# Inferencia, Causalidad y Políticas Públicas ECO-60116

Week 08: Metodo de Emparejamiento (Propensity Score Matching)

Eduard F. Martinez Gonzalez, Ph.D.

Departamento de Economía, Universidad Icesi

October 17, 2025

### Recap: Método de Event Study

- El Event Study extiende el enfoque de Diferencias en Diferencias (DiD) permitiendo analizar la dinámica temporal del efecto del tratamiento.
- En lugar de una sola interacción (D<sub>i</sub> × Post<sub>t</sub>), el modelo introduce una serie de dummies relativas al evento:

$$\mathbf{y}_{it} = \alpha_i + \lambda_t + \sum_{k \neq -1} \tau_k \cdot \mathsf{Lead}/\mathsf{Lag}_{it}^{(k)} + \varepsilon_{it}$$

#### donde:

- k < 0: Leads (periodos pre-tratamiento) → permiten verificar tendencias paralelas.
- k > 0: Lags (periodos post-tratamiento) → capturan la evolución del efecto a lo largo del tiempo.
- El coeficiente de referencia (k=-1) se omite para identificar el modelo. Los  $\tau_k$  se interpretan como el **efecto del tratamiento en el periodo** k relativo al periodo base.

# Recap: Event Study

Los coeficientes  $\tau_k$  se grafican con sus intervalos de confianza, lo que permite evaluar:

- Pre-trends: validación del supuesto de tendencias paralelas.
- Dinámica del efecto: si el impacto persiste, se acumula o se disipa en el tiempo.

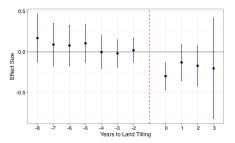


Figure: Tomado de Martínez et al. (2023).

#### Intuición

El método de **Event Study** nos permite observar **cuándo** aparece el efecto, **cuánto dura** y si **desaparece o se acumula** con el tiempo.

- Metodo de Emparejamiento (PSM)
  - Motivación
  - Etapas del PSM
  - Supuestos de identtificación

- 2 Combinación PSM-D&D
- Aplicación en R

# ¿Por qué usar Emparejamiento (PSM)?

- Contexto: Hasta ahora hemos estudiado distintos diseños cuasi-experimentales:
  - Regresión discontinua (RD): identifica efectos cuando existe una regla clara de asignación a tratamiento.
  - Variables instrumentales (IV): identifica efectos cuando existe una fuente exógena de variación en el tratamiento.
  - ▶ **Diferencias en Diferencias (DiD):** identifica efectos cuando grupos tratados y de control siguen *tendencias paralelas*.

# ¿Por qué usar Emparejamiento (PSM)?

- Contexto: Hasta ahora hemos estudiado distintos diseños cuasi-experimentales:
  - Regresión discontinua (RD): identifica efectos cuando existe una regla clara de asignación a tratamiento.
  - Variables instrumentales (IV): identifica efectos cuando existe una fuente exógena de variación en el tratamiento.
  - Diferencias en Diferencias (DiD): identifica efectos cuando grupos tratados y de control siguen tendencias paralelas.
- El problema: ¿Qué ocurre cuando:
  - Tenemos unidades tratadas y de control, pero no hay una regla de asignación observada (como en RD)?
  - Tampoco contamos con un instrumento válido que genere variación exógena?
  - Y además, las tendencias paralelas no se cumplen o no tenemos datos en panel?

# ¿Por qué usar Emparejamiento (PSM)?

- Contexto: Hasta ahora hemos estudiado distintos diseños cuasi-experimentales:
  - Regresión discontinua (RD): identifica efectos cuando existe una regla clara de asignación a tratamiento.
  - Variables instrumentales (IV): identifica efectos cuando existe una fuente exógena de variación en el tratamiento.
  - Diferencias en Diferencias (DiD): identifica efectos cuando grupos tratados y de control siguen tendencias paralelas.
- El problema: ¿Qué ocurre cuando:
  - Tenemos unidades tratadas y de control, pero no hay una regla de asignación observada (como en RD)?
  - Tampoco contamos con un instrumento válido que genere variación exógena?
  - Y además, las tendencias paralelas no se cumplen o no tenemos datos en panel?

#### Motivación

- En esos escenarios, necesitamos construir un grupo de control comparable a partir de los datos disponibles.
- El método de Emparejamiento busca aproximar un contrafactual creíble seleccionando observaciones similares a las tratadas.

### ¿Qué es el PSM?

Recordamos que en la introducción vimos la posibilidad de hacer una estimación de una simple diferencia:

$$\hat{\tau}_{DIF} = E[Y_i^1 | D_i = 1] - E[Y_i^0 | D_i = 0]$$

Si añadimos y sustraemos el contrafactual, obtenemos la descomposición siguiente:

$$\hat{\tau}_{DIF} = \underbrace{E[Y_i^1 | D_i = 1] - E[Y_i^0 | D_i = 1]}_{\tau_{ATT}} + \underbrace{E[Y_i^0 | D_i = 1] - E[Y_i^0 | D_i = 0]}_{\text{Sesgo de Selección}}$$

#### Idea central

La lógica del Método de Emparejamiento consiste en emparejar a cada tratado con la o las personas más similares en el grupo de control, de forma que estas sirvan como contrafactuales válidos y se elimine el sesgo de selección.

### ¿Qué es el PSM?

- Idealmente quisiéramos asociar cada tratado con un individuo idéntico en todas las características, pero esto no es factible por la maldición de la dimensionalidad.
- Rosenbaum y Rubin (1983) mostraron que es equivalente emparejar usando la probabilidad de ser tratado  $Pr(D_i = 1|X_i)$ , lo cual es más factible que usar todos los  $X_i$ .

#### Nota

Es una solución apropiada cuando se puede argumentar que no existen características no observables que afecten simultáneamente el resultado y la probabilidad de estar tratado. En la mayoría de los casos, jes un supuesto muy fuerte!

### Ejemplos donde se puede aplicar PSM

- Minería y desarrollo cognitivo Suponga que se quiere analizar si la presencia de minerías que contaminan los ríos con mercurio afecta el desarrollo cognitivo de los niños (por ejemplo, medido con las pruebas Saber 5).
  - ▶ El posicionamiento de las minerías no es completamente aleatorio: puede depender de condiciones geográficas, institucionales o económicas.
  - Sin embargo, condicional en esas variables, la decisión de ubicar una minería no estaría muy relacionada con el nivel educativo de los niños.
  - Este contexto podría prestarse para aplicar PSM.

### Ejemplos donde se puede aplicar PSM

- Minería y desarrollo cognitivo Suponga que se quiere analizar si la presencia de minerías que contaminan los ríos con mercurio afecta el desarrollo cognitivo de los niños (por ejemplo, medido con las pruebas Saber 5).
  - ▶ El posicionamiento de las minerías no es completamente aleatorio: puede depender de condiciones geográficas, institucionales o económicas.
  - Sin embargo, condicional en esas variables, la decisión de ubicar una minería no estaría muy relacionada con el nivel educativo de los niños.
  - Este contexto podría prestarse para aplicar PSM.
- Redistribución de tierras y movilidad intergeneracional Suponga que el gobierno implementa una política de redistribución de tierras y desea conocer su efecto sobre la riqueza de los beneficiarios y la de sus hijos.
  - Una institución define quiénes son prioritarios con base en criterios observables (pobreza, victimización, condiciones sociales, etc.).
  - Si el investigador tiene acceso a las mismas variables que usó la institución, puede argumentarse que los no observables relevantes son similares entre grupos.
  - ► En ese caso, PSM puede ofrecer un contrafactual razonable.

- Metodo de Emparejamiento (PSM)
  - Motivación
  - Etapas del PSM
  - Supuestos de identtificación

- Combinación PSM-D&D
- Aplicación en R

### Las etapas del PSM

#### El procedimiento del método de PSM se desarrolla en cinco pasos:

- **Quantification Estimar** la probabilidad de estar tratado  $Pr(D_i = 1|X_i)$  y obtener su predicción para cada observación.
- Restringir la muestra al soporte común y verificar que exista balance entre tratados y controles.
- Emparejar las observaciones tratadas con las no tratadas según la similitud en su probabilidad estimada.
- Estimar el impacto como un promedio ponderado de las diferencias entre tratados y controles seleccionados.
- Sevaluar la significancia estadística e intervalos de confianza del estimador.

#### Interpretación

Cada paso busca aproximar el contrafactual que permitiría medir el efecto causal del tratamiento, reduciendo progresivamente el sesgo de selección.

# 1) Estimar la probabilidad de estar tratado P(D|X)

El método requiere, en primer lugar, estimar la probabilidad de estar tratado como función de las variables de control:

$$\pi(X_i) = Pr(D_i = 1 \mid X_i)$$

- Puede estimarse mediante una función lineal, logit o probit.
- Lineal: puede predecir probabilidades fuera del rango [0,1].
- Logit: requiere supuestos más fuertes si se incluyen efectos fijos.
- Probit: suele preferirse por su interpretación y estabilidad.

# 1) Estimar la probabilidad de estar tratado P(D|X)

El método requiere, en primer lugar, estimar la probabilidad de estar tratado como función de las variables de control:

$$\pi(X_i) = Pr(D_i = 1 \mid X_i)$$

- Puede estimarse mediante una función lineal, logit o probit.
- Lineal: puede predecir probabilidades fuera del rango [0, 1].
- Logit: requiere supuestos más fuertes si se incluyen efectos fijos.
- **Probit:** suele preferirse por su interpretación y estabilidad.

#### Selección de covariables

Las variables  $X_i$  deben ser predeterminadas —medidas antes del tratamiento— y teóricamente relevantes tanto para la probabilidad de tratamiento como para el resultado. Nunca deben incluirse variables afectadas por el tratamiento.

# 1) Estimar la probabilidad de estar tratado P(D|X)

El método requiere, en primer lugar, estimar la probabilidad de estar tratado como función de las variables de control:

$$\pi(X_i) = Pr(D_i = 1 \mid X_i)$$

- Puede estimarse mediante una función lineal, logit o probit.
- Lineal: puede predecir probabilidades fuera del rango [0,1].
- Logit: requiere supuestos más fuertes si se incluyen efectos fijos.
- **Probit:** suele preferirse por su interpretación y estabilidad.

#### Selección de covariables

Las variables  $X_i$  deben ser predeterminadas —medidas antes del tratamiento— y teóricamente relevantes tanto para la probabilidad de tratamiento como para el resultado. Nunca deben incluirse variables afectadas por el tratamiento.

### Resultado de esta etapa

La estimación genera una predicción  $\pi(X_i)$  para cada observación i, tratada o no tratada, que servirá para el emparejamiento posterior.

# 2) Soporte común y restricción de la muestra

Una vez estimada la probabilidad de tratamiento  $\pi(X_i)$ , se analizan sus distribuciones para los grupos de tratados y de control.

- El **soporte común** es el rango de valores de  $\pi(X_i)$  donde existen observaciones en ambos grupos.
- Las unidades fuera del soporte común deben excluirse, pues no tienen un contrafactual comparable.
- Es necesario verificar que el soporte no sea demasiado estrecho y que exista balance adecuado entre las covariables.
- Si las densidades no se solapan adecuadamente, no es posible construir un contrafactual válido.

# 2) Soporte común y restricción de la muestra

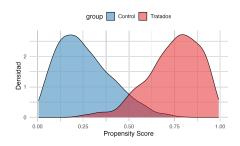
Una vez estimada la probabilidad de tratamiento  $\pi(X_i)$ , se analizan sus distribuciones para los grupos de tratados y de control.

- El **soporte común** es el rango de valores de  $\pi(X_i)$  donde existen observaciones en ambos grupos.
- Las unidades fuera del soporte común deben excluirse, pues no tienen un contrafactual comparable.
- Es necesario verificar que el soporte no sea demasiado estrecho y que exista balance adecuado entre las covariables.
- Si las densidades no se solapan adecuadamente, no es posible construir un contrafactual válido.

### Interpretación

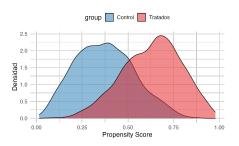
El efecto estimado bajo soporte común se interpreta como un **LATE** (efecto local promedio del tratamiento) dentro de la subpoblación comparable.

### Soporte común: suficiente vs. insuficiente



Falta de soporte común.

Las distribuciones apenas se traslapan  $\rightarrow$  los grupos no son comparables.



Soporte común amplio.

Las distribuciones se traslapan ampliamente  $\rightarrow$  los grupos son comparables.

### Takeaway

El soporte común no elimina el problema del sesgo de selección por no observables; simplemente reduce la parte del sesgo atribuible a diferencias en los observables.

### 3) El emparejamiento

Una vez definido el soporte común, el siguiente paso es emparejar cada observación tratada con una o varias observaciones del grupo de control que tengan valores similares en su probabilidad estimada de tratamiento  $\pi(X_i)$ .

### 3) El emparejamiento

Una vez definido el soporte común, el siguiente paso es emparejar cada observación tratada con una o varias observaciones del grupo de control que tengan valores similares en su probabilidad estimada de tratamiento  $\pi(X_i)$ .

Método	Descripción
Vecinos más cercanos (Nearest Neighbor)	Selecciona los $n$ controles cuya diferencia en $\pi(X_i)$ es mínima: $ \pi(X_i) - \pi(X_j) $ .
Distancia máxima	Incluye todos los controles con una distancia menor o igual a un umbral $k\colon  \pi(X_i)-\pi(X_j) \le k.$
Kernel Matching	Asigna ponderaciones decrecientes según la distancia ( <i>Kernel</i> triangular, gaussiano o Epanechnikov).
Estratificación o Sub- clasificación	Divide el rango de $\pi(X_i)$ en bloques y compara tratados y controles dentro de cada bloque, garantizando balance interno.

### 3) El emparejamiento

Una vez definido el soporte común, el siguiente paso es emparejar cada observación tratada con una o varias observaciones del grupo de control que tengan valores similares en su probabilidad estimada de tratamiento  $\pi(X_i)$ .

Método	Descripción
Vecinos más cercanos (Nearest Neighbor)	Selecciona los $n$ controles cuya diferencia en $\pi(X_i)$ es mínima: $ \pi(X_i) - \pi(X_j) $ .
Distancia máxima	Incluye todos los controles con una distancia menor o igual a un umbral $k\colon  \pi(X_i)-\pi(X_j) \le k.$
Kernel Matching	Asigna ponderaciones decrecientes según la distancia ( <i>Kernel</i> triangular, gaussiano o Epanechnikov).
Estratificación o Sub- clasificación	Divide el rango de $\pi(X_i)$ en bloques y compara tratados y controles dentro de cada bloque, garantizando balance interno.

#### Trade-off

Existe un equilibrio entre **poder estadístico** y **sesgo**: aumentar el número de vecinos reduce varianza pero puede disminuir comparabilidad. El método de Kernel suele ofrecer un buen balance.

# 4) Estimación del impacto promedio del tratamiento

Una vez emparejadas las observaciones tratadas y de control, el efecto del tratamiento se calcula como la diferencia promedio entre cada tratado y el promedio ponderado de sus contrafactuales emparejados.

# 4) Estimación del impacto promedio del tratamiento

Una vez emparejadas las observaciones tratadas y de control, el efecto del tratamiento se calcula como la diferencia promedio entre cada tratado y el promedio ponderado de sus contrafactuales emparejados.

$$\hat{\tau}_{PSM} = \frac{1}{N_T} \sum_{i \in (D=1)} \left[ Y_i - \sum_{j \in (D=0)} w_{ij} Y_j \right]$$

- $N_T$ : número total de observaciones tratadas.
- $Y_i$ : resultado de la observación tratada i.
- Y<sub>i</sub>: resultado de la observación de control j.
- $w_{ij}$ : peso asignado al control j como contrafactual de i.

# 4) Estimación del impacto promedio del tratamiento

Una vez emparejadas las observaciones tratadas y de control, el efecto del tratamiento se calcula como la diferencia promedio entre cada tratado y el promedio ponderado de sus contrafactuales emparejados.

$$\hat{\tau}_{PSM} = \frac{1}{N_T} \sum_{i \in (D=1)} \left[ Y_i - \sum_{j \in (D=0)} w_{ij} Y_j \right]$$

- $N_T$ : número total de observaciones tratadas.
- Yi: resultado de la observación tratada i.
- Y<sub>i</sub>: resultado de la observación de control j.
- $w_{ij}$ : peso asignado al control j como contrafactual de i.

#### Intuición

Cada unidad tratada se compara con un "promedio sintético" de controles similares en su probabilidad de tratamiento  $\pi(X_i)$ .

### Interpretación de las ponderaciones y métodos

#### Formas de asignar ponderaciones wij

- **Vecino más cercano:**  $w_{ij} = \frac{1}{n}$  para los n controles más cercanos a i;  $w_{ij} = 0$  para los demás.
- **Kernel:** los controles más próximos tienen mayor peso; los más lejanos reciben ponderaciones decrecientes según la función de kernel.
- **Estratificación:** el efecto se calcula dentro de cada bloque del  $\pi(X_i)$  y luego se promedia ponderando por el número de tratados en cada bloque.

### Interpretación de las ponderaciones y métodos

#### Formas de asignar ponderaciones w<sub>ij</sub>

- **Vecino más cercano:**  $w_{ij} = \frac{1}{n}$  para los n controles más cercanos a i;  $w_{ij} = 0$  para los demás.
- **Kernel:** los controles más próximos tienen mayor peso; los más lejanos reciben ponderaciones decrecientes según la función de kernel.
- **Estratificación:** el efecto se calcula dentro de cada bloque del  $\pi(X_i)$  y luego se promedia ponderando por el número de tratados en cada bloque.

### Interpretación práctica

El estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$  es un **promedio ponderado de diferencias**, que mide cuánto difieren las observaciones tratadas de sus controles más comparables.

### Interpretación de las ponderaciones y métodos

#### Formas de asignar ponderaciones wij

- **Vecino más cercano:**  $w_{ij} = \frac{1}{n}$  para los n controles más cercanos a i;  $w_{ij} = 0$  para los demás.
- **Kernel:** los controles más próximos tienen mayor peso; los más lejanos reciben ponderaciones decrecientes según la función de kernel.
- Estratificación: el efecto se calcula dentro de cada bloque del  $\pi(X_i)$  y luego se promedia ponderando por el número de tratados en cada bloque.

### Interpretación práctica

El estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$  es un **promedio ponderado de diferencias**, que mide cuánto difieren las observaciones tratadas de sus controles más comparables.

#### Nota

El resultado depende del método de emparejamiento y del número de vecinos utilizados. Un exceso de controles puede aumentar el sesgo; un número muy bajo reduce la precisión.

• El emparejamiento produce un estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$ , pero necesitamos cuantificar su incertidumbre.

- El emparejamiento produce un estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$ , pero necesitamos cuantificar su incertidumbre.
- En algunos casos es posible derivar la varianza del estimador de forma analítica, aunque esto suele ser complejo para métodos como el Kernel Matching.

- El emparejamiento produce un estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$ , pero necesitamos cuantificar su incertidumbre.
- En algunos casos es posible derivar la varianza del estimador de forma analítica, aunque esto suele ser complejo para métodos como el Kernel Matching.

### Método de Bootstrapping

El enfoque más usado consiste en estimar la varianza mediante **re-muestreo con reemplazo**:

- Tomar B muestras aleatorias (con reemplazo) del conjunto original.
- **2** Calcular  $\hat{\tau}_{PSM}^{(b)}$  para cada muestra  $b=1,2,\ldots,B$ .
- 3 Estimar la varianza empírica:

$$\widehat{Var}(\hat{ au}_{PSM}) = \frac{1}{B-1} \sum_{b=1}^{B} \left( \hat{ au}_{PSM}^{(b)} - \overline{ au}_{PSM} \right)^2$$

- El emparejamiento produce un estimador  $\hat{\tau}_{PSM}$ , pero necesitamos cuantificar su incertidumbre.
- En algunos casos es posible derivar la varianza del estimador de forma analítica, aunque esto suele ser complejo para métodos como el Kernel Matching.

### Método de Bootstrapping

El enfoque más usado consiste en estimar la varianza mediante **re-muestreo con reemplazo**:

- 1 Tomar B muestras aleatorias (con reemplazo) del conjunto original.
- ② Calcular  $\hat{\tau}_{PSM}^{(b)}$  para cada muestra  $b=1,2,\ldots,B$ .
- 3 Estimar la varianza empírica:

$$\widehat{Var}(\hat{ au}_{PSM}) = rac{1}{B-1} \sum_{b=1}^{B} \left( \hat{ au}_{PSM}^{(b)} - \overline{ au}_{PSM} 
ight)^2$$

**El intervalo de confianza** se obtiene a partir de la distribución de los estimadores bootstrap. Permite evaluar la significancia estadística de  $\hat{\tau}_{PSM}$  sin depender de supuestos paramétricos fuertes.

- Metodo de Emparejamiento (PSM)
  - Motivación
  - Etapas del PSM
  - Supuestos de identtificación

- Combinación PSM-D&D
- Aplicación en R

### Supuesto de Identificación: Independencia Condicional

Para que el emparejamiento identifique un efecto causal válido, debemos asumir que, condicional en las variables observables  $X_i$ , la asignación al tratamiento es independiente de los resultados potenciales.

$$E[Y_i^0 \mid D_i = 1, X_i] = E[Y_i^0 \mid D_i = 0, X_i]$$

### Supuesto de Identificación: Independencia Condicional

Para que el emparejamiento identifique un efecto causal válido, debemos asumir que, condicional en las variables observables  $X_i$ , la asignación al tratamiento es independiente de los resultados potenciales.

$$E[Y_i^0 \mid D_i = 1, X_i] = E[Y_i^0 \mid D_i = 0, X_i]$$

- Este es el Supuesto de Independencia Condicional (CIA, por sus siglas en inglés).
- Al condicionar en  $X_i$ , el cambio en  $D_i$  no afecta  $Y_i^0$ , excepto a través del tratamiento mismo.
- En otras palabras: si los tratados y los controles son observacionalmente iguales, sus resultados esperados sin tratamiento también lo serían.

### Supuesto de Identificación: Independencia Condicional

Para que el emparejamiento identifique un efecto causal válido, debemos asumir que, condicional en las variables observables  $X_i$ , la asignación al tratamiento es independiente de los resultados potenciales.

$$E[Y_i^0 \mid D_i = 1, X_i] = E[Y_i^0 \mid D_i = 0, X_i]$$

- Este es el Supuesto de Independencia Condicional (CIA, por sus siglas en inglés).
- Al condicionar en  $X_i$ , el cambio en  $D_i$  no afecta  $Y_i^0$ , excepto a través del tratamiento mismo.
- En otras palabras: si los tratados y los controles son observacionalmente iguales, sus resultados esperados sin tratamiento también lo serían.

#### Advertencia

El supuesto falla si existen variables no observables que influyen simultáneamente en la probabilidad de recibir el tratamiento y en el resultado  $Y_i$ .

# Comparación con la regresión con controles

## Relación entre PSM y regresión con controles

- El método de regresión lineal controla por las variables  $X_i$  haciendo un supuesto de forma funcional, usualmente que los efectos de  $X_i$  sobre  $Y_i$  sean lineales y aditivos.
- PSM no impone una forma funcional específica, pero requiere que el efecto del tratamiento sea identificable dentro del soporte común.
- Al restringir la muestra al soporte común y emparejar observaciones similares, el PSM reduce la necesidad de extrapolar a regiones donde no hay comparabilidad.

# Comparación con la regresión con controles

## Relación entre PSM y regresión con controles

- El método de regresión lineal controla por las variables  $X_i$  haciendo un supuesto de forma funcional, usualmente que los efectos de  $X_i$  sobre  $Y_i$  sean lineales y aditivos.
- PSM no impone una forma funcional específica, pero requiere que el efecto del tratamiento sea identificable dentro del soporte común.
- Al restringir la muestra al soporte común y emparejar observaciones similares, el PSM reduce la necesidad de extrapolar a regiones donde no hay comparabilidad.

#### • Pregúntese siempre:

- ¿Por qué algunas unidades fueron tratadas y otras no?
- $\triangleright$  ; Podría esa decisión estar relacionada con  $Y_i$ ?

# Comparación con la regresión con controles

## Relación entre PSM y regresión con controles

- El método de regresión lineal controla por las variables  $X_i$  haciendo un supuesto de forma funcional, usualmente que los efectos de  $X_i$  sobre  $Y_i$  sean lineales y aditivos.
- PSM no impone una forma funcional específica, pero requiere que el efecto del tratamiento sea identificable dentro del soporte común.
- Al restringir la muestra al soporte común y emparejar observaciones similares, el PSM reduce la necesidad de extrapolar a regiones donde no hay comparabilidad.

#### • Pregúntese siempre:

- ¿Por qué algunas unidades fueron tratadas y otras no?
- ¿Podría esa decisión estar relacionada con Yi?

#### Conclusión:

- ► El PSM no es un método cuasi-experimental por sí solo.
- ► El emparejamiento controla por diferencias observables, que mejora la estimación observacional bajo supuestos fuertes.
- ▶ No existe una prueba empírica definitiva para validar el supuesto de CIA.

## ¿Cuándo es más creíble PSM?

#### • PSM es más creíble cuando:

- La asignación al tratamiento está influenciada por criterios técnicos u observables, como la presencia de ciertos recursos naturales o características geográficas.
- La decisión de asignar el tratamiento es institucional, basada en información disponible en los datos del investigador.
- Se puede argumentar que los factores no observables no afectan simultáneamente la probabilidad de tratamiento y el resultado.

## ¿Cuándo es más creíble PSM?

#### PSM es más creíble cuando:

- La asignación al tratamiento está influenciada por criterios técnicos u observables, como la presencia de ciertos recursos naturales o características geográficas.
- La decisión de asignar el tratamiento es institucional, basada en información disponible en los datos del investigador.
- Se puede argumentar que los factores no observables no afectan simultáneamente la probabilidad de tratamiento y el resultado.

## Aplicaciones problemáticas

- Cuando la participación es una decisión individual (o del hogar), potencialmente influenciada por motivación o información no observable.
- Si algunos agentes fueron informados y otros no, lo cual puede generar endogeneidad en la decisión de participar.
- Cuando la institución que asigna el tratamiento utiliza criterios no observables que también afectan el resultado Y<sub>i</sub>.

## ¿Cuándo es más creíble PSM?

#### • PSM es más creíble cuando:

- La asignación al tratamiento está influenciada por criterios técnicos u observables, como la presencia de ciertos recursos naturales o características geográficas.
- La decisión de asignar el tratamiento es institucional, basada en información disponible en los datos del investigador.
- Se puede argumentar que los factores no observables no afectan simultáneamente la probabilidad de tratamiento y el resultado.

## Aplicaciones problemáticas

- Cuando la participación es una decisión individual (o del hogar), potencialmente influenciada por motivación o información no observable.
- Si algunos agentes fueron informados y otros no, lo cual puede generar endogeneidad en la decisión de participar.
- Cuando la institución que asigna el tratamiento utiliza criterios no observables que también afectan el resultado Y<sub>i</sub>.

La credibilidad del PSM depende del contexto y de la capacidad de justificar que las diferencias entre tratados y controles se explican solo por variables observables.

- Metodo de Emparejamiento (PSM)
  - Motivación
  - Etapas del PSM
  - Supuestos de identtificación

- Combinación PSM-D&D
- Aplicación en R

## Combinación de PSM con Diferencias en Diferencias

#### Intuición:

- El método de emparejamiento puede reducir el sesgo dado que compara a personas relativamente similares.
- Usar el método de Diferencias en Diferencias (DiD) reduce el sesgo porque controla por las diferencias entre tratados y control que no cambian a través del tiempo.

## Combinación de PSM con Diferencias en Diferencias

#### Intuición:

- ► El método de emparejamiento puede reducir el sesgo dado que compara a personas relativamente similares.
- Usar el método de Diferencias en Diferencias (DiD) reduce el sesgo porque controla por las diferencias entre tratados y control que no cambian a través del tiempo.

## Ventajas:

- Combinar los dos métodos puede aprovechar las ventajas de cada uno.
- Es más exigente en datos, ya que requiere al menos dos rondas de información: una antes y otra después del tratamiento.

## Combinación de PSM con Diferencias en Diferencias

#### Intuición:

- ► El método de emparejamiento puede reducir el sesgo dado que compara a personas relativamente similares.
- ▶ Usar el método de Diferencias en Diferencias (DiD) reduce el sesgo porque controla por las diferencias entre tratados y control que no cambian a través del tiempo.

## Ventajas:

- ► Combinar los dos métodos puede aprovechar las ventajas de cada uno.
- Es más exigente en datos, ya que requiere al menos dos rondas de información: una antes y otra después del tratamiento.

## Procedimiento

Suponiendo solo dos periodos, t=0 antes del tratamiento y t=1 después, reemplazamos el resultado  $Y_i$  por el cambio observado:

$$\Delta_i = Y_{i1} - Y_{i0}$$

y aplicamos el mismo procedimiento de emparejamiento sobre  $\Delta_i$ .

## Estimador combinado PSM-D&D

El estimador de PSM–D&D se aplica sobre los cambios en el tiempo, en lugar de usar niveles de  $Y_i$ :

## Estimador combinado PSM-D&D

El estimador de PSM–D&D se aplica sobre los cambios en el tiempo, en lugar de usar niveles de  $Y_i$ :

$$\hat{\tau}_{PSM-DiD} = rac{1}{N_T} \sum_{i \in (D=1)} \left[ \Delta_i - \sum_{j \in (D=0)} w_{ij} \Delta_j 
ight]$$

## Estimador combinado PSM-D&D

El estimador de PSM–D&D se aplica sobre los cambios en el tiempo, en lugar de usar niveles de  $Y_i$ :

$$\hat{\tau}_{PSM-DiD} = \frac{1}{N_T} \sum_{i \in (D=1)} \left[ \Delta_i - \sum_{j \in (D=0)} w_{ij} \, \Delta_j \right]$$

## Interpretación

- El estimador compara la evolución temporal de los resultados  $(\Delta_i)$  entre tratados y controles emparejados.
- Esta combinación puede ser útil cuando el método de Diferencias en Diferencias no cumple plenamente el supuesto de **tendencias paralelas**.
- Mantener grupos tratados y de control más similares aumenta la probabilidad de que dicho supuesto se cumpla.
- Si los grupos son similares y las tendencias paralelas se cumplen dentro del soporte común, el estimador identifica un efecto causal creíble.

- Metodo de Emparejamiento (PSM)
  - Motivación
  - Etapas del PSM
  - Supuestos de identtificación

- 2 Combinación PSM-D&D
- Aplicación en R

#### Contexto:

Ser Pilo Paga (SPP) fue un programa del Gobierno de Colombia (2014–2018) que otorgó créditos-beca a estudiantes de bajos recursos con alto desempeño en el examen Saber 11, para financiar su educación superior en universidades acreditadas.

#### Contexto:

Ser Pilo Paga (SPP) fue un programa del Gobierno de Colombia (2014–2018) que otorgó créditos-beca a estudiantes de bajos recursos con alto desempeño en el examen Saber 11, para financiar su educación superior en universidades acreditadas.

#### • Pregunta de evaluación:

¿El acceso al programa Ser Pilo Paga incrementó la probabilidad de que los beneficiarios ingresaran y permanecieran en la educación superior?

#### Contexto:

➤ Ser Pilo Paga (SPP) fue un programa del Gobierno de Colombia (2014–2018) que otorgó créditos—beca a estudiantes de bajos recursos con alto desempeño en el examen Saber 11, para financiar su educación superior en universidades acreditadas.

#### • Pregunta de evaluación:

¿El acceso al programa Ser Pilo Paga incrementó la probabilidad de que los beneficiarios ingresaran y permanecieran en la educación superior?

#### Desafío de identificación

- La asignación al programa dependía del puntaje Saber 11 y del nivel socioeconómico.
- Los beneficiarios (D<sub>i</sub> = 1) y los no beneficiarios (D<sub>i</sub> = 0) pueden diferir sistemáticamente en características observables y no observables.
- No existe una asignación completamente aleatoria ni una regla de corte continua que permita RD pura.

#### Contexto:

Ser Pilo Paga (SPP) fue un programa del Gobierno de Colombia (2014–2018) que otorgó créditos-beca a estudiantes de bajos recursos con alto desempeño en el examen Saber 11, para financiar su educación superior en universidades acreditadas.

#### Pregunta de evaluación:

¿El acceso al programa Ser Pilo Paga incrementó la probabilidad de que los beneficiarios ingresaran y permanecieran en la educación superior?

#### Desafío de identificación

- La asignación al programa dependía del puntaje Saber 11 y del nivel socioeconómico.
- Los beneficiarios ( $D_i = 1$ ) y los no beneficiarios ( $D_i = 0$ ) pueden diferir sistemáticamente en características observables y no observables.
- No existe una asignación completamente aleatoria ni una regla de corte continua que permita RD pura.

#### Estrategia

- Usar Propensity Score Matching (PSM) para emparejar beneficiarios y no beneficiarios con características similares antes del ingreso a la universidad.
- Extender a PSM-DiD cuando se disponga de información antes y después del programa (por ejemplo, matrícula o desempeño académico en el tiempo).

# Aplicaciones en R

A continuación aplicaremos el método de **Emparejamiento (PSM)** y su extensión combinada con **Diferencias en Diferencias (PSM–DiD)** en dos contextos empíricos inspirados en políticas públicas reales:

## Aplicación 1 — PSM:

Evaluación del impacto del programa *Ser Pilo Paga (SPP)* sobre el acceso a la educación superior en Colombia.

Basado en un caso sintético diseñado por Martínez-González (2025).

## Aplicación 2 — PSM-D&D:

Extensión del análisis anterior considerando información antes y después del programa, para evaluar la evolución temporal del efecto sobre el ingreso a la universidad.

Basado en: Martínez-González (2025).

Puedes acceder al script de R aquí.

# ¡Gracias!

## Referencias

- Rosenbaum, P. R., Rubin, D. B. (1983). The central role of the propensity score in observational studies for causal effects. Biometrika, 70(1), 41–55.
- Bernal, R., Peña, X. (2011). Guía práctica para la evaluación de impacto. Ediciones Uniandes.
- Cunningham, S. (2021). Causal Inference: The Mixtape. Yale University Press.