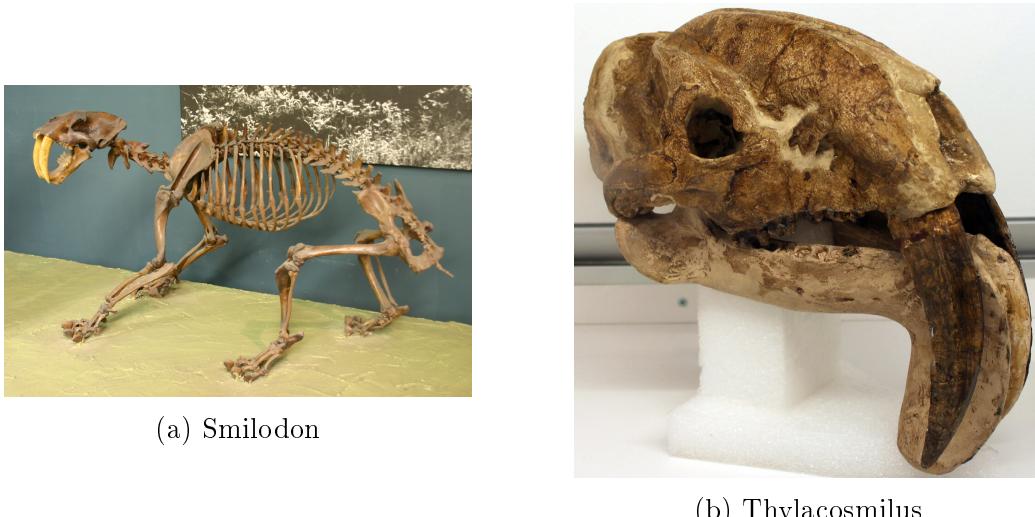


Figura 5.1: Confronto tra Smilodon e Thylacosmilus

quantità di differenza di significato tra due parole “corrispondente più o meno alla quantità di differenza nei loro ambienti” (Harris, 1954, p. 157).

### 5.1.2 Semantica lessicale

Iniziamo introducendo qualche principio di base sul significato delle parole. Come possiamo rappresentare il significato di una parola in un computer? In un  $n$ -gram language model, ogni parola è rappresentata come una stringa di lettere o come un indice in una lista di un vocabolario.

Questa, tuttavia, non è una vera rappresentazione del significato della parola. La parola *cat*, ad esempio, può essere rappresentata semplicemente come la stringa “*cat*” oppure come l’indice 2 in una tabella di vocabolario. Ma questa codifica non ci dice nulla sul fatto che un gatto sia un animale, che sia simile a un cane, o che abbia certe proprietà. In altre parole, il modello non “capisce” il significato: tratta ogni parola come un semplice simbolo distinto dagli altri.

Il risultato è che il significato non è contenuto nella rappresentazione, ma può essere solo inferito indirettamente dalla distribuzione della parola nel testo (dove appare, con quali parole co-occorre, quali sequenze forma). Questa idea è alla base dell'ipotesi distribuzionale: parole che compaiono in contesti simili tendono ad avere significati simili.

Proprio perché le rappresentazioni simboliche degli  $n$ -gram non possono cat-

turare similitudini o relazioni semantiche, sono stati sviluppati modelli più moderni come gli *embeddings*, che rappresentano ogni parola tramite un vettore numerico capace di riflettere somiglianze e strutture semantiche.

In alcune tradizioni filosofiche, per rappresentare il significato di una parola si usava semplicemente il suo corrispettivo scritto in maiuscoletto; ad esempio, il significato di “dog” veniva rappresentato come DOG, e quello di “cat” come CAT. In altri casi si aggiungeva un apostrofo, come in DOG’. Questa convenzione, che a volte compare anche in corsi introduttivi di logica, riflette una visione puramente simbolica del significato: il simbolo che rappresenta la parola è il suo significato.

Si tratta però di un modello estremamente limitato e insoddisfacente. Scrivere DOG al posto di “dog” non aggiunge alcuna informazione su ciò che un cane è, su quali proprietà abbia, o su come il suo significato sia relazionato a quello di parole simili come “cat” o a parole opposte come “rock”. Il simbolo è solo una versione stilizzata della parola stessa.

La debolezza di questo approccio è ben illustrata da una battuta attribuita alla semanticista Barbara Partee: se chiediamo “qual è il significato della vita?”, la risposta, secondo questo modello, sarebbe semplicemente LIFE’. Ovviamente, sappiamo che il significato non può essere ridotto a un’etichetta arbitraria.

Ciò che ci interessa, invece, è un modello che ci permetta di cogliere somiglianze e differenze tra significati: ad esempio, che “cat” sia più simile a “dog” che a “table”, che “hot” sia l’opposto di “cold”, o che verbi come “buy”, “sell” e “pay” descrivano lo stesso evento di acquisto da tre prospettive differenti. Idealmente, una rappresentazione del significato dovrebbe permettere anche di derivare inferenze utili per compiti di comprensione del linguaggio, come il question answering o il dialogo.

### 5.1.3 Proprietà del significato lessicale

Possiamo analizzare il significato delle parole attraverso una serie di proprietà linguistiche fondamentali:

- **Lemma e forme flesse.** Il lemma è la forma canonica di una parola (ad es. *mouse*); le sue forme flesse (*mice*, *sung*, *duermes*) sono dette *wordforms*. Ogni lemma può avere molteplici significati, chiamati *sensi* della parola.

- **Polisemia.** Un lemma può essere associato a più sensi distinti (ad es. *mouse* come animale oppure come dispositivo elettronico). Questo rende necessaria la *disambiguazione del senso*.
- **Sinonimia.** Due parole (o sensi) sono sinonimi se hanno significati molto simili (ad es. *car/automobile*). La sinonimia non è mai perfetta: secondo il *principio di contrasto*, differenze formali corrispondono a differenze di significato.
- **Similarità tra parole.** Due parole possono essere simili pur non essendo sinonimi (ad es. *cat* e *dog*). La similarità lessicale è utile per compiti come question answering, parafrasi e confronto tra frasi.
- **Correlatezza semantica (relatedness).** Parole che non sono simili possono comunque essere semanticamente collegate, perché partecipano allo stesso evento o dominio (ad es. *coffee* e *cup*). Le parole possono inoltre appartenere allo stesso *campo semantico* (ospedale, ristorante, casa).
- **Connotazione.** Le parole hanno componenti affettive, legate a emozioni, opinioni o valori. Alcune hanno connotazione positiva (*wonderful*), altre negativa (*dreary*). Le connotazioni sono centrali per compiti come sentiment analysis e stance detection.

### L'ipotesi di Osgood: il significato come punto in uno spazio vettoriale

Un contributo fondamentale alla rappresentazione del significato proviene dal lavoro di Osgood et al. (1957), che studiarono la componente affettiva delle parole. Osgood mostrò che i giudizi emotivi associati a una parola possono essere descritti lungo tre dimensioni principali:

1. **Valenza:** quanto la parola è percepita come positiva o negativa.
2. **Arousal:** quanto la parola induce attivazione emotiva.
3. **Dominanza:** quanto la parola implica controllo o sottomissione.

Ogni parola può quindi essere rappresentata come una tripla di valori numerici che ne definiscono la posizione in questo spazio tridimensionale. Ad esempio:

$$\textit{heartbreak} \rightarrow [2.5, 5.7, 3.6]$$

L'intuizione rivoluzionaria di Osgood è che il significato di una parola possa essere rappresentato come un **vettore in uno spazio semantico**. Questa idea anticipa direttamente i moderni modelli di *word embeddings*, in cui ogni parola è descritta come un punto in uno spazio multidimensionale che cattura somiglianze, connotazioni e relazioni semantiche.

### 5.1.4 Semantica vettoriale

Vector semantics è lo standard di rappresentazione per la rappresentazione del significato delle parole nel nlp. Le radici di questo approccio risalgono agli anni '50 quando due idee conversero:

1. L'idea di Osgood (1957), descritta sopra, di rappresentare la connotazione di una parola come un punto in uno spazio tridimensionale.
2. L'ipotesi distribuzionale. La proposta di linguisti come Joos (1950), Harris (1954) e Firth (1957) di definire il significato di una parola tramite la sua distribuzione nell'uso linguistico, cioè tramite le parole che la circondano o gli ambienti grammaticali in cui appare.

Questa seconda idea si basa sull'intuizione che due parole che compaiono in contesti simili tendono ad avere significati simili. Possiamo illustrare questa intuizione con un semplice esempio.

Supponiamo di non conoscere il significato della parola *ongchoi*, ma di incontrarla nei seguenti contesti:

3. *L'ongchoi è deliziosa saltata con aglio.*
4. *L'ongchoi è ottima servita con riso.*
5. *...foglie di ongchoi con salse salate...*

Ora immaginiamo di aver già visto molte di queste parole-contesto in altri esempi, come:

6. *...gli spinaci saltati con aglio serviti sul riso...*

7. ...le coste, con i loro gambi e foglie, sono molto gustose...
8. ...il cavolo riccio e altre verdure a foglia dal sapore salato...

Il fatto che *ongchoi* compaia insieme a parole come *riso*, *aglio*, *deliziosa* e *salata*, proprio come *spinaci*, *coste* o *cavolo riccio*, suggerisce che l'*ongchoi* sia una **verdura a foglia** simile a queste altre verdure.

Questa è esattamente l'intuizione alla base della semantica vettoriale: possiamo rappresentare il significato di una parola osservando e contando le parole che compaiono nei suoi contesti. Parole che condividono contesti simili tendono ad avere vettori simili e quindi significati simili. I vettori per rappresentare le parole vengono chiamati **word embeddings**. La parola “embedding” deriva storicamente dalla suo significato matematico ovvero quello di mappare da uno spazio ad un altro.

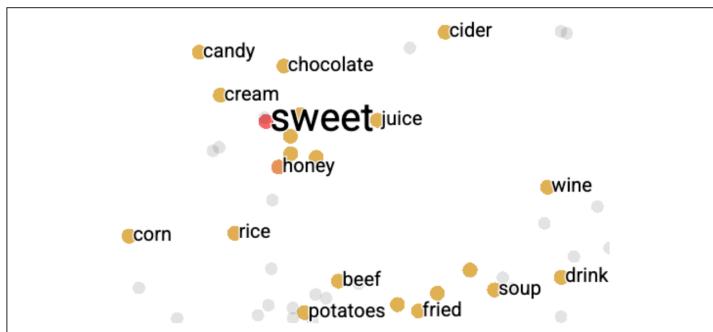


Figura 5.2: Visualizzazione 2-dimensionale di 200 di uno spazio 200-dimensionale dell'algoritmo word2vec Embeddings per delle parole vicino alla parola *sweet*.

La figura 5.2 mostra una visualizzazione bidimensionale di un insieme di word embeddings appresi dall'algoritmo Word2Vec. Si vede come parole semanticamente simili (ipotesi distribuzionale) compaiano vicine nello spazio vettoriale (idea di semantica vettoriale).

### 5.1.5 Simple count-based embeddings

Introduciamo ora il primo modo di calcolare i word vector embeddings. Il metodo più semplice è basato sulla **matrice di co-occorrenza**, un modo per rappresentare quanto spesso le parole co-occorrono. Definiremo un particolare tipo di co-occorrenza, la **word-context matrix**, nella quale ogni

riga della matrice rappresenta una parola del vocabolario e ogni colonna rappresenta quanto spesso ogni altra parola del vocabolario appare vicina alla parola target. Si tratta quindi di una matrice quadrata di dimensione  $|V| \times |V|$ , dove  $|V|$  è la dimensione del vocabolario.

Ogni cella  $M_{i,j}$  della matrice conterrà il numero di volte che la parola  $w_j$  compare nel contesto della parola  $w_i$ . Ma cosa significa esattamente “vicina”? Possiamo definire una **finestra di contesto** di ampiezza  $k$  che indica quante parole a sinistra e a destra consideriamo attorno alla parola target.

Supponiamo di avere la frase “il gatto mangia il topo” e di utilizzare una finestra di contesto di ampiezza pari a  $k = 1$ . Il vocabolario sarà:

$$V = \{\text{il}, \text{gatto}, \text{mangia}, \text{topo}\}$$

Parola ( $w_i$ )	il	gatto	mangia	topo
il	0	1	0	1
gatto	1	0	1	0
mangia	0	1	0	1
topo	1	0	1	0

Tabella 5.2: Esempio di matrice di co-occorrenza con finestra di contesto di ampiezza 1.

Ogni riga della matrice rappresenta quindi un vettore che descrive una parola.

Finora abbiamo visto un esempio molto semplice costruito su una singola frase. In un corpus reale, tuttavia, le co-occorrenze sono molto più numerose e i vettori risultanti hanno tipicamente dimensioni molto grandi e sono estremamente sparsi. Per illustrare questo scenario, riportiamo un estratto reale della matrice di co-occorrenza calcolata sul corpus Wikipedia, come mostrato in Fig. 5.3 di [jurafsky].

In questo esempio consideriamo quattro parole target (*cherry, strawberry, digital, information*) e, per scopi illustrativi, solo sei parole di contesto selezionate: *aardvark, computer, data, result, pie, sugar*. I valori riportati nella tabella seguente sono esattamente quelli presenti nel libro:

Come si può osservare, i valori possono essere molto elevati: ad esempio, la parola *information* co-occorre 3982 volte con *data* e 3325 volte con *computer*. Questi valori derivano da milioni di occorrenze nel corpus Wikipedia, motivo per cui sono molto più grandi rispetto agli esempi introduttivi.

Parola	aardvark	computer	data	result	pie	sugar
cherry	0	2	8	9	442	25
strawberry	0	0	0	1	60	19
digital	0	1670	1683	85	5	4
information	0	3325	3982	378	5	13

Tabella 5.3: Estratto reale della matrice word-context calcolata sul corpus Wikipedia, come mostrato in Fig. 5.3 di [jurafsky].

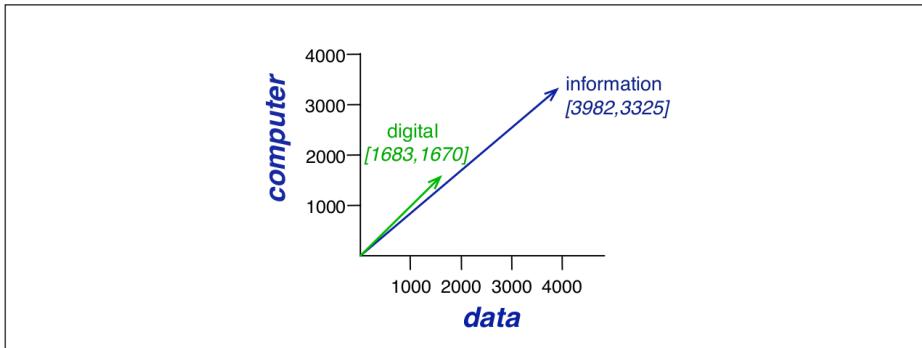


Figura 5.3: Estratto reale di vettori di co-occorrenza calcolati sul corpus Wikipedia (mostra solo alcune dimensioni del vettore).

È importante notare che  $|V|$ , la dimensionalità del vettore, coincide in genere con la dimensione del vocabolario, che nelle applicazioni pratiche può variare tra 10.000 e 50.000 parole. Poiché tuttavia la grande maggioranza delle celle della matrice di co-occorrenza contiene valore zero, i vettori risultanti sono estremamente **sparsi**. Per gestire in modo efficiente tale sparsità vengono utilizzate strutture dati e algoritmi specializzati, come rappresentazioni *compressed sparse row* (CSR) o *compressed sparse column* (CSC).

Inoltre, invece di usare le semplici frequenze di co-occorrenza, è possibile applicare delle funzioni di *pesatura* che ne trasformano i valori per migliorare la qualità degli embeddings ottenuti. Alcune di queste trasformazioni hanno lo scopo di ridurre l'effetto delle parole molto frequenti o di enfatizzare co-occorrenze particolarmente informative. Un esempio classico è il *tf-idf* (term frequency-inverse document frequency), che introduce un peso maggiore alle parole specifiche e meno comuni. Approfondiremo questo e altri schemi di pesatura più avanti.

Avendo ora sviluppato una certa intuizione sulla rappresentazione distribuzionale delle parole, il passo successivo consiste nel definire un modo per

**misurare la similarità** tra i vettori ottenuti dalla matrice parola-contesto. Il metodo più utilizzato è la *cosine similarity*, che descriviamo di seguito.

### 5.1.6 Cosine Similarity

La **cosine similarity** è una misura di similarità tra vettori che valuta il coseno dell'angolo compreso tra essi nello spazio vettoriale. Data la sua indipendenza dalla lunghezza dei vettori, risulta particolarmente adatta a confrontare vettori di frequenze o di pesi, come quelli derivati da matrici parola-contesto.

Dati due vettori  $u$  e  $v$ , la similarità coseno è definita come:

$$\text{cosine\_sim}(u, v) = \frac{u \cdot v}{\|u\| \|v\|} = \frac{\sum_i u_i v_i}{\sqrt{\sum_i u_i^2} \sqrt{\sum_i v_i^2}}. \quad (5.1)$$

Il valore risultante è compreso tra  $-1$  e  $1$ :

- 1 indica che i vettori puntano nella stessa direzione (massima similarità),
- 0 indica che sono ortogonali (nessuna similarità),
- valori negativi indicano direzioni opposte (molto raro nei contesti di NLP).

Nelle applicazioni di elaborazione del linguaggio naturale la cosine similarity è spesso preferita alla distanza Euclidea, perché ci interessa confrontare il *pattern* delle co-occorrenze piuttosto che le loro magnitudini assolute. Ad esempio, due parole che co-occorrono con gli stessi termini di contesto, anche se con frequenze diverse, risulteranno comunque simili.

La cosine similarity è quindi il principale strumento per valutare la similarità tra vettori distribuzionali e rappresenta un passaggio fondamentale prima di introdurre i modelli predittivi come Word2Vec, che nascono proprio per superare i limiti computazionali e concettuali degli embeddings basati su conteggi.

### 5.1.7 Word2Vec

Abbiamo visto come costruire vettori semantici basati sui conteggi di co-occorrenza, che portano a rappresentazioni ad altissima dimensionalità e fortemente sparse. Introduciamo ora una rappresentazione più potente ed efficiente: gli **embeddings densi**, piccoli vettori continui (tipicamente 50–300 dimensioni) che possono contenere anche valori negativi.

A differenza dei vettori sparsi da 50.000 dimensioni derivati dalle matrici di co-occorrenza, questi vettori sono **densi** e molto più compatti. Ciò permette ai modelli di apprendere un numero significativamente inferiore di pesi, rendendo l’addestramento più rapido ed efficiente. Inoltre, i vettori densi tendono a catturare meglio le relazioni semantiche. Per esempio, nella rappresentazione sparsa tradizionale, due sinonimi come *car* e *automobile* possono avere coordinate totalmente diverse e non risultare vicini nello spazio vettoriale, mentre gli embeddings densi riescono a rappresentarne la similarità in modo molto più naturale.

In questa sezione introduciamo uno dei metodi più famosi per calcolare embeddings densi: il **skip-gram with negative sampling** (SGNS). L’algoritmo skip-gram è uno dei due modelli del pacchetto software **word2vec** proposto da Mikolov et al. (2013) e viene spesso indicato direttamente come “word2vec”. Questi metodi sono estremamente veloci, efficienti da addestrare e ampiamente disponibili come modelli pre-addestrati.

Gli embeddings ottenuti con word2vec sono **statici**: ogni parola del vocabolario è associata a un unico vettore che rimane invariato a prescindere dal contesto in cui la parola appare. Successivamente introdurremo invece gli **embeddings contestuali** (o **contextual embeddings**), come quelli prodotti da modelli Transformer quali BERT e GPT, che generano un vettore diverso per ciascuna occorrenza della parola, adattandosi al contesto e catturando così i diversi sensi che una parola può assumere.

L’intuizione alla base del modello skip-gram è semplice ma estremamente efficace. Invece di contare quante volte una parola  $w$  compare vicino a una parola target (ad esempio *albicocca*), addestriamo un classificatore su una task di predizione binaria che risponde alla domanda:

“Qual è la probabilità che la parola  $w$  compaia nel contesto della parola *albicocca*? ”

Non siamo realmente interessati alla predizione in sé; ciò che ci interessa sono i **pesi** appresi dal classificatore per svolgere questo compito. Quei pesi diventano le nostre rappresentazioni distribuzionali, ovvero gli embeddings.

In questo modo, invece di costruire manualmente vettori basati su conteggi, è il modello stesso che apprende automaticamente una rappresentazione densa e informativa capace di catturare relazioni semantiche e sintattiche tra parole.

L'intuizione rivoluzionaria alla base di questo approccio è che il semplice testo continuo può essere utilizzato come **segnale di supervisione implicito** per addestrare il classificatore. In altre parole, ogni parola che compare nel contesto della parola target (ad esempio una parola  $c$  che appare vicino a *albicocca*) fornisce automaticamente un'etichetta positiva alla domanda “È probabile che la parola  $c$  compaia nel contesto di *albicocca*?”.

Questo tipo di segnale, noto come **self-supervision**, consente di evitare qualsiasi forma di annotazione manuale. L'idea fu inizialmente proposta nell'ambito del *neural language modeling*, quando Bengio et al. (2003) e Collobert et al. (2011) mostrarono che un modello neurale in grado di prevedere la parola successiva poteva utilizzare proprio la parola seguente nel testo come supervisione, apprendendo contestualmente anche una rappresentazione distribuzionale per ogni parola.

Approfondiremo i modelli neurali nel capitolo successivo, ma è utile notare che word2vec rappresenta una versione molto più semplice rispetto ai neural language models classici, per due motivi principali. Primo, word2vec semplifica il compito: invece di prevedere la parola successiva, formula una **task di classificazione binaria**. Secondo, word2vec semplifica l'architettura: al posto di una rete neurale profonda con livelli nascosti, utilizza una semplice **regressione logistica**, molto più facile da addestrare.

L'intuizione alla base dello skip-gram with negative sampling può essere riassunta nei seguenti passi:

1. Considerare la parola target e una parola del suo contesto come un **esempio positivo**.
2. Campionare casualmente altre parole dal vocabolario per ottenere **esempi negativi**.
3. Addestrare un classificatore di regressione logistica a distinguere esempi positivi ed esempi negativi.
4. Utilizzare i pesi appresi dal modello come **embeddings** delle parole.

## Il classificatore

Per comprendere il modello skip-gram, cominciamo dalla **task di classificazione** che esso deve svolgere. L'idea alla base è estremamente semplice: dato una parola target  $w$  e una parola candidata  $c$ , vogliamo stimare la probabilità che  $c$  sia realmente una parola di contesto per  $w$ .

Consideriamo una frase come la seguente:

“...limone, un cucchiaio di marmellata di albicocca, un pizzico  
...”

e supponiamo di utilizzare una finestra di contesto di ampiezza  $\pm 2$ . La parola target è dunque *albicocca*, mentre le parole che la circondano sono:

$$c_1 = \text{un}, \quad c_2 = \text{cucchiaio}, \quad w = \text{albicocca}, \quad c_3 = \text{marmellata}, \quad c_4 = \text{di}.$$

Ogni coppia  $(w, c_i)$  costituisce un **esempio positivo** per il nostro classificatore. Vogliamo che il modello assegni:

$$\begin{aligned} (\text{albicocca}, \text{marmellata}) &\longrightarrow \text{probabilità alta} \\ (\text{albicocca}, \text{formichiere}) &\longrightarrow \text{probabilità bassa} \end{aligned}$$

Formalmente, il classificatore stima:

$$P(+ | w, c) \tag{5.11}$$

cioè la probabilità che  $c$  sia un vero contesto di  $w$ . Naturalmente, la probabilità che  $c$  *non* sia un contesto è:

$$P(- | w, c) = 1 - P(+ | w, c).$$

### Come calcoliamo questa probabilità?

L'intuizione dello skip-gram è che due parole sono buoni vicini nel testo se i loro **vettori di embedding** sono simili. Usiamo quindi il prodotto scalare tra i vettori densi della parola target **w** e della parola di contesto **c**:

$$\text{Similarity}(w, c) \sim \mathbf{w} \cdot \mathbf{c}.$$

Il prodotto scalare può assumere qualsiasi valore reale, quindi per trasformarlo in una probabilità compresa tra 0 e 1 applichiamo la funzione sigmoide:

$$\sigma(x) = \frac{1}{1 + e^{-x}}. \quad (5.2)$$

Otteniamo così il modello probabilistico del classificatore:

$$P(+ | w, c) = \sigma(\mathbf{w} \cdot \mathbf{c}). \quad (5.15)$$

Analogamente:

$$P(- | w, c) = \sigma(-\mathbf{w} \cdot \mathbf{c}).$$

### Più parole nel contesto: il caso generale

Finora abbiamo considerato una singola parola  $c$ , ma nella realtà abbiamo una finestra con  $L$  parole di contesto:

$$c_1, c_2, \dots, c_L.$$

Lo skip-gram adotta una semplificazione fondamentale: *le parole nel contesto sono considerate indipendenti l'una dall'altra*. Ciò consente di modellare la probabilità complessiva come un semplice prodotto:

$$P(+ | w, c_{1:L}) = \prod_{i=1}^L \sigma(\mathbf{w} \cdot \mathbf{c}_i). \quad (5.17)$$

Per stabilità numerica si lavora quasi sempre con il logaritmo:

$$\log P(+ | w, c_{1:L}) = \sum_{i=1}^L \log \sigma(\mathbf{w} \cdot \mathbf{c}_i). \quad (5.18)$$

In sintesi, lo skip-gram addestra un classificatore che assegna una probabilità alla coppia “parola target + finestra di contesto” basandosi sulla similarità

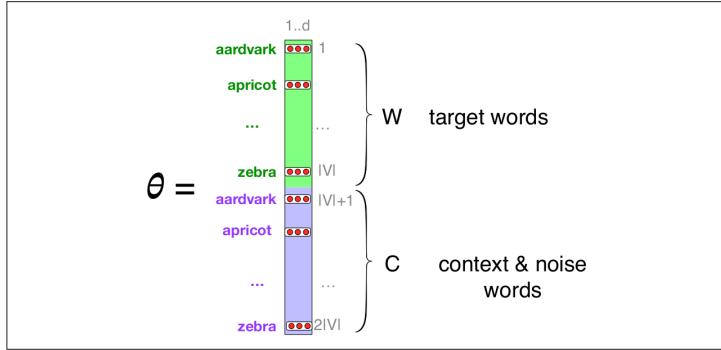


Figura 5.4: Lo skip-gram apprende in totale due insiemi di embedding, uno per i target e uno per i contesti, per un totale di  $2|V|$  vettori, ciascuno di dimensione  $d$ . L’addestramento del modello ha quindi un unico scopo: apprendere questi vettori in modo da massimizzare la probabilità che le parole realmente vicine nel testo risultino simili nei loro embedding

tra i rispettivi vettori di embedding. Per calcolare questa probabilità sono necessari due tipi di vettori per ogni parola del vocabolario:

- un vettore quando la parola compare come **target** (matrice  $W$ ),
- un vettore distinto quando la parola compare come **contesto** o **rumore** (matrice  $C$ ).

**Nota sulla dimensione del contesto.** Se la finestra ha ampiezza  $\pm k$  parole, allora il numero totale di parole nel contesto è:

$$L = 2k.$$

Ad esempio, una finestra  $\pm 2$  come nel nostro caso produce  $L = 4$  parole di contesto. Per questo motivo, nelle formule usiamo la notazione compatta  $c_{1:L}$  per indicare le  $L$  parole attorno al target  $w$ . **Esempio concreto delle matrici  $W$  e  $C$ .** Riprendiamo la frase d’esempio e supponiamo che il vocabolario locale sia:

$$V = \{\text{limone, un, cucchiaio, marmellata, albicocca, pizzico}\}.$$

Supponiamo inoltre che la dimensione degli embedding sia  $d = 3$  (solo per semplicità espositiva). Lo skip-gram mantiene *due* vettori per ogni parola:

uno come **target** (matrice  $W$ ) e uno come **contesto** (matrice  $C$ ). In forma schematica:

$$W = \begin{bmatrix} \mathbf{w}_{\text{limone}} \\ \mathbf{w}_{\text{un}} \\ \mathbf{w}_{\text{cucchiaio}} \\ \mathbf{w}_{\text{marmellata}} \\ \mathbf{w}_{\text{albicocca}} \\ \mathbf{w}_{\text{pizzico}} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 0.1 & 0.3 & -0.2 \\ -0.4 & 0.2 & 0.1 \\ 0.6 & -0.1 & 0.0 \\ -0.2 & 0.5 & 0.4 \\ 0.8 & 0.7 & -0.3 \\ -0.1 & -0.4 & 0.2 \end{bmatrix}$$

$$C = \begin{bmatrix} \mathbf{c}_{\text{limone}} \\ \mathbf{c}_{\text{un}} \\ \mathbf{c}_{\text{cucchiaio}} \\ \mathbf{c}_{\text{marmellata}} \\ \mathbf{c}_{\text{albicocca}} \\ \mathbf{c}_{\text{pizzico}} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 0.0 & -0.2 & 0.1 \\ -0.3 & 0.4 & 0.5 \\ 0.2 & 0.1 & -0.3 \\ 0.7 & -0.1 & 0.2 \\ -0.5 & 0.6 & 0.3 \\ 0.1 & -0.4 & -0.2 \end{bmatrix}$$

Per la coppia positiva (albicocca, marmellata) il classificatore calcolerebbe:

$$\mathbf{w}_{\text{albicocca}} \cdot \mathbf{c}_{\text{marmellata}} = (0.8)(0.7) + (0.7)(-0.1) + (-0.3)(0.2) = 0.56 - 0.07 - 0.06 = 0.43,$$

$$P(+ \mid w = \text{albicocca}, c = \text{marmellata}) = \sigma(0.43) \approx 0.605.$$

Per una coppia negativa come (albicocca, pizzico):

$$\mathbf{w}_{\text{albicocca}} \cdot \mathbf{c}_{\text{pizzico}} = (0.8)(0.1) + (0.7)(-0.4) + (-0.3)(-0.2) = 0.08 - 0.28 + 0.06 = -0.14,$$

$$P(+ \mid w = \text{albicocca}, c = \text{pizzico}) = \sigma(-0.14) \approx 0.465.$$

Questo esempio numerico mostra concretamente come il modello sfrutti i due insiemi di embedding  $W$  e  $C$  per assegnare una probabilità alla relazione di contesto.

### Algoritmo di apprendimento

L'algoritmo procede assegnando inizialmente un vettore di embedding *casuale* sia per ogni parola come **target** (matrice  $W$ ) sia per ogni parola come **contesto** (matrice  $C$ ). A partire da questi vettori iniziali, l'apprendimento consiste nello spostare iterativamente gli embedding in modo che:

- la parola target  $w$  diventi più simile (dot product maggiore) ai vettori delle parole che compaiono realmente nel suo contesto;
- la parola target  $w$  diventi meno simile (dot product minore) ai vettori delle parole che non compaiono nel suo contesto.

Per capire come funziona, consideriamo un singolo esempio di training tratto dalla frase vista in precedenza:

“...limone, un cucchiaio di marmellata di albicocca, un pizzico  
...”

Con una finestra di contesto di ampiezza  $\pm 2$ , otteniamo la parola target  $w = \text{albicocca}$  e le  $L = 4$  parole di contesto:

$$c_1 = \text{un}, \quad c_2 = \text{cucchiaio}, \quad c_3 = \text{marmellata}, \quad c_4 = \text{di}.$$

Ciascuna coppia  $(w, c_i)$  costituisce un **esempio positivo**. Per addestrare un classificatore binario, però, servono anche esempi negativi. Lo skip-gram con negative sampling (SGNS) genera per ogni esempio positivo  $(w, c_{pos})$  un certo numero  $k$  di esempi negativi scegliendo parole casuali dal vocabolario ( dette *noise words*), che non devono essere il target  $w$ . Ad esempio, con  $k = 2$ :

$(\text{albicocca}, \text{marmellata}) \Rightarrow$  negativi:  $(\text{albicocca}, \text{aardvark}), (\text{albicocca}, \text{seven})$

Le noise words non vengono scelte in modo uniforme, ma seguono una distribuzione **pesata**:

$$P_\alpha(w) = \frac{\text{count}(w)^\alpha}{\sum_{w'} \text{count}(w')^\alpha},$$

dove tipicamente  $\alpha = 0.75$ . Questa scelta aumenta leggermente la probabilità delle parole rare, migliorando le prestazioni del modello.

Dato un esempio positivo  $(w, c_{pos})$  e i corrispondenti  $k$  esempi negativi  $c_{neg1}, \dots, c_{negk}$ , lo skip-gram definisce la seguente funzione di perdita:

$$L = -\log \sigma(c_{pos} \cdot w) - \sum_{i=1}^k \log \sigma(-c_{neg_i} \cdot w), \quad (5.3)$$

che esprime il desiderio di:

- massimizzare il dot product tra  $w$  e  $c_{pos}$ ;
- minimizzare il dot product tra  $w$  e i  $k$  contesti negativi.

L'ottimizzazione avviene tramite **stochastic gradient descent (SGD)**: per ogni esempio si aggiornano sia il vettore target  $w$  nella matrice  $W$ , sia i vettori di contesto in  $C$ , avvicinando il target ai contesti corretti e allontanandolo dai contesti negativi.

Ricordiamo che il modello mantiene due embedding distinti per ogni parola  $i$ :

$$\begin{aligned} w_i &\in W && \text{(embedding target),} \\ c_i &\in C && \text{(embedding contesto).} \end{aligned}$$

Al termine dell'addestramento, gli embedding finali possono essere ottenuti usando solo  $W$  oppure combinando i due vettori, ad esempio con  $w_i + c_i$ .

Come nei metodi basati sui conteggi (ad es. tf-idf), la dimensione della finestra di contesto  $L$  influenza la qualità degli embedding e viene spesso ottimizzata su un insieme di validazione.

### 5.1.8 Proprietà semantiche degli embeddings

Gli embeddings catturano diversi tipi di informazione semantica e sintattica. In questa sezione riassumiamo in modo schematico le proprietà più rilevanti.

#### 1. Influenza della finestra di contesto

La dimensione della finestra di contesto ( $L = 2k$ ) determina il tipo di similarità appresa:

- **Finestra piccola** ( $\pm 1$  o  $\pm 2$ ) → similarità più **syntactic-like**: parole con stesso ruolo grammaticale. Esempio: *scrive*  $\approx$  *dice*, *risponde*.
- **Finestra ampia** ( $\pm 5$  o più) → similarità più **topical-like**: parole dello stesso ambito tematico.  
Esempio: *ospedale*  $\approx$  *ambulanze*, *infermieri*.

## 2. First-order vs. second-order similarity

- **First-order co-occurrence** (associazione sintagmatica): due parole compaiono vicine nel testo. Esempio: *scrisse-libro*, *poema*.
- **Second-order co-occurrence** (associazione paradigmatica): due parole hanno contesti simili, anche se non compaiono mai insieme. Esempio: *scrisse-disse-osservò*.

Gli embeddings dense (come word2vec) catturano soprattutto la second-order similarity.

## 3. Analogical reasoning (modello del parallelogramma)

Gli embeddings rappresentano non solo il significato singolo, ma anche le **relazioni** tra parole.

Il principio è:

$$b^* \approx b - a + a^*$$

Esempi classici:

$$\text{king} - \text{man} + \text{woman} \approx \text{queen}$$

$$\text{Paris} - \text{France} + \text{Italy} \approx \text{Rome}$$

- Funziona bene per relazioni frequenti e regolari: capitali, genere grammaticale, flessione morfologica.
- Meno efficace per relazioni astratte o parole rare.

#### 4. Struttura geometrica: ortogonalità e parallelismo

Nel loro spazio vettoriale, gli embeddings possono essere interpretati geometricamente:

- **Parallelismo:** vettori paralleli indicano relazioni analoghe (es. direzione “maschio→femmina” simile per più parole).
- **Ortogonalità:** vettori ortogonali indicano concetti indipendenti (similarità coseno = 0).
- **Direzione:** direzioni dello spazio codificano proprietà semantiche (genere, tempo verbale, grado comparativo).

#### 5. Effetti pratici

- Gli embeddings incorporano automaticamente informazione sintattica e semantica.
- Le relazioni emergono senza supervisione (self-supervised learning).
- La scelta di finestra, dimensione del vettore e algoritmo influenza fortemente il risultato.

##### 5.1.9 Embeddings as the input to neural net classifiers

Un tool

# Capitolo 6

## Reti Neurali

Le reti neurali costituiscono oggi uno degli strumenti fondamentali per l'elaborazione del linguaggio naturale. Sebbene il termine *neural* derivi dai primi modelli ispirati ai neuroni biologici — in particolare il neurone di McCulloch e Pitts (1943) — le reti neurali moderne devono essere intese come architetture computazionali, prive di una reale ispirazione biologica.

Una rete neurale è formata da piccole unità elementari di calcolo collegate tra loro. Ogni unità riceve un vettore di input, applica una trasformazione (includendo una componente non lineare) e produce un output. Collegando queste unità in sequenza si ottengono i **layer** della rete. Se l'informazione fluisce dai layer iniziali a quelli successivi senza cicli o retroazioni, parliamo di **feedforward neural networks**.

Il termine *deep learning* si riferisce proprio alla presenza di molti layer successivi: maggiore profondità permette alla rete di apprendere rappresentazioni via via più astratte e utili per il compito finale. A differenza dei modelli classici come la regressione logistica, che richiedono una progettazione manuale delle feature, le reti profonde apprendono automaticamente rappresentazioni intermedie (*representation learning*), come abbiamo già visto per gli embeddings del Capitolo 5.

In questo capitolo introdurremo le reti neurali feedforward come classificatori. Nei capitoli successivi vedremo modelli più complessi come i transformer (Capitolo 8), le reti ricorrenti (Capitolo 13) e le reti convoluzionali (Capitolo 15).

## 6.1 Unità neurali

L'elemento di base di una rete neurale è la singola **unità neurale**. Data un'entrata  $\mathbf{x} = (x_1, \dots, x_n)$ , la unità calcola una somma pesata dell'input:

$$z = \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b \quad (6.1)$$

dove  $\mathbf{w} = (w_1, \dots, w_n)$  è il vettore dei pesi e  $b$  è il bias. Il valore  $z$  è una trasformazione lineare dell'input. Poiché una rete basata solo su trasformazioni lineari non sarebbe in grado di apprendere relazioni complesse, si applica a  $z$  una funzione di attivazione non lineare  $f$ :

$$y = a = f(z) \quad (6.2)$$

Tra le funzioni più usate troviamo:

- **Sigmoid**:  $f(z) = \frac{1}{1+e^{-z}}$ , mappa in  $(0, 1)$ .
- **Tanh**: output in  $(-1, 1)$ .
- **ReLU**:  $f(z) = \max(0, z)$ , molto efficace in reti profonde.

La presenza di una non linearità è cruciale: senza di essa la rete, indipendentemente dal numero di layer, si comporterebbe come un semplice modello lineare.

## 6.2 Il problema dell'XOR e la necessità dei livelli nascosti

L'importanza della non linearità e dei livelli nascosti fu evidenziata in uno dei risultati più celebri della teoria delle reti neurali: il lavoro di Minsky e Papert (1969). Gli autori mostrarono che una singola unità neurale lineare — il *perceptron* — non può calcolare la funzione logica XOR.

Consideriamo tre funzioni booleane di due variabili  $x_1$  e  $x_2$ :

Il percettrone calcola:

AND			OR			XOR		
$x_1$	$x_2$	$y$	$x_1$	$x_2$	$y$	$x_1$	$x_2$	$y$
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	1	0	0	1	1	0	1	1
1	0	0	1	0	1	1	0	1
1	1	1	1	1	1	1	1	0

Tabella 6.1: Tabelle di verità per le funzioni logiche AND, OR e XOR.

$$y = \begin{cases} 0 & \text{se } \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b \leq 0 \\ 1 & \text{se } \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b > 0 \end{cases} \quad (6.3)$$

Tale unità è un **classificatore lineare**. Può separare i punti dello spazio  $(x_1, x_2)$  mediante una linea, riuscendo così a rappresentare AND e OR. Tuttavia, la funzione XOR non è linearmente separabile: non esiste una linea che separi i casi positivi  $(0, 1)$  e  $(1, 0)$  da quelli negativi  $(0, 0)$  e  $(1, 1)$ .

La soluzione consiste nell'introdurre almeno un **livello nascosto** dotato di funzioni di attivazione non lineari. Tale livello costruisce una rappresentazione intermedia degli input che rende XOR linearmente separabile. Questo esempio mostra la ragione fondamentale dell'esistenza delle reti multistrato: la capacità di apprendere rappresentazioni che superano i limiti dei modelli lineari.

## 6.3 Feedforward Neural Networks

Una **feedforward neural network** è una rete in cui l'informazione scorre dagli input verso gli output senza retroazioni. Quando contiene uno o più livelli nascosti, viene spesso denominata *multilayer perceptron* (MLP), sebbene le unità moderne non utilizzino l'attivazione a soglia del perceptrone, ma non linearità continue.

Una rete feedforward tipica è composta da:

- **Layer di input** ( $x$ ), che rappresenta i dati grezzi.
- **Layer nascosto** ( $h$ ), che apprende rappresentazioni intermedie.
- **Layer di output** ( $y$ ), che fornisce la predizione finale.

Il layer nascosto calcola:

$$h = \sigma(Wx + b) \quad (6.4)$$

Lo strato di output applica una trasformazione lineare seguita dal softmax per ottenere una distribuzione di probabilità:

$$z = Uh, \quad y = \text{softmax}(z) \quad (6.5)$$

dove  $W$  e  $U$  sono le matrici dei pesi.

Da questa prospettiva, una rete feedforward può essere vista come una regressione logistica potenziata: invece di progettare manualmente le feature, la rete apprende da sé rappresentazioni utili nei livelli intermedi. Aumentando il numero di livelli, la rete diventa **profonda** e capace di apprendere strutture sempre più complesse.

## 6.4 Embeddings come input dei classificatori neurali

Nei modelli neurali moderni per l'elaborazione del linguaggio naturale è raro utilizzare vettori di feature progettati manualmente. Una delle principali caratteristiche del deep learning è infatti la capacità di apprendere automaticamente le rappresentazioni utili per il compito da svolgere. Il punto di partenza è la rappresentazione delle parole tramite **word embeddings**.

Un embedding è un vettore denso e di dimensione fissa che rappresenta un token. Nei modelli più semplici utilizziamo **embedding statici**, come word2vec o GloVe: ogni parola del vocabolario è associata a un unico vettore fisso, indipendente dal contesto in cui appare. Tali vettori vengono raccolti in una matrice chiamata **embedding matrix**.

### 6.4.1 La embedding matrix

La matrice degli embedding  $E$  contiene una riga per ogni parola del vocabolario  $V$ . Se indichiamo con  $d$  la dimensione degli embedding, allora:

$$E \in \mathbb{R}^{|V| \times d}$$

## 6.4. EMBEDDINGS COME INPUT DEI CLASSIFICATORI NEURALI 63

La riga  $E_i$  contiene il vettore denso che rappresenta il token con indice  $i$  nel vocabolario. Quando vogliamo ottenere l'embedding di una parola, è sufficiente selezionare la riga corrispondente.

### 6.4.2 Ottenerne l'embedding tramite vettori one-hot

Una maniera equivalente di vedere questa operazione è attraverso i **vettori one-hot**. Un vettore one-hot per la parola  $i$  è un vettore di dimensione  $|V|$  con tutti zeri tranne un 1 nella posizione  $i$ :

$$x_i = [0, 0, \dots, 1, \dots, 0]$$

Moltiplicando la matrice  $E$  per questo vettore one-hot:

$$x_i E = E_i$$

si seleziona la riga corrispondente della matrice degli embedding. In altre parole, la moltiplicazione con un one-hot non fa altro che *prelevare* l'embedding della parola.

### 6.4.3 Rappresentare una sequenza di parole

Per una sequenza di  $N$  token otteniamo una matrice di embedding:

$$\begin{bmatrix} E_{w_1} \\ E_{w_2} \\ \vdots \\ E_{w_N} \end{bmatrix} \in \mathbb{R}^{N \times d}$$

Ogni riga rappresenta un token della frase.

### 6.4.4 Dare gli embedding in input a un classificatore

Una rete neurale che riceve in input gli embedding deve trasformare questa matrice  $N \times d$  in un unico vettore che rappresenti l'intero testo, da utilizzare come input per lo strato nascosto e lo strato di output del classificatore.

Esistono due strategie principali:

1. **Pooling**: combinare i  $N$  vettori in un unico embedding di dimensione  $d$  (utile quando l'ordine delle parole è meno importante).
2. **Concatenazione**: accodare i vettori ottenendo un embedding di dimensione  $Nd$  (utile quando la posizione delle parole conta).

#### 6.4.5 Pooling: esempio per la classificazione di sentiment

Nel sentiment analysis è spesso significativo *che* parole compaiano nel testo, più che *dove* compaiano. Per questo motivo una tecnica semplice ed efficace è la **mean-pooling**, che calcola la media degli embedding dei token:

$$x = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N E_{w_i}$$

Il vettore  $x$  rappresenta l'intera frase.

Il classificatore diventa:

$$h = \sigma(Wx + b)$$

$$z = Uh$$

$$\hat{y} = \text{softmax}(z)$$

dove  $\hat{y}$  è la distribuzione di probabilità sulle classi (ad esempio: positivo, negativo, neutro).

#### 6.4.6 Concatenazione: esempio per il language modeling

In altri compiti, come il **language modeling**, l'ordine delle parole è invece cruciale. Per prevedere la prossima parola, il modello deve conoscere con precisione la sequenza dei token precedenti. Per questo motivo, invece del pooling, si *concatenano* gli embedding:

## 6.4. EMBEDDINGS COME INPUT DEI CLASSIFICATORI NEURALI 65

$$e = [E_{w_{t-3}}; E_{w_{t-2}}; E_{w_{t-1}}]$$

ottenendo un vettore di dimensione  $3d$  (nel caso di una finestra di 3 parole).

Il modello procede quindi con un normale passaggio feedforward:

$$h = \sigma(We + b)$$

$$z = Uh$$

$$\hat{y} = \text{softmax}(z)$$

dove  $\hat{y}$  è un vettore di dimensione  $|V|$  che contiene la probabilità per ciascuna possibile parola successiva.

### 6.4.7 Perché gli embedding migliorano i modelli neurali

L'uso degli embedding offre due grandi vantaggi:

- **Generalizzazione:** parole simili hanno embedding simili, quindi il modello può generalizzare a contesti mai visti (es. “the dog gets” → “fed”).
- **Efficienza:** gli embedding riducono drasticamente la dimensionalità e permettono economie computazionali rispetto ai modelli basati su one-hot.

Questi concetti costituiscono la base dei moderni modelli linguistici neurali: reti capaci di apprendere automaticamente rappresentazioni sempre più ricche del contenuto linguistico.

