



## MO.157 - Análisis de datos ómicos aula 2

### Segunda PEC

Inicio: <b>25/05/20</b>	Entrega: <b>14/06/20</b>	Solución: Solución programada <b>21/06/20</b>	Calificación: <b>28/06/20</b>	Dedicación: <b>15 %</b>
----------------------------	-----------------------------	--	----------------------------------	----------------------------

### Descripción y enunciado

En esta PEC llevaréis a la práctica un análisis de datos de ultrasecuenciación siguiendo las pautas presentadas en los materiales de la actividad.

Deberéis realizar un análisis de datos de RNA-seq utilizando uno de los sistemas discutidos, es decir Bioconductor o Galaxy. No incluiremos la opción de realizar un análisis de variantes porque hemos detectado algunos problemas que nos hacen temer que pudieran haber problemas en la realización del estudio.

### Competencias y objetivos

El objetivo de la PEC será trabajar las habilidades adquiridas en el análisis de datos de ultrasecuenciación.

Para ello se trabajará con un conjunto de datos crudos y una pregunta biológica que deberá reformularse como un problema de análisis de datos de ultrasecuenciación.

Como en la primera PEC se valorará tanto la capacidad de análisis como la realización de un informe reproducible utilizando R y Rmarkdown.

---

## Contenidos y recursos

Al pie de esta sección encontraréis el enunciado de la PEC. Los datos para la PEC los encontrareis adjuntos a un mensaje en el tablón. Se trata de un archivo comprimido que contiene dos ficheros: "counts.csv", los contajes y "targets.csv" el archivo de grupos y covariables.

 [Análisis de datos omicos-2019-S2-Segunda PEC.pdf](#)

---

## Recursos de aprendizaje

---

### Fuentes de información

---

#### Recursos electrónicos (Bases de datos)

[Web](#)

---

#### Revistas y libros electrónicos

[Web](#)