

# Proyecto 1: Aproximación de la complejidad de Kolmogorov mediante Algoritmos Genéticos Ecléticos (EGA).

Eduardo David Martínez Neri

*Instituto Tecnológico Autónomo de México*

**Resumen**—Se presenta una forma de aproximar la complejidad de Kolmogorov, mediante Algoritmos Genéticos Ecléticos (EGA), codificando máquinas de Turing aleatorias como individuos en el algoritmo genético, y mediante la convergencia del EGA, obtener el mejor individuo que nos permita representar un texto.

**Keywords**—EGA, Kolmogorov, complexity, Turing

## I. INTRODUCCIÓN

En teoría de la información, la **complejidad de Kolmogorov** de un objeto, p.ej. un texto, se puede definir como la máquina de Turing más pequeña o un programa de computadora, que pueda producir ese texto como salida.

Es decir, se busca poder describir de forma lo más breve posible como está constituida una cadena. Tomemos como ejemplo las cadenas 'ABABABABABABAB' y '2AT3C45TRE2RE23', una descripción aceptable de la primera cadena sería: 'Escribe 7 veces AB', mientras que para la segunda cadena no hay una descripción breve fácil de observar.

Su nombre se debe a Andrey Kolmogorov, quien la publicó en 1963 [1]. Aunque es un concepto intuitivo, calcular la complejidad de Kolmogorov para una cadena  $s$ , es incomputable, es decir, es imposible escribir un programa al cual le pasemos como parámetro una cadena  $s$ , y este nos dé como resultado el programa más pequeño que describa a esa cadena.

De manera ingenua podríamos pensar en un programa que calculara la complejidad de Kolmogorov, haciendo pruebas sobre todos los posibles programas, iniciando del más corto y comparando si su salida es igual a  $s$ , como a continuación:

```
def KolmogorovComplexity(string s):
    for i = 1 to infinity:
        for each string p of length exactly i
            if isValidProgram(p) and
                evaluate(p) == s
                return i
```

Esto no funcionaría, debido a que algunos de los programas  $p$ , no terminarían, podrían ejecutar loops infinitos, esto nos conduciría al problema de la parada (Halting problem)[2], y por ende nuestro programa no terminaría. De hecho, el problema de calcular la complejidad de Kolmogorov con el problema de la parada son Turing-equivalentes.

## I-A. Máquina de Turing

Una máquina de Turing es un dispositivo formado por un cabezal de lectura y escritura, una cinta infinita y una tabla de estados, como se puede observar en la figura 1. Fue definida por Alan Turing [2], como un concepto hipotético, que representa a una computadora, permitiendo así simular cualquier algoritmo de computación y ayuda a entender los límites del cálculo mecánico, introduciendo la noción de complejidad computacional.

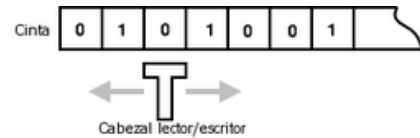


Figura 1. Representación gráfica del cabezal y la cinta de una máquina de Turing.

La tabla de estados, ejemplificada en la Tabla I, determina el cómputo de la máquina.

Estado, valor	Nuevo Valor	Dirección	Nuevo estado
Estado, (0/1)	(0/1)	(Izquierda/Derecha)	Estado

Cuadro I. TABLA DE ESTADOS

## I-B. Algoritmos genéticos

Son algoritmos basados en el proceso genético de los organismos vivos, los cuales a partir del teorema de Rudolph se sabe que convergen a un óptimo global[3].

Una gran ventaja es que no imponen precondiciones en la función a optimizar, p.ej. diferenciabilidad, continuidad, convexidad, forma cerrada, usuales en métodos clásicos. Es por esto que se han vuelto comunes en problemas de optimización.

Son meta-heurísticos, es decir, de acuerdo a sus parámetros podemos obtener toda una familia de algoritmos, en este caso nos enfocaremos en Algoritmos Genéticos Ecléticos (EGA's), ya que se ha comprobado que tienen un rendimiento superior al resto [4].

Los EGA se caracterizan por tener selección determinista, cruzamiento anular, mutación uniforme y elitismo total. De

forma muy breve esto se traduce en: Los  $2n$  individuos de las últimas generaciones son ordenados de mejor a peor, y solo los mejores  $n$  sobreviven.

Posteriormente los individuos son seleccionados de forma determinista para cruzamiento, el mejor con el peor, el segundo mejor con el segundo peor, y así, hasta crear  $n$  nuevos individuos, este cruzamiento se realiza de forma anular (Fig 1) es decir se toma aleatoriamente un punto de corte del individuo1 y se intercambia con el mismo punto de corte del individuo2 con longitud  $L/2$ , como se puede observar en la figura 2.

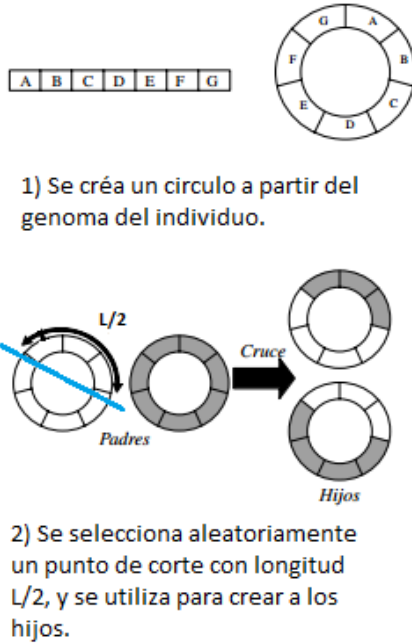


Figura 2. Cruzamiento anular

Los mejores individuos son retenidos y mezclados con los peores, y por varias generaciones los sobrevivientes se convierten en una elite de tamaño  $n$  para todo el proceso. El cruzamiento y mutación son probabilistas y se definen a través de los parámetros  $P_c$  y  $P_m$ .

El algoritmo correspondiente a los EGA es:

1. Generate a random population of size  $n$
2. Evaluate the population.
3. For  $i=1$  to  $n/2$  perform Annular Crossover between individuals  $i$  and  $n-i+1$
4. Perform Mutation
5. Steps 3 and 4 yield  $n$  new individuals; evaluate them.
6. Sort the accumulated  $2n$  individuals by their fitness, ascending
7. If  $G$  is reached return the best individual and stop
8. Discard the worst  $n$  individuals
9. Duplicate the Population
10. Go to 3

## II. METODOLOGÍA

Para solucionar el problema y escribir un programa que aproxime la complejidad de Kolmogorov usando el algoritmo genético ecléctico, se utilizó el siguiente algoritmo:

1. Expresar una Máquina de Turing (MT) como una cadena de 1,024 bits, p.ej. tabla II
2. Alimentar la cadena deseada (sea "T")
3. Preparar una cinta en ceros de longitud 10,000 (sea "S")
4. Evolucionar la MT que maximice el parecido entre "S" y "T"

Estado	Valor Cinta	Escribe	Mueve	Siguiente Estado
0	0	1 bit	1 bit	6 bits
0	1	1 bit	1 bit	6 bits
1	0	1 bit	1 bit	6 bits
1	1	1 bit	1 bit	6 bits
2	0	1 bit	1 bit	6 bits
2	1	1 bit	1 bit	6 bits
...	0	...	...	...
...	1	...	...	...
62	0	1 bit	1 bit	6 bits
62	1	1 bit	1 bit	6 bits
63	0	1 bit	1 bit	6 bits
63	1	1 bit	1 bit	6 bits

Cuadro II. TABLA DE ESTADOS

Como se puede apreciar por la codificación utilizada, existen  $2^{64}$  ( $10^{19}$ ) MTs posibles para este problema.

Como función de fitness en el EGA, se utilizó distancia de Hamming [5], que es el número de posiciones en la que los símbolos entre 2 cadenas son diferentes.

p.ej. La distancia de Hamming entre '01010101' y '01000100' es 2.

La distancia de Hamming entre '000111' y '110011' es 3.

Algoritmo para calcular la distancia de Hamming, para cadenas de igual longitud.

```
int hamming=0;
for (int j=0; j<cadena1.length; j++) {
    if (cadena1[j] != cadena2[j])
    {
        hamming++;
    }
}
```

## III. RESULTADOS

En la ejecución de algoritmo con cadena: 'AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA', utilizando un algoritmo genético con 500 individuos, 500 generaciones,  $P_c:0.9$ ,  $P_m:0.01$  y una cinta de 3000 posiciones. Se obtiene una complejidad de Kolmogorov de 160 bits, con 10 estados de la MT y un fitness de 0, es decir la cadena resultante es exactamente igual a la requerida, figura 4.

Una cadena un poco más complicada: '12345', con los mismos parámetros, excepto que se utilizaron 2000 generaciones. Se obtiene una complejidad de Kolmogorov de 128 bits, con 8 estados de la MT, y un fitness de 6, es decir, la cadena resultante es diferente a la requerida por 6

