Prueba de hipótesis

Giancarlo Sal y Rosas, Ph.D.

Departmento de Ciencias Pontificia Universidad Católica del Perú vsalyrosas@pucp.edu.pe

8 de abril de 2017





Outline

- Motivación
 - HPTN 039
 - Cáncer cervical
- Prueba de Log Rank
 - Prueba de Log Rank estratificado
 - Prueba de log rank ponderado



Outline

- Motivación
 - HPTN 039
 - Cáncer cervical
- Prueba de Log Rank
 - Prueba de Log Rank estratificado
 - Prueba de log rank ponderado



Estudio: HPTN 039

Motivación

- Hipótesis: El tratamiento contra VHS-2 (virus del herpes typo 2) reduce el riesgo de infección por VIH-1
- Población: mujeres y hombres VIH-1 negativas y VHS-2 positivas en alto riesgo de adquirir VIH-1.
- Grupos: Participantes fueron aleatorizados a:
 - Intervención: Aciclovir un medicamente muy efectivo para tratar VHS-2 y sin efectos adversos conocidos
 - Control: Un placebo que lucía fisicamente similar al aciclovir



Estudio: HPTN 039

- Localización: El estudio incluyó 4 ciudades de EEUU, 3 de Perú y 6 de África (solo analizaremos data del Perú).
- Visitas: El periodo de seguimiento se dio cada 3 meses y duró entre 12 a 18 meses.
- Respuesta: Tiempo hasta la adquisición de VIH.
- Objetivo científico: El tratamiento con aciclovir reduce el riesgo de infección de VIH.
- Objetivo estadístico: La función de supervivencia es diferente (mayor) para el grupo que tomó aciclovir que para el que no lo tomó.
- Celum et al. [1] publicaron los resultados del estudio.





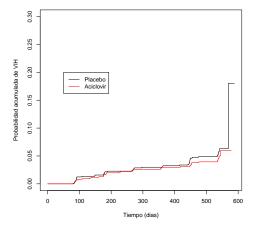


Figura 1: Estudio: HPTN 039



Outline

- Motivación
 - HPTN 039
 - Cáncer cervical
- Prueba de Log Rank
 - Prueba de Log Rank estratificado
 - Prueba de log rank ponderado



Estudio: Cáncer cervical

- El cáncer cervical afecta a un número importante de mujeres a nivel mundial.
- Exiten dos formas de tratamiento: Radioterapia y histerectomía (extracción total de útero)
- Aún cuando un paciente se le realiza histerectomía, esta podría necesitar una ronda de radioterapia.
- Deseamos estudiar la recurrencia o mortalidad en pacientes que se realizaron la histerectomía y aquellas que la abandonaron
- Se realizó un estudio retrospectivo en 268 mujeres en estadíos tempranos de cáncer [2]



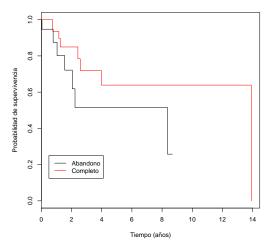


Figura 2: Probabilidad estimada de supervivencia para pacientes que abandonaron la histerectomia (negro) y aquellos que se la hicieron (rojo)

Cáncer cervical

```
> summary(survfit(Surv(time=time,event=rec)~Group,data=cancer))
Call: survfit(formula = Surv(time = time, event = rec) ~ Group, data = cancer)
```

Group=Abandoned

tillie	11.115K	n.event	Survivar	Stu. eri	10 Wei 90 % Ci	upper 35 % Cr
0.04	19	1	0.947	0.0512	0.8521	1.000
0.78	13	1	0.874	0.0845	0.7236	1.000
1.04	12	1	0.802	0.1042	0.6213	1.000
1.55	10	1	0.721	0.1208	0.5197	1.000
2.05	7	1	0.618	0.1408	0.3958	0.966
2.23	6	1	0.515	0.1504	0.2909	0.913
8.36	2	1	0.258	0.1971	0.0575	1.000

Group=Completed

time	n.risk	n.event	survival	std.err	lower 95% CI	upper 95% CI
0.74	31	1	0.968	0.0317	0.908	1.000
0.75	30	1	0.935	0.0441	0.853	1.000
1.16	24	1	0.897	0.0570	0.792	1.000
1.25	19	1	0.849	0.0709	0.721	1.000
2.42	13	1	0.784	0.0907	0.625	0.983
2.58	12	1	0.719	0.1040	0.541	0.954
3.98	9	1	0.639	0.1192	0.443	0.921
13.92	1	1	0.000	NaN	NA	NA





- Nuestor objetivo es comparar la función de supervivencia entre dos poblaciones.
- Matemáticamente deseamos estudiar la hipótesis

$$H_0: S_0(t) = S_1(t), \ \forall \ t > 0$$

que es equivalente a

$$H_0: \lambda_0(t) = \lambda_1(t), \forall t > 0$$

 Supongamos que para estudiar esta hipótesis tomamos una muestra de ambas poblaciones.



Los datos observados tienen la forma

Grupo 0 :
$$(X_1^0, \Delta_1^0), (X_2^0, \Delta_2^0), ..., (X_{n_0}^0, \Delta_{n_0}^0)$$

Grupo 1 : $(X_1^1, \Delta_1^1), (X_2^1, \Delta_2^1), ..., (X_{n_1}^1, \Delta_{n_1}^1)$

donde n_0 y n_1 es el tamaño de muestra de cada uno de los grupos

• Sean $t_1 < t_2 < \cdots < t_k$ los tiempos (distintos) en que ocurre el evento, para cualquiera de los dos grupos.



- Siguiendo la lógica del estimador de Kaplan-Meier se construyen intervalos $[0, t_1), [t_1, t_2), \ldots, [t_{k-1}, t_k), \ldots$
- En el intervalo $[t_i, t_{i+1})$ observamos el siguiente escenario

	Grupo 0	Grupo 1	Total
Evento	d_{0j}	d_{1j}	d_i
No evento	$n_{0j} - d_{0j}$	$n_{1j}-d_{1j}$	$n_j - d_j$
En riesgo	n_{0j}	n_{1j}	n _i

donde d_i y n_i son el número de eventos en el tiempo t_i y el número de personas en riesgo al inicio del intervalo, respectivamente.

Cáncer de ovario

```
> mod1 <- summary(survfit(Surv(futime, fustat)~rx, data=ovarian))</pre>
> mod1
Call: survfit(formula = Surv(futime, fustat) ~ rx, data = ovarian)
                 rx=1
 time n.risk n.event survival std.err lower 95 % CI upper 95 % CI
   59
           13
                                  0.0739
                                                 0.789
                          0.923
                                                                1.000
  115
           12
                          0.846
                                  0.1001
                                                 0.671
                                                                1.000
  156
           11
                          0.769
                                  0.1169
                                                 0.571
                                                                1.000
  268
           10
                          0.692
                                  0.1280
                                                 0.482
                                                                0.995
  329
            9
                          0.615
                                  0.1349
                                                 0.400
                                                                0.946
  431
            8
                          0.538
                                  0.1383
                                                 0.326
                                                                0.891
  638
                          0.431
                                  0.1467
                                                 0.221
                                                                0.840
                 rx=2
 time n.risk n.event survival std.err lower 95 % CI upper 95 % CI
  353
           13
                          0.923
                                  0.0739
                                                 0.789
                                                                1.000
  365
                                                 0.671
           12
                          0.846
                                  0.1001
                                                                1.000
  464
                          0.752
                                  0.1256
                                                 0.542
                                                                1.000
  475
                          0.658
                                  0.1407
                                                 0.433
                                                                1.000
  563
                          0.564
                                                 0.336
                                  0.1488
                                                                0.946
```

Los intervalos generados:

 $[0, 59), [59, 115), \ldots, [563, 638), \ldots$





Cáncer de ovario

Para el intervalo [59, 115) tenemos

	Grupo 1	Grupo 2	Total
Evento	1	0	1
No evento	12	13	25
Total	13	13	26

• Para el intervalo [115, 156) tenemos

	Grupo 1	Grupo 2	Total
Evento	1	0	1
No evento	11	13	24
Total	12	13	25





 Supongamos que no existe diferencia entre ambos grupos (la hipótesis nula es cierta), entonces

	Grupo 1	Grupo 2	Total
Evento	?		d_i
No evento			,
Total	n _{1j}		n

• Si asumimos que n, n_{1i} y d_i son fijos, se tiene

$$d_{1j} \mid n_{1j}, n_j, d_j \sim \textit{Hipergeometrica}(n_{1j}, d_j, n_j)$$





El número esperado de eventos en el grupo 1 será

$$E[d_{1j} | n_j, d_j, n_{1j}] = \frac{d_j}{n_j} n_{1j}$$

 La diferencia entre lo que observamos y esperamos (bajo el supuesto que las funciones de supervivencia son iguales) es

$$w_j = O_j - E_j = d_{1j} - \frac{d_j}{n_j} n_{1j}$$

La diferencia global esta dada por

$$U = \sum_{j=1}^k w_j = O - E$$

donde k es el número de tiempos distintos donde ocurre a menos un evento (en las muestras combinadas).

Cáncer de ovario

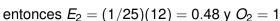
Para el intervalo [59, 115) tenemos

	Grupo 1	Grupo 2	Total
Evento	1	0	1
No evento	12	13	25
Total	13	13	26

entonces
$$E_1 = (1/26)(13) = 0.5 \text{ y } O_1 = 1$$

Para el intervalo [115, 156) tenemos

	Grupo 1	Grupo 2	Total
Evento	1	0	1
No evento	11	13	24
Total	12	13	25







• Si H_0 es cierto, entonces esperariamos que $U \approx 0$. Es decir que

$$O \approx E$$

 Si el riesgo instantáneo es menor en el grupo 1 (de manera consistente a lo largo del tiempo), entonces

$$U = O - E \ll 0$$

 Si el riesgo instantáneo es mayor en el grupo 1 (de manera consistente a lo largo del tiempo), entonces

$$U = O - E > \approx 0$$



• La varianza de *U* esta dada por

$$Var[U] = \sum_{j=1}^{k} \left[\frac{d_{j}(n_{j} - d_{j})d_{jl}(d_{j} - d_{jl})}{n_{j}^{2}(n_{j} - 1)} \right]$$

El estadístico de Log rank esta dada por

$$X^2 = \frac{U^2}{Var[U]}$$

y tiene una distribución $\chi^2_{(1)}$ bajo la hipótesis nula.



Región de rechazo con un error tipo I de 0.05

$$\{x^2 \in [0,\infty) \; , \; x^2 > \chi^2_{1.0.95}\} = \{x^2 \in [0,\infty) \; , \; x^2 > 3.84\}$$

El valor de p esta dado por

$$p = P(\chi_1^2 > x_{obs}^2)$$

donde x_{obs}^2 es el estadístico de Log Rank calculado de los datos.

Una formula aproximada para la prueba de Log Rank es

$$X^2 \approx \sum_{i=1}^k \frac{(O_i - E_i)^2}{E_i}$$



Prueba de Log rank: Cáncer de ovario

```
> mod1 <- survdiff(Surv(futime.fustat)~rx.data=ovarian)
> mod1
Call:
survdiff(formula = Surv(futime, fustat) ~ rx, data = ovarian)
      N Observed Expected (O-E)^2/E (O-E)^2/V
rx=1 13
                      5.23
                               0.596
                                          1 06
rx = 2 13
                      6.77
                               0.461
                                          1.06
 Chisa= 1.1 on 1 degrees of freedom, p= 0.303
> 1-pchisq (mod1$chisq,1)
[1] 0.3025911
```

- En el grupo con el tratamiento 1 (rx = 1), se han observado <u>siete</u> muertes. Sin embargo, si creemos que no hay diferencia entre los tratamientos, esperariamos observar cinco muertes.
- Concluimos que no hay suficiente <u>diferencia</u> entre los eventos observados y esperados para concluir que existe diferencia en la supervivencia entre ambos grupos.



Prueba de Log rank: Cáncer cervical

 Interpretación: No existe evidencia de que mujeres que completaron la histerectomía están a mayor o menor riesgo de tener un episodio recurrente de cáncer cervical en comparación con aquellas que no completaron el procedimiento (p = 0.168).



Prueba de Log rank: Cáncer cervical

• Interpretación: No existe evidencia de que mujeres que completaron la histerectomía tengan un mayor tiempo de vida en comparación con aquellos que no lo completaron (p = 0.979).



Prueba de Log Rank: Extensión

 Supongamos que estamos comparando p + 1 poblaciones (en lugar de dos). Es decir

$$H_0: S_0(t) = S_1(t) = \cdots = S_p(t), \ \forall t \geq 0$$

o equivalentemente

$$H_0: \lambda_0(t) = \lambda_1(t) = \cdots = \lambda_p(t), \ \forall t \geq 0$$

• Entonces en el intervalo $[t_j, t_{j+1})$ tenemos

	Grupo 0	Grupo 1	 Grupo p	Total
Evento	d_{0j}	d_{1j}	 d_{pj}	dj
No evento	$n_{0j}-d_{0j}$	$n_{1j}-d_{1j}$	 $n_{pj}-d_{pj}$	nj — dj 🎺
En riesgo	n_{0j}	n_{1j}	 n_{pj}	n _j

Prueba de Log Rank: Extensión

 El vector de número de eventos observados menos el número de eventos esperados (bajo la hipótesis nula) es

$$\left(egin{array}{c} d_{1j}-(d_j/n_j)n_{1j} \ d_{2j}-(d_j/n_j)n_{2j} \ dots \ d_{pj}-(d_j/n_j)n_{pj} \end{array}
ight)$$

Si sumamos sobre todos los intervalos

$$U = \begin{pmatrix} \sum_{j=1}^{k} \left[d_{1j} - (d_j/n_j) n_{1j} \right] \\ \sum_{j=1}^{k} \left[d_{2j} - (d_j/n_j) n_{2j} \right] \\ \vdots \\ \sum_{j=1}^{k} \left[d_{pj} - (d_j/n_j) n_{pj} \right] \end{pmatrix}$$



Prueba de log rank: Extensión

- Note que tomamos un vector de dimensión p pues si incluimos los p + 1 elementos sería redundante
- Tenemos que definir una matriz de varianza-covarianza de U, denotada por V de dimensión $p \times p$ con

$$V_{II} = \sum_{j=1}^{k} \left[\frac{d_{j}(n_{j} - d_{j})d_{jl}(d_{j} - d_{jl})}{n_{j}^{2}(n_{j} - 1)} \right]$$

$$V_{ls} = \sum_{j=1}^{K} \left[\frac{d_j(n_j - d_j)d_{jl}d_{js}}{n_j^2(n_j - 1)} \right]$$

para $l \neq s$



Prueba de Log rank: Extensión

La prueba de log rank es

$$T = U^t V^{-1} U$$

y tiene distribución $\chi^2_{(p)}$ bajo la hipótesis nula donde p es el número de grupos menos uno.

 Nota: Este estadístico es numericamente idéntico sin importar que p grupos escogemos.



Prueba de Log rank: HIV

- Recordemos que que el tratatamiento con aciclovir no tuvo un efecto en reducir el riesgo de adquirir VIH.
- Nos podemos plantear como análisis secundario qué factores incrementan el riesgo de acquirir el virus: ¿Edad?

```
> hiv nage < cut(hiv age, breaks = c(18 - 1.24.30.38.max(hiv age)))
> survdiff(Surv(time=time, event=cen)~factor(nage), data=hiv)
Call:
survdiff(formula = Surv(time = time, event = cen) ~ factor(nage).
    data = hiv)
                        N Observed Expected (O-E)^2/E (O-E)^2/V
                                               10 0745
                                                          13 629
factor(nage)=(17,24] 467
                                37
                                       22 1
factor(nage)=(24.301 428)
                                22
                                       20.7
                                                0.0793
                                                           0.105
factor(nage)=(30.381.432)
                                19
                                       20.5
                                                0.1041
                                                           0.137
                                       21.7
factor(nage)=(38.791 440
                                                9 9926
                                                          13 440
 Chisq= 20.3 on 3 degrees of freedom, p= 0.000148
```

 Existe evidencia que el riesgo de adquirir VIH está asociado con la edad (p < 0.001)





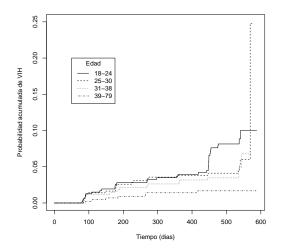


Figura 3: Estudio: VIH



Outline

- Motivación
 - HPTN 039
 - Cáncer cervical

- Prueba de Log Rank
 - Prueba de Log Rank estratificado
 - Prueba de log rank ponderado



Prueba de Log rank estratificado

- Supongamos que existe heterogeneidad entre las poblaciones que deseamos comparar.
- Estudio HPTN 039
 - ¿Es de esperarse que los hombres de EEUU y de Perú se comporten de manera diferente?
 - Como esta diferencia puede afectar nuestra observación de la relación entre edad y tiempo a la adquisición de VIH
- La prueba de hipótesis en este caso es

$$H_0: \mathcal{S}_{0j}(t) = \cdots = \mathcal{S}_{pj}(t) , \ \forall t > 0 , \ j = 1, \ldots, s$$

donde j = 1, ..., s denota los diferentes estratos y p + 1 es el número de poblaciones a comparar

Prueba de Log rank estratificado

• La prueba de Log rank en ese caso es

$$T^{s} = \left(\sum_{h=1}^{s} U^{(h)}\right)^{t} \left(\sum_{h=1}^{s} V^{(h)}\right)^{-1} \left(\sum_{h=1}^{s} U^{(h)}\right)^{t}$$

y tiene una distribución $\chi^2_{(p)}$ bajo la hipótesis nula.

 Nota: La prueba de log rank estratificada consiste en calcular la prueba de log rank dentro de cada estrato y despues combinarlo como un estimador global



Prueba de Log rank: HIV

```
> survdiff(Surv(time=time, event=cen)~factor(nage)+strata(country),data=hiv)
Call:
survdiff(formula = Surv(time = time, event = cen) ~ factor(nage) +
    strata(country), data = hiv)
                       N Observed Expected (O-E)^2/E (O-E)^2/V
factor(nage)=(17,24) 467
                               37
                                      23.4
                                              7.8417
                                                       11.5649
factor(nage)=(24.301 428)
                               22
                                      21.5
                                              0.0121 0.0166
factor(nage)=(30.381.432)
                                      20.4
                                              0.0900 0.1186
                               19
factor(nage)=(38.79) 440
                                      19.7
                                              8.2010
                                                      12.5225
 Chisa= 19.2 on 3 degrees of freedom, p= 0.00025
```

 Interpretación: Despues de estratificar por país (EEUU y Perú), se reafirman las evidencias de que la edad está asociada con el tiempo a adquirir VIH (p < 0.001).



Prueba de Log rank: Cáncer

 Interpretación: Despues de estratificar por edad (menores de 40, entre 41 y 60 y más de 60 años), no se observó diferencia en el riesgo de recurrencia de cáncer entre las mujeres que se sometieron a una histerectomía y aquellas que la abandonaron (p = 0.174).

Outline

- Motivación
 - HPTN 039
 - Cáncer cervical

- Prueba de Log Rank
 - Prueba de Log Rank estratificado
 - Prueba de log rank ponderado



Prueba de log rank ponderado

 La prueba de log rank tiene mayor poder para detectar diferencias donde los riesgos son proporcionales entre las poblaciones:

$$\frac{\lambda_1(t)}{\lambda_0(t)}=c, \ \forall t>0$$

- Qué sucede si
 - El efecto de un tratamiento se nota al inicio y después de cierto tiempo, las personas tratadas y no tratadas muestran un riesgo similar.
 - El efecto de un tratamiento demora en observarse, es decir las diferencias serán mínimas al principio y se incrementan al final.

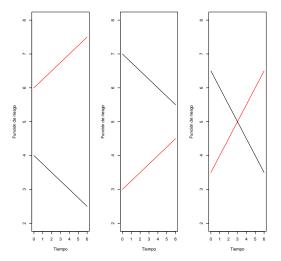


Figura 4: Funciones de riesgo para dos poblaciones



Prueba de log rank ponderado

Definimos el estadístico de log rank ponderado

$$U(g) = \sum_{j=1}^{\kappa} g_j w_j$$

donde g_1, \ldots, g_k son pesos escogidos de acuerdo al problema para enfatizar (o no) las diferencias medidas por los w_i' .

- Ejemplos:
 - Gehan-Breslow: $g_j^G = n_j$
 - Harrington-Fleming (usado por R) [3]:

$$g_j^{(H)} = \left\{\prod_{i \leq j} \left[1 - rac{d_i}{n_i}
ight]
ight\}^
ho = \left\{\hat{S}^{KM}(t_j)
ight\}^
ho \;,\;
ho \in R$$



Prueba de log rank ponderado

 Si suponemos que los riesgos son iguales en todas las poblaciones (H₀), entonces:

$$E[U(g)] = 0$$
 , $Var[U(g)] = \sum_{j=1}^{K} g_j^2 W_j$

 Si p + 1 es el número de poblaciones que estoy comparando, entonces el estadístico de log rank ponderado está dado por:

$$U(g)V(g)^{-1}U(g)$$

que tiene una distribución $\chi^2_{(p)}$ bajo la hipótesis nula



Prueba de Log rank ponderado: Cáncer cervical

```
> survdiff(Surv(time=time, event=rec)~Group, rho=0, data=cancer)
                 N Observed Expected (O-E)^2/E (O-E)^2/V
Group=Abandoned 19
                                 4 59
                                          1 270
                                                       19
Group=Completed 44
                                10 41
                                          0.559
                                                       19
 Chisa= 1.9 on 1 degrees of freedom, p= 0.168
> survdiff(Surv(time=time, event=rec)~Group, rho=1, data=cancer)
                 N Observed Expected (O-E)^2/E (O-E)^2/V
Group=Abandoned 19
                        5.85
                                 3.78
                                          1.135
Group=Completed 44
                        6.23
                                 8.31
                                          0.517
 Chisq= 2 on 1 degrees of freedom, p= 0.157
```

• Interpretación: Aún al incluir ponderaciones que enfatizan diferencias tempranas, no se observan diferencias en los riesgos a tener una recurrencia de cáncer entre mujeres que abandonaron la histerectomía y aquellas que se la realizaron (p = 0.157).



Referencias I

- [1] C. Celum, A. Wald, J. Hughes, J. Sanchez, S. Reid, S. Delany-Moretlwe, F. Cowan, M. Casapia, A. Ortiz, J. Fuchs, S. Buchbinder, B. Koblin, S. Zwerski, S. Rose, J. Wang, and L. Corey. Effect of aciclovir on hiv-1 acquisition in herpes simplex virus 2 seropositive women and men who have sex with men: a randomised, double-blind, placebo-controlled trial. *Lancet*, 371 (9630): 2109–2119, 2008.
- [2] H. Gray, E. Seifert, V. Sal y Rosas, F. Nicandri, W. Koh, and B. Goff. The abandoned radical hysterectomy for cervical cancer: clinical predictors and outcomes. *Obstet Gynecol Int*, 2010.
- [3] D. Harrington and T. Fleming. A class of rank test procedures for censored survival data. *Biometrika*, 69: 553–566, 1982.

