



Nucleotide

FASTA

NCBI Reference Sequence: NC_000001.11

GenBank Graphics

>NC_000001.11:149389921-149471833 Homo sapiens chromosome 1, GRCh38.p14 Primary Assembly

TTTATCTCCAGCTCCTCTGGGAAAGCTTCCCTGAATCCCCAGCCACAGCGGCAAGCTTTGGTACTC
AAAGTTGCTTGTGTCATCTTTGGTATCATCCCACTGCCAAGCACACAGCTACGCAAAGTAAGGCATTAAG
AAATATTCGTACACGATGAACAAATGAATGAATGAATGAGCCACCACTCCGTGATGGCTCTATTC
CTTTTAAATGGACTTTGGCGCTTTGGCCCAATTTCTTCTTTGACAGCAGCTGGTCTACTCTCAGAGACTT
CCTCTAGCTAGCAAAGCAGTGTGTGGATGTGTGGGTGTAGGTGGCGATACAGACCTCTCTGGATGAGGAC
CGCTCTCCCTGCAAGTTCACGATCCGGGCAAACTCAGTGCTTGAAGTTCAGAGTCTACCCACCCCC
CTACCTCTCACGGCTTGTGCATCTGGTCAAGCCAGCGAGCGCTGACGCCCTGATCGAGTTAAGGCTGCT
TGGAGAAGGATCGCGAGCGGGCTAGTCACTGATAGATCCCTCCGCGGGAGCTCGGGCCGGCTTC
TTCCTCGGGAAACCTCTGGGTGCCAAGGCGGGGGCGAGGCCGCGGCGCAGTGGGGCGGGGCTTG
CGGTGGGAGGAGGCGGCTGAGGCGGAAGGACACAGAGGCTGCTTCGTGTCACACCCGAGAAAGTTTCAG
CCAAACTTCGGGCGGGCGCTGAGGCGGCGGCGGAGGAGCGCGGCACTCGGGGCGCGGGGAGTTCGAGGCA
TTCGGCCTGTGCTTTCGACCTAGTCAGCCAGGGCTGAGCTTTTGAAGCAGGAGGAGGGAGGAGAGTGT
GGCTCTCTTATCGGGAACCCCTCCCATGTGGATCTGGCCAGGGCGGGCGGGCGGGCGGGCGGGCGGCGG
GAGGAGGCGGGCGACCGAGAAGATGCCCGCCTGCGCCGCTGCTGTGTGGGCGCTGCTGGCGCTGTGGCTGT
TGCTGCGCGACCCCGCGCATGTTGAGTATCGGCTGAGGGGCGCTGTGCGCGGCGCCCGGGGCTGCCAC
CTGGGCGACCCCTTCTCCCCCTCGGTCTTCTGTGTGGGAAGGCGAGGCTCGGCCGCGCGGAGCGGAG
GAGGCACTCGCTGGTTCCGAGATTTGACATCGCCGGGGCCCTCCGTGGTGGCCCGCCCAACCG
CGGGGTTCCCGGCAACCGCGGGGTTCCCGCGCCTCTGTCTCCGCGGCGCGGAGCCCTACACAG
CCTCTCGGCAGGAGGAGGCGGCGAGCAAGTCTCAGAACTCCTTTTCTGATGTCCAGGGTGACGGGA
GGTGGGCGATTTTGCCCTTCAGTTTCGCGTTTCTTGGGTTGAGCGAGAGCCGACGCGGGGCTCGGAG
GGCTGAGCGAAGGCTGCCAGATTCTGGCTGGAGAGCGGGGCGAGGCCGCAAGCAACGGCTCGC
ACCTTCGACGACGCGCTGCCTTTGCGAGGGGCGGACATGGGCGGGGTGTGGGCTGTGTTTGGATGT
GGGACGGGTTTTGCGGCGCGCTGAGTTTTGACACTCCAACCCACCAGAAAGTCGGAGGAGCGGGGTG
TGCTGCTCGGCTCTTGAAGGTGGAGGACAGGAAAGTAGGGCAACTGGTGTGGCTGCATGCTGAGGCAC
ATGATTTAAAAATCTCAACTGTGTATTCTTTCCGAGGCGCGGAGCTCTGCTGCTGTTTCAGGCTGTGT
CCAGACCGGAAGTGTGGGTGACGATCAACCAATTTCTCAACCTGGCAGCTAGCTGTTGCTGCTCTTTG
GCATGGCTGGGGTGGGCGACGGGCGGGTGAGAAAAAGTGGATACGTCAAATCAAAGGGCTTCTTAGAA
AGCTTCTTTATGGTTGATGTTTCTAACACGGTTGGACCAAGGAAAGGGAATCAATCATATCTTCCCA
TCCACCCACACTTTTAGATTCTACATTTCTTGACACCTTTAGTGAAAAATCACTTGGGCTTTGGAGCCC
TGCTCTGTAATCTGGATTCAATCCAGCTCTGTATATGAATCAACCAAAAAAGGGAATGAATTA
CCGACTAATAGGATTAATTAATAATGTATTAATTAACGGATGACACTCAAAGGTTGTCAGAAAGCTCT
TTGAGGCGGAGGCTGTGTTTTACTGCTTCTGAGATTGATGCTCCAGTGGGATGGTGTCTTGTCATAT
TTGTTGAACGGAAGCAGCCCCCTCTTTTCTGACGCTTAATCTGAATAAAGATTTTACCTTACCACAAA
AACTAGTACATGAACACTCTGTTTTCAAAGAAAGGTAGGAAGATGATGAGCTCTCAGAAAGTATGG
TCTTTGTTCTATTGTTAACAGTCAGTCGACATGTCAATCGCAGATGTTAAAGAGAGAACAAGGTTATTTA
TCACCCGAAAAATAGTACTGGGTGTTGAGCACCAACTAGATACTTCTGGAAGGTTCAAATTTCTGACAC
GTCATAGTCTAATAAGAATTTCAGAGAAGTGACAGGAGGCTTGTGATGATGAAGCAGAGCTGTGTTTCT
GAAGCATTTAAATAAGAGCATATATGATGGTGTGTTTGTCTTCTCTTTCTTTGTAAGTGAAGGCTTTAAG
TGATAGTCTTAGGATAGAGAGGATATAATCAATGACAGCTCGAGGGAATAACTCTTGCTCATCTATT
AACTTGTTTTGGTAAATAACTTAATCTTCATGATGTAGTCTCTTCACTTATGAAGCAGGACTAAAGGA
ATAACCTGCTTTAGAGAATTTGAGGGAATAATAATATGATTGTAAGGTGATTTGAAAAATTAAGTATTG
GCCGGGCGGGTGCTCACGCTCTAATCCAGCACTTTGGGAGGCGAGGCGGGCGGATCACGAGGTCA
GGAGCTGAGACACTCCGCGCTAAACGGTGAACCCCGCTCTACTAAAAATGCAAAAAATAGCCGGG
CGATGTGGCGGGGCGCTGTAGTCCAGCTACTTGGGAGGCTAAGGCGGAAGATGCGGTGAACC CGGAGG
CGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCCGCCACTGCACTCCAGCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGTCTCA
AAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTATTAATAATATGTGCAAAATGGGATTACTCTGACACATAGGGC
TCTTTTATTATAGATCTCAGTGCATAAAACTATGCCCTCCACTCTGCTCTGCTGAGGTTGCTGCGATT
ATTAGTACGCTTTTTAGGTAGTCAAGTTGAGTGTGATTGACTCAAGGATAGGATTTAGATATTTT
TGATTTTGTAGACAGGTGTTCTTTAGATGCTAAACTAATGACAGTAGAAGAGATTTAGAAGCTGTTTCTTG
GTACAAATCTTAAATCTTCTTAGAGTCTACAGTGAAGGCTTCTTGAACTCTCTTAATTTATTAATGTGTT
TGCTAAGGTACCAATACAGGACACCCCTCTAAACTTTGAGTGCTCTGTGTTGGCTGTGGCCAGT
TTGATTTTAAACATCCAGAGTCTTAAAGCAAGGATGTAGCAGTGTCTGATTGTCTGTCTTAAACAG
TATCCAGGACCATCTCTTGCTCTTGTGTTTTCTTTGCTTTGCAATGGGAAGTGACTCCCTGATTTTGTCT
GCCTGCTAGATAATTTCTCAGCTGAATTTCTCTTAAACAAAAATCGAGTAATTTTCTTTCAGATGGTG
ATGAAATTTAACTTAAACTATTTTCTTTTCACTTTCTTATTTCTTTTTTTTTTGGTGTGGTGGAG
AGGAGGAGGAGAGTGATTCTAGTCTCTTATTTTCTGAATGTTTAGATTTAAAAATTTTACCACAT
AACTCTTGGGATCTCTGCTCAATTCACACCTACTGCTCTCTGTAGGCTCTATGACATAGAGAA
GCAACTTTTGGTTCACCTGGATTGTAGTTGCTGACTTCAGGACCTTTAGAGAAATGTTTAAATTCAGTGGG
ATATGCTTGGATGGTTCAGAGCGCTTACAATACATTTAAAAATATCACCCACAGAAATCTTATTT
TGCCCAAAAAATTTGATCATCTAGTCTTCCACTCTGTGTGCACTTCTAGTGAATCTCTCTCCCTACTT
CTCCCATTTAGTGAAGAAAAAATCTGTGTCCTGGCTACATCAAAATCTGTTGGGGTGGATCTTGGACTT