

Análise de Algoritmos

Técnicas de Projeto de Algoritmos

Nelson Cruz Sampaio Neto
nelsonneto@ufpa.br

Universidade Federal do Pará
Instituto de Ciências Exatas e Naturais
Faculdade de Computação

12 de novembro de 2019

- Tentativa e erro (ou força bruta).
- Divisão e conquista.
- Estratégia gulosa.
- Programação dinâmica.
- Algoritmos aproximados.

- É a mais simples das estratégias de projeto.
- Pode ser definida como:

Uma solução prática para resolver um problema, geralmente baseada diretamente no enunciado do problema em questão e nas definições dos conceitos envolvidos.

- A força é de um computador e não do intelecto de alguém, ou seja, segue o princípio do “somente faça”.
- Em função da simplicidade de implementação, a estratégia de força bruta é uma das mais fáceis de aplicar.

- Apesar de ser raramente uma fonte de algoritmos refinados, a força bruta é uma importante estratégia de projeto.
- Para alguns problemas importantes (p.e. ordenação, busca, multiplicação de matrizes, casamento de cadeias, etc.), a técnica de força bruta fornece:
 - Algoritmos simples e de fácil implementação.
 - Algoritmos de valor prático.
 - Algoritmos com limitações quanto ao tamanho da entrada.

- Uma primeira aplicação da estratégia força bruta geralmente resulta em um algoritmo que pode ser melhorado com uma quantidade modesta de esforço.
- O esforço para projetar um algoritmo mais eficiente pode não ser justificável se somente entradas controladas do problema necessitarem ser processadas.
- Em outras palavras, mesmo pouco eficiente (ou até mesmo ineficiente), essa técnica pode ser útil para resolver problemas com instâncias pequenas.

Exemplo: Ordenação por seleção

- É conhecido como o método mais direto para resolver o problema de ordenação.
- Começamos varrendo o arranjo inteiro para encontrar o menor elemento e permutá-lo com o primeiro elemento.
- Então, varremos a lista, começando pelo segundo elemento, para encontrar o menor dentre os $n - 1$ últimos elementos e permutá-lo com o segundo elemento... e assim por diante.

Exemplo: Ordenação por seleção

- Generalizando, na i -ésima passagem pelo arranjo, o algoritmo procura pelo menor item entre os $n - i$ últimos elementos e o permuta com A_i . Após $n - 1$ passos, o vetor está ordenado.

SELECAO (A, n)

1. para $i = 1$ até $n - 1$ faça
2. menor = i
3. para $j = i + 1$ até n faça
4. se $A[j] < A[\text{menor}]$ então menor = j
5. aux = $A[\text{menor}]$
6. $A[\text{menor}] = A[i]$
7. $A[i] = \text{aux}$

- A eficiência $\Theta(n^2)$ é dada pelo número de comparações realizadas na linha 4.

Exemplo: Ordenação por seleção

- O método é ilustrado abaixo. As chaves em negrito sofreram uma troca entre si.

	1	2	3	4	5	6
Chaves iniciais:	<i>O</i>	<i>R</i>	<i>D</i>	<i>E</i>	<i>N</i>	<i>A</i>
<i>i</i> = 1	<i>A</i>	<i>R</i>	<i>D</i>	<i>E</i>	<i>N</i>	<i>O</i>
<i>i</i> = 2	<i>A</i>	<i>D</i>	<i>R</i>	<i>E</i>	<i>N</i>	<i>O</i>
<i>i</i> = 3	<i>A</i>	<i>D</i>	<i>E</i>	<i>R</i>	<i>N</i>	<i>O</i>
<i>i</i> = 4	<i>A</i>	<i>D</i>	<i>E</i>	<i>N</i>	<i>R</i>	<i>O</i>
<i>i</i> = 5	<i>A</i>	<i>D</i>	<i>E</i>	<i>N</i>	<i>O</i>	<i>R</i>

Exemplo: Busca sequencial ou linear

- Compara elementos sucessivos de uma dada lista com uma dada chave de busca até:
 - Encontrar um elemento similar (busca bem sucedida) ou
 - A lista ser exaurida sem encontrar um elemento similar (busca mal sucedida).
- A busca sequencial fornece uma ilustração excelente da força bruta, com sua principal qualidade (simplicidade) e fraqueza (lentidão).

Exemplo: Busca sequencial ou linear

- Pseudocódigo do algoritmo de busca linear:

LINEAR (A, n, x)

1. $i = 1$
2. enquanto ($i \leq n$ e $x \neq A[i]$) faça
3. $i = i + 1$
4. se ($i \leq n$)
5. então escreve ("encontrado")
6. senão escreve ("ausente")

- A eficiência $O(n)$ é dada pelo número de incrementações realizadas na linha 3.

Exemplo: Casamento de cadeias

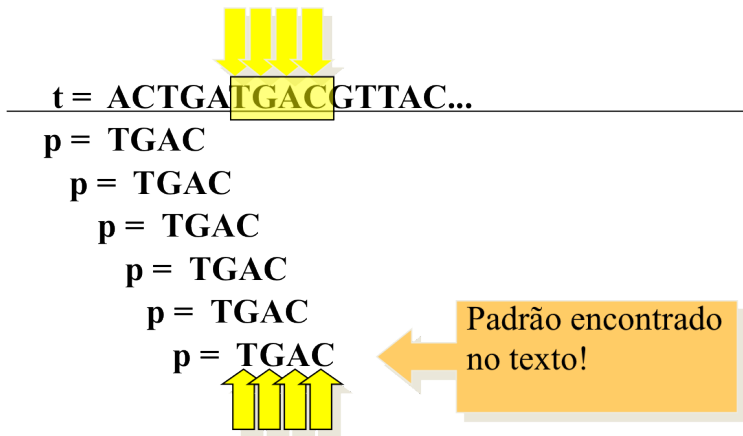
- Dada uma cadeia T de n caracteres chamada de texto, e uma cadeia P de m caracteres ($m \leq n$) chamada de padrão, a ideia é encontrar partes do texto que “coincidam” com o padrão.

STRING_MATCH (T, n, P, m)

1. para ($i = 1$) até ($n - m + 1$) faça
2. $j = 1$
3. $k = i$
4. enquanto ($P[j] = T[k]$ e $j \leq m$) faça
5. $j = j + 1$
6. $k = k + 1$
7. se ($j > m$)
8. retorna (i) % padrão encontrado
9. retorna (-1)

Exemplo: Casamento de cadeias

- O algoritmo é ilustrado abaixo.



Exemplo: Casamento de cadeias

- O pior caso acontece quando o algoritmo tem que comparar todos os m caracteres antes de deslocar-se e isso pode ocorrer para cada uma das $n - m$ tentativas.

t = x

p = x x x x x x x x y

p = x x x x x x x x y

p = x x x x x x x x y

p = x x x x x x x x y

...

- Logo, a eficiência $O(nm)$ é dada pelo número de operações realizadas nas linhas 5 e 6.

Como visto, o método força bruta fornece algoritmos simples e aplicáveis, mas que podem ser facilmente melhorados:

- A ordenação por seleção foi “substituída” por algoritmos da ordem $O(n \log n)$, como QuickSort (caso médio e melhor caso) e HeapSort.
- A complexidade da busca linear é superior assintoticamente a pesquisa binária, que requer $O(\log n)$ comparações.
- Com relação ao casamento de cadeias, existem algoritmos bem mais eficientes que a força bruta, por exemplo, o Shift-And com custo $O(n)$ e o BMH com caso médio em $O(n/m)$.

- **Prós:**

- Ampla aplicabilidade.
- Fornece algoritmos simples para problemas importantes:
 - ordenação e busca;
 - casamento de cadeias;
 - multiplicação de matrizes;
 - soma/produto de n número;
 - encontrar o maior (ou menor) elemento em uma lista;
 - ...

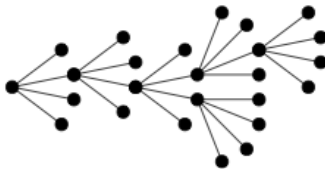
- **Contras:**

- Pouco criativa quando comparada com outras técnicas.
- Raramente fornece algoritmos competitivos, sendo alguns até inaceitavelmente vagarosos dependendo do volume de dados que ele precisa analisar.

- **Decisão:** Problemas computacionais que almejam encontrar um elemento com propriedades especiais em um domínio que cresce com o tamanho da instância.
- **Otimização:** Problemas ainda mais complexos que buscam encontrar uma solução máxima (*max*) ou mínima (*min*) em relação a algum critério.
- A dificuldade surge quando o algoritmo tem que realizar essa pesquisa em um grande (possivelmente exponencial) conjunto de possibilidades.

Backtracking e branch-and-bound

- A técnica de projeto *backtracking* é uma maneira de construir um algoritmo força bruta para um problema de decisão.
- A ideia básica é decompor o processo em um número finito de subtarefas parciais que devem ser exploradas exhaustivamente em busca de soluções válidas.
- O processo de tentativa gradualmente constrói e percorre uma árvore de subtarefas de forma recursiva.



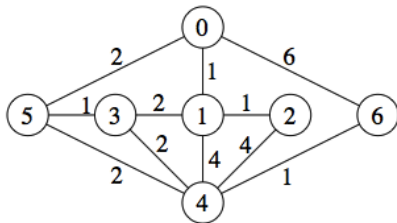
- *Backtracking* incrementalmente constrói candidatas de soluções e abandona uma candidata parcialmente construída tão logo quanto for possível determinar que ela não pode gerar uma solução válida.
- Quando aplicável, *backtracking* é frequentemente mais rápido que algoritmos de enumeração total (força bruta tradicional), já que ele pode eliminar um grande número de soluções inválidas com um único teste.
- Faz uso da busca em profundidade.

Exemplo: Labirinto

- Dado um labirinto, encontre um caminho da entrada à saída.
- Em cada interseção, você tem que decidir se:
 - Segue direto;
 - Vai para a esquerda;
 - Vai para a direita.
- Não há informação suficiente para escolher corretamente.
- Cada escolha leva a outro conjunto de escolhas.
- Uma ou mais sequência de escolhas pode ser a solução.

Exemplo: Ciclo Hamiltoniano

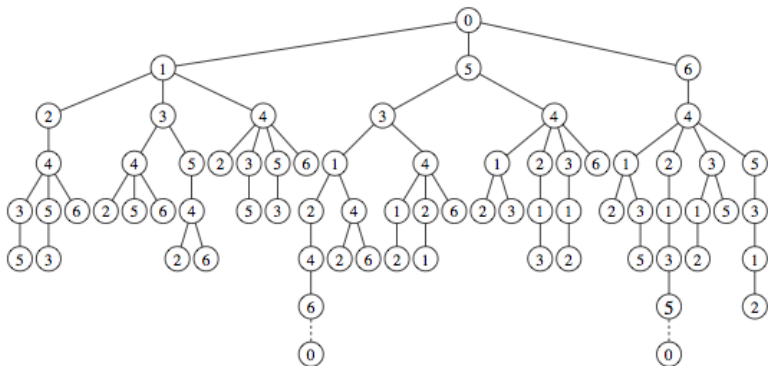
- Encontrar um trajeto que passe por todos os vértices de um grafo exatamente uma vez antes de retornar a origem.
- O algoritmo para caminhar em um grafo faz uma busca em profundidade em tempo $O(|V| + |A|)$.
- Obter um algoritmo tentativa e erro modificando a busca em profundidade para tentar todos os caminhos possíveis.



	1	2	3	4	5	6
0	1				2	6
1		1	2	4		
2				4		
3				2	1	
4					2	1
5						

Exemplo: Ciclo Hamiltoniano

- A árvore de caminhamento é:



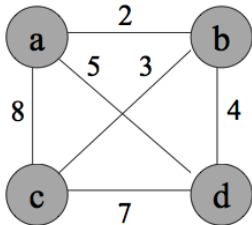
- Existem duas respostas: $[0 \ 5 \ 3 \ 1 \ 2 \ 4 \ 6 \ 0]$ e $[0 \ 6 \ 4 \ 2 \ 1 \ 3 \ 5 \ 0]$.
- Para um grafo completo, que contém arestas ligando todos os pares de vértices, existem $O(n!)$ ciclos simples.

Backtracking e branch-and-bound

- O algoritmo de *backtracking* é útil para problemas de decisão, mas não foi planejado para problemas de otimização.
- Mesmo assim, podemos estender o algoritmo de *backtracking* para trabalhar com problemas de otimização.
- Ao fazer isso, obteremos o padrão de algoritmos chamado de *branch-and-bound*.
- O *branch-and-bound* não termina ao achar a primeira solução. Ele continua até a **melhor** solução ser encontrada.
- O algoritmo tem um mecanismo de pontuação, que encerra a tentativa tão logo se saiba que a mesma não levará a uma solução melhor (problemas de minimização no caso).

Exemplo: Caixeiro viajante

- Dadas n cidades com distâncias conhecidas entre cada par, encontrar o trajeto mais curto que passe por todas as cidades exatamente uma vez antes de retornar a cidade de origem.
- Alternativamente: encontrar o ciclo Hamiltoniano mais curto em um grafo conectado e ponderado.

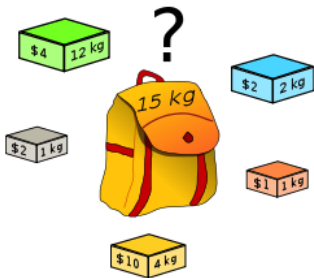


Trajeto	Custo
• $a \rightarrow b \rightarrow c \rightarrow d \rightarrow a$	$2+3+7+5 = 17$
• $a \rightarrow b \rightarrow d \rightarrow c \rightarrow a$	$2+4+7+8 = 21$
• $a \rightarrow c \rightarrow b \rightarrow d \rightarrow a$	$8+3+4+5 = 20$
• $a \rightarrow c \rightarrow d \rightarrow b \rightarrow a$	$8+7+4+2 = 21$ *
• $a \rightarrow d \rightarrow b \rightarrow c \rightarrow a$	$5+4+3+8 = 20$
• $a \rightarrow d \rightarrow c \rightarrow b \rightarrow a$	$5+7+3+2 = 17$

- Solução ineficiente: $O(n!)$

Exemplo: Problema da mochila

- Preencher uma mochila com objetos de diferentes pesos e valores. O objetivo é que se preencha a mochila com o maior valor possível, não ultrapassando seu peso máximo.



Solução: três caixas amarelas e três caixas cinzas; se apenas as caixas mostradas estiverem disponíveis, então todos, menos a caixa verde.

- Solução: Obter todos os subconjuntos ($= 2^n$) do conjunto de n itens dados, calculando o peso de cada um e separando os praticáveis. No fim, encontrar um subconjunto com o valor mais elevado entre eles.

Backtracking e branch-and-bound

- ❶ Listar todas as soluções potenciais para o problema de uma maneira sistemática.
 - Todas as soluções são eventualmente listadas.
 - Nenhuma solução é repetida.
- ❷ Avaliar as soluções, uma a uma, eliminando as não práticas e mantendo a melhor encontrada até o momento.
- ❸ Quando a busca terminar, anunciar o vencedor.

- Algoritmos de força bruta são executados em uma quantidade de tempo realista somente para instâncias pequenas.
- Em alguns casos, existem alternativas muito melhores, porém, em outros, a força bruta (ou variação) é a única opção para encontrar a solução exata.
- Viu-se que tanto para o problema do caixeiro viajante quanto da mochila, a força bruta leva a algoritmos ineficientes.
- Por outro lado, a computação ainda não conhece algoritmos eficientes para resolvê-los.
- Esse tipo de problema é conhecido como *NP*-Difícil e será melhor definido mais a frente.

- O uso desse paradigma geralmente leva a soluções eficientes e elegantes, em especial quando é utilizado recursivamente.
- **Ideia:**
 - 1 **Dividir** o problema em um ou mais subproblemas.
 - 2 **Conquistar** os subproblemas, resolvendo-os recursivamente.
Se os tamanhos dos subproblemas forem pequenos o bastante, basta resolvê-los de forma direta.
 - 3 **Combinar** as soluções encontradas dos subproblemas, a fim de forma uma solução para o problema original.

Exemplo: Máximo e mínimo

- Considere o algoritmo abaixo para obter o maior e o menor elemento de um vetor de inteiros $v[1..n]$, $n \geq 2$.

```
MAXMIN (A, low, high)
1.   if (high - low + 1 = 2) then
2.       if (A[low] < A[high]) then
3.           max = A[high]; min = A[low]
4.       else
5.           max = A[low]; min = A[high]
6.       end if
7.   else
8.       mid = (low + high)/2
9.       (max_l, min_l) = MAXMIN(A, low, mid)
10.      (max_r, min_r) = MAXMIN(A, mid + 1, high)
11.      Set max to the larger of max_l and max_r
12.      Set min to the smaller of min_l and min_r
13.  end if
14.  return((max, min))
```

Exemplo: Máximo e mínimo

- Seja $T(n)$ uma função de complexidade tal que $T(n)$ é o número de comparações entre os n elementos de v .

Logo,

$$T(n) = \Theta(1), \quad \text{para } n \leq 2$$

$$T(n) = T(n/2) + T(n/2) + \Theta(1), \quad \text{para } n > 2$$

$$T(n) = 2T(n/2) + \Theta(1), \quad \text{para } n > 2$$

- De acordo com o Teorema Mestre, o algoritmo é eficiente, com complexidade no tempo $T(n) = \Theta(n)$.

Exemplo: Máximo e mínimo

- O algoritmo MAXMIN recursivo tem o mesmo comportamento assintótico de um simples algoritmo iterativo.
- No entanto, a tendência é que o MAXMIN recursivo apresente um pior desempenho na prática.
- A cada chamada do procedimento, o compilador salva em uma estrutura de dados os valores de *low*, *high*, *min* e *max*, além do endereço de retorno da chamada para o procedimento.
- **Devemos evitar uso de recursividade quando existe uma solução óbvia por iteração.**

- O algoritmo MAXMIN divide o problema em subproblemas de mesmo tamanho.
- Este é um aspecto importante no projeto de algoritmos:
Procurar sempre manter o **balanceamento** na subdivisão de um problema em partes menores.
- No problema de ordenação, o efeito provocado pelo princípio do balanceamento é bem nítido.
- Como exemplo, vamos analisar o comportamento do algoritmo de ordenação QuickSort.

Exemplo: QuickSort

- O QuickSort é o algoritmo de ordenação mais rápido para a maioria das aplicações práticas existentes.
- A chave do QuickSort é uma rotina que escolhe o elemento pivô e o coloca na sua posição correta.
- Após particionar o vetor em dois (elementos à esquerda e à direita do pivô), os segmentos são ordenados recursivamente, primeiro o da esquerda e depois o da direita.
- Seu tempo de execução depende do particionamento do vetor: balanceado (melhor caso) ou não balanceado (pior caso).

Particionamento não balanceado

- O comportamento do QuickSort no pior caso ocorre quando a sua rotina interna produz um segmento com $n - 1$ elementos e outro com 0 (zero) elementos em cada nível recursivo.
- Nesse caso, a fórmula de recorrência para o algoritmo assume a seguinte forma:

$$T(0) = \Theta(1)$$

$$T(1) = \Theta(1)$$

$$T(n) = T(n - 1) + T(0) + \Theta(n)$$

$$T(n) = T(n - 1) + \Theta(n), \text{ para } n > 1$$

- Resolvendo a formulação acima, obtém-se $O(n^2)$.
- Por exemplo, quando o vetor de entrada já está ordenado e o pivô é o último elemento.

Particionamento balanceado

- O comportamento no melhor caso ocorre quando a sua rotina interna produz dois segmentos, cada um de tamanho não maior que a metade de n em cada nível recursivo.
- Nesse caso, a fórmula de recorrência para o algoritmo assume a seguinte forma:

$$T(1) = \Theta(1)$$

$$T(n) = T\left(\frac{n}{2}\right) + T\left(\frac{n}{2}\right) + \Theta(n)$$

$$T(n) = 2T\left(\frac{n}{2}\right) + \Theta(n), \text{ para } n > 1$$

- Resolvendo a formulação acima, obtém-se $O(n \log n)$.
- Por exemplo, quando o vetor de entrada já está ordenado e o pivô é o elemento do meio.

- A divisão e conquista é uma técnica recursiva e, por isso, descendente, em que o balanceamento é útil.
- Decompõe sucessivamente um problema em subproblemas independentes triviais, resolvendo-os e combinando suas soluções em uma solução para o problema original.
- Por exemplo, no QuickSort, o balanceamento dos tamanhos dos subproblemas levou a um resultado muito superior.
- Saiu-se de uma complexidade $O(n^2)$ para uma complexidade $O(n \log n)$ considerando valores grandes de n .

- Os algoritmos gulosos são tipicamente usados para resolver problemas de otimização.
- **Ideia:** Quando temos uma escolha a fazer, fazemos aquela que pareça ser a melhor no momento.
- Ou seja, fazemos uma escolha ótima local, na esperança de obter uma solução ótima global.
- Os algoritmo gulosos nem sempre levam a uma solução ótima, mas as vezes sim.
- Exemplos: árvore geradora mínima, caminho mínimo a partir de uma fonte, compressão/codificação de dados.

- A estratégia gulosa sugere construir uma solução através de uma sequência de passos, cada um expandindo uma solução parcialmente construída até o momento, até uma solução completa para o problema ser obtida.
- Em cada passo - e este é o ponto central desta técnica - a escolha deve ser feita:
 - **Possível:** Deve satisfazer as restrições do problema;
 - **Localmente ótima:** Deve ser a melhor escolha local dentre todas as escolhas disponíveis naquela passo;
 - **Irreversível:** Uma vez feita, ela não pode ser alterada nos passos subsequentes do algoritmo.

- **Problema geral:** Dado um conjunto C , determine um subconjunto $S \subseteq C$ tal que:
 - S satisfaz uma dada propriedade P , e
 - S é mínimo (ou máximo) em relação a algum critério α .
- O algoritmo guloso para resolver o problema geral consiste em um processo iterativo em que S é construído adicionando-se ao mesmo elementos de C um a um.

- Quando o algoritmo guloso genérico funciona corretamente, a primeira solução encontrada é sempre ótima.

Conjunto guloso (C)

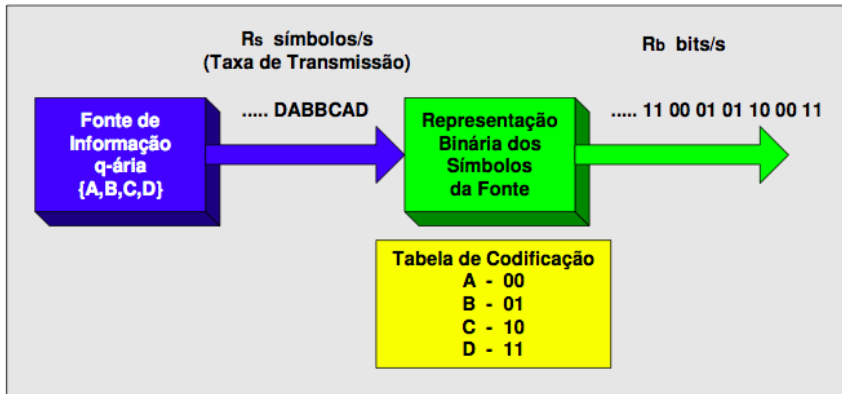
// C : conjunto de candidatos

1. $S = 0$ // S é o conjunto solução
2. enquanto (C não for vazio)
3. $x = \text{seleciona}(C)$
4. $C = C - x$
5. se $((S + x)$ for viável) então $S = S + x$
6. se (solução (S))
7. então retorna (S)
8. senão retorna ("Não existe solução")

- No início, o conjunto S de candidatos escolhidos está vazio.
- A cada passo, o melhor candidato restante ainda não tentado é considerado. O critério de escolha é ditado por uma função de seleção relacionada com um objetivo (max/min).
- Se o conjunto aumentado de candidatos se torna inviável, o candidato é rejeitado. Senão, o candidato é adicionado ao conjunto S de candidatos escolhidos.
- Lembrando que S pode ser, ou não, uma solução ótima.

- A compressão de dados consiste em representar o texto (i.e. sequência de símbolos) original usando menos espaço.
- Para isso, basta substituir os símbolos do texto por outros que possam ser representados usando um número menor de *bits*.
- O arquivo comprimido ocupa menos espaço (armazenamento); leva menos tempo para ser lido do disco, ou transmitido por um canal de comunicação; e para ser pesquisado.

Compressão de dados



- Exemplo: Tem-se um arquivo com 100.000 caracteres e deseja-se armazená-lo compactado.

Tabela: 1

	A	B	C	D	E	F
Frequência (x1000)	45	13	12	16	9	5
Código de comprimento fixo	000	001	010	011	100	101
Código de comprimento variável	0	101	100	111	1101	1100

- A Tabela 1 traz um arquivo de dados com 100.000 caracteres que contém no seu alfabeto os caracteres [A..F].
- Se cada caractere for representado com um código de 3 bits, será necessário 300.000 *bits* para codificar o arquivo.
- Em geral, os caracteres do alfabeto não são equiprováveis, ou seja, possuem diferentes probabilidades de ocorrência.
- Logo, é razoável pensar em códigos de comprimento variável, atribuindo códigos mais curtos a caracteres mais frequentes.
- Por exemplo, usando o código de comprimento variável da Tabela 1, é possível codificar o arquivo com 224.000 *bits*.

Caractere	Prob.(%)	Cód.I	Cód.II	Cód.III	Cód.IV
A	50	00	0	0	0
B	25	01	1	10	01
C	15	10	00	110	011
D	10	11	11	111	0111

- O Código II parece ser o mais eficiente. Porém, ao contrário dos demais, ele não é univocamente descodificável.
- No Código IV, o bit 0 funciona como separador. Assim, cada palavra de código é descodificada com atraso de 1 bit.
- Já os Códigos I e III são **códigos de prefixo**, ou seja, são univocamente descodificáveis e possuem descodificação instantânea.

Caractere	Prob.(%)	Cód.I	Cód.II	Cód.III	Cód.IV
A	50	00	0	0	0
B	25	01	1	10	01
C	15	10	00	110	011
D	10	11	11	111	0111
\bar{L}	-	2	1,25	1,75	1,875

- O Código III apresentou um comprimento médio \bar{L} menor que o do Código I, o que o torna mais eficiente.

$$\bar{L} = \sum_{c=1}^n l_c p_c \text{ bits/símbolo, onde}$$

l_c é o tamanho da palavra binária que representa o caractere c e p_c é a probabilidade de ocorrência do caractere c .

Exemplo – Considere uma fonte discreta que emite 4 possíveis símbolos a uma taxa de 200 símbolos/s

SÍMBOLO DA FONTE	PROBABILIDADE DE OCORRÊNCIA	REPRESENTAÇÃO BINÁRIA USUAL	REPRESENTAÇÃO BINÁRIA ALTERNATIVA
A	50%	00	0
B	25%	01	10
C	15%	10	110
D	10%	11	111

$$\bar{L} = 2 \text{ bits/símbolo}$$

$$R_b = 400 \text{ bits/s}$$

$$\bar{L} = 1,75 \text{ bits/símbolo}$$

$$R_b = 350 \text{ bits/s}$$

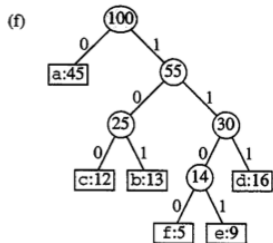
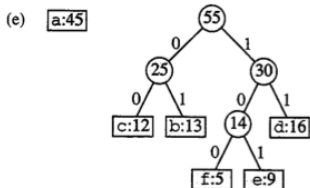
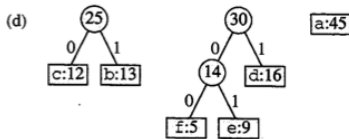
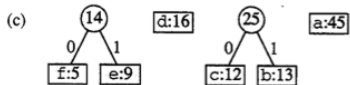
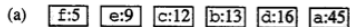
CÓDIGO MAIS EFICIENTE

- **Código de Huffman:** Algoritmo eficiente e amplamente utilizado para compressão de dados.
- Sua ideia principal consiste em atribuir códigos mais curtos a símbolos com frequências mais altas.
- Associa códigos binários únicos e de tamanho variável a cada símbolo diferente do alfabeto.
- É gerada uma **árvore binária de prefixo ótima** ao final, ou seja, de comprimento médio mínimo: **Árvore de Huffman**.

O algoritmo de Huffman é **guloso** e consiste dos seguinte passos em um alfabeto de c caracteres:

- 1 Manter uma floresta de árvores com peso igual à soma das frequências de suas folhas.
- 2 Selecionar as árvores T_i e T_k de menores pesos e formar uma nova árvore com T_i e T_k .
- 3 Repetir o passo anterior, até obter a árvore binária final.

Código de Huffman



- Calculando quantos são os bits necessários para armazenar o arquivo com o código prefixo ótimo obtido pelo algoritmo de Huffman:

$$(45 \times 1 + 13 \times 3 + 12 \times 3 + 16 \times 3 + 9 \times 4 + 5 \times 4) \times 1.000 \\ = 224.000 \text{ bits},$$

o que representa uma economia de aproximadamente 25%, quando comparado com a codificação de comprimento fixo apresentada na Tabela 1.

- No algoritmo abaixo, assume-se que C é um conjunto de n caracteres e que cada caractere $c \in C$ é um objeto com um atributo $c.freq$ que dá a sua frequência.

HUFFMAN (C)

1. $n = |C|$
2. $Q = C$
3. para $i = 1$ até $n - 1$
4. Aloca um novo nó z
5. $z.esquerda = x = \text{Extract-min}(Q)$
6. $z.direita = y = \text{Extract-min}(Q)$
7. $z.freq = x.freq + y.freq$
8. $\text{Insert}(Q, z)$
9. retorna $\text{Extract-min}(Q)$ // raiz da árvore

- A complexidade no tempo é $O(n \log n)$ considerando a fila de prioridade Q implementada com *heap* binário.

- A eficiência da codificação de Huffman pode ser melhorada se considerarmos extensões de fonte de ordem superior.
- Por exemplo, considere, a princípio, a codificação abaixo.

Caractere	Código	Probabilidade	Tamanho
M1	0	0,70	1
M2	10	0,15	2
M3	11	0,15	2

- $\bar{L} = 1,3 \text{ bits/símbolo}$. Considerando a representação usual com 2 *bits*, economia de 35%.

- Agora, a extensão de 2ª ordem do alfabeto original:

Caractere	Código	Probabilidade	Tamanho
M1M1	1	0,49	1
M1M2	010	0,105	3
M2M1	001	0,105	3
M1M3	000	0,105	3
M3M1	0111	0,105	4
M2M2	011011	0,0225	6
M2M3	011010	0,0225	6
M3M2	011001	0,0225	6
M3M3	011000	0,0225	6

- $\bar{L} = 2,395$ *bits*/símbolo. Considerando a representação usual com 4 *bits*, economia de aproximadamente 40%.

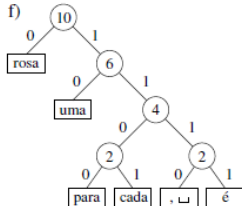
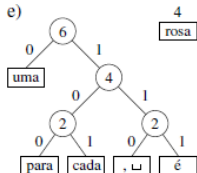
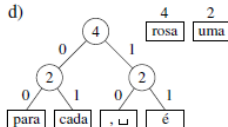
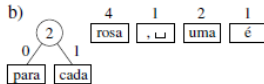
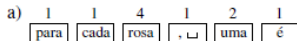
- O código da fonte original proporcionou uma economia de 35%, já o código do alfabeto estendido em 2ª ordem trouxe uma economia de 40%.
- Uma forma melhor de aliar os algoritmos de compressão às necessidades dos sistemas de recuperação de informação é considerar **palavras** como símbolos, e não caracteres.
- O método de Huffman baseado em palavras permite acesso randômico a palavras dentro do texto comprimido, que é um aspecto crítico em sistemas de recuperação de informação.
- Nesse caso, a tabela de símbolos do codificador é exatamente o vocabulário do texto. Isso permite uma integração natural entre o método de compressão e o arquivo invertido.

- Codificação de Huffman baseada em palavra:

O método considera cada palavra diferente do texto em linguagem natural como um símbolo, conta suas frequências e gera um código de Huffman para as palavras. A seguir, comprime o texto substituindo cada palavra pelo seu código.

- Caso uma palavra seja seguida de um espaço, então, somente a palavra é codificada. Caso contrário, a palavra e o separador são codificados separadamente.
- Na decodificação, supõe-se que um espaço simples segue cada palavra, a não ser que o próximo símbolo seja um separador.

Exemplo: “para cada rosa rosa, uma rosa é uma rosa”



- O método de Huffman codifica um texto de forma a obter-se uma compactação ótima usando códigos de prefixo.
- De posse da árvore de prefixo correspondente, o processo de codificação ou decodificação pode ser realizado em tempo linear no tamanho da sequência binária codificada.
- Possibilidade de realizar casamento de cadeia diretamente no texto comprimido, que é uma pesquisa bem mais rápida dado que menos *bytes* têm que ser lidos.
- Permite acesso direto a qualquer parte do texto comprimido, iniciando a descompressão a partir da parte acessada. Isto é, não precisa descomprimir o texto desde o início.

- A maior dificuldade em usar Huffman é a necessidade de se conhecer *a priori* ou estimar as probabilidades dos símbolos que compõem a sequência que se pretende codificar.
- Outra desvantagem é que tanto o *encoder* quando o *decoder* precisam conhecer a árvore de codificação.

Exercício 1

- Uma fonte de informação emite 1.000 símbolos/segundo. As probabilidades de ocorrência de cada símbolo do alfabeto são mostradas na tabela abaixo.

Símbolo da fonte	Probabilidade de ocorrência
A	0,4
B	0,2
C	0,2
D	0,1
E	0,1

- a. Construa uma tabela de codificação usando Huffman.
- b. Calcule o comprimento médio do código gerado.
- c. Calcule a taxa média de transmissão em *bits*/segundo após a codificação da fonte.

Exercício 2

- Suponha que a tabela a seguir apresenta a frequência de cada letra de um alfabeto em uma *string*.

Quantos *bits* seriam necessários para representar essa *string* usando um código de Huffman?

Letra	A	B	C	D	E	F
Frequência	20	10	8	5	4	2

- (A) 392.
- (B) 147.
- (C) 113.
- (D) 108.
- (E) 49.

Exercício 3

- Suponha o texto S :

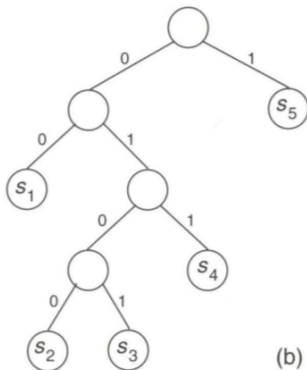
$S = [s_4 \ s_3 \ s_3 \ s_1 \ s_3 \ s_1 \ s_4 \ s_5 \ s_1 \ s_3 \ s_3 \ s_3 \ s_3 \ s_2 \ s_3 \ s_5 \ s_2 \ s_2 \ s_2 \ s_4]$

e os códigos dados pela árvore de prefixo T abaixo.

símbolo *código*

s_1	00
s_2	0100
s_3	0101
s_4	011
s_5	1

(a)



(b)

- a. Quantos dígitos binários são necessários para codificar o texto S usando a árvore de prefixo T ?
- b. O comprimento da sequência binária produzida no item (a) é mínimo considerando códigos de prefixo? Ou seja, é possível codificar o texto S com um número menor de dígitos usando uma árvore binária de prefixo? Explique.

- Para resolver um problema de otimização, o algoritmo guloso escolhe, em cada iteração, o objeto mais “promissor” para fazer parte da solução.
- Um algoritmo guloso toma decisões com base nas informações disponíveis na iteração corrente, sem olhar as consequências que essas decisões (viáveis) terão no futuro.
- Um algoritmo guloso jamais se arrepende ou volta atrás, ou seja, as escolhas que faz em cada iteração são definitivas.
- Os algoritmos gulosos são muito rápidos e eficientes. Contudo, os problemas que admitem soluções gulosas são raros.

- Como visto anteriormente, os problemas de otimização nos pedem que achemos a melhor solução possível, respeitando algumas restrições.
- O *branch-and-bound* busca por todas as soluções possíveis e seleciona a melhor.
 - Sempre retorna a resposta correta, mas é inviável para problemas com instâncias grandes.
- Algoritmos gulosos fazem sempre a melhor escolha em cada ponto de decisão.
 - Sem provas de corretude simples, normalmente falham em obter a melhor solução.
- Já a programação dinâmica é uma técnica de programação ascendente que armazena resultados parciais para acelerar algoritmos recursivos.

- A programação dinâmica (PD) é um nome fantasia para “recursão com apoio de uma tabela”.
- Em vez de resolver subproblemas de forma recursiva, vamos resolvê-los sequencialmente e armazenar suas soluções em uma tabela.
- O truque é resolvê-los de maneira que quando a solução de um subproblema seja novamente requerida, esta já esteja disponível na tabela.

- O que um problema de otimização deve ter para que a PD seja aplicável são duas características principais:
 - Subestrutura ótima (ou otimalidade); e
 - Superposição de subproblemas.
- Um problema apresenta uma **subestrutura ótima** quando sua solução ótima contém nela próprias soluções ótimas para subproblemas do mesmo tipo.
- A **superposição de subproblemas** surge quando o algoritmo recursivo reexamina o mesmo subproblema muitas vezes.
- Nesses casos, faz sentido calcular cada solução pela primeira vez e armazená-la em uma tabela para uso posterior, ao invés de recalculá-la recursivamente sempre que for necessário.

- A sequência de Fibonacci F é dada por:

$$F_i = F_{i-1} + F_{i-2}$$

$$F_0 = 0$$

$$F_1 = 1$$

- A sequência de Fibonacci foi inicialmente proposta e estudada por Leonardo Fibonacci no contexto de reprodução animal.
- Esse padrão numérico tem aplicações na computação, análise de mercados financeiros, teoria dos jogos, entre outras.

- Algoritmo recursivo para calcular $fib(n)$:

$fib(n)$

1. se $(n = 0 \text{ ou } n = 1)$
2. então retorna (n)
3. senão retorna $(fib(n - 2) + fib(n - 1))$

- A relação de recorrência assume a fórmula:

$$T(0) = 0$$

$$T(1) = 1$$

$$T(n) = T(n - 2) + T(n - 1), \text{ para } n \geq 2$$

- Limite inferior para $T(n)$:

$$T(n) \geq T(n-2) + T(n-2) = 2T(n-2)$$

$$T(n) \geq 4T(n-4)$$

$$T(n) \geq 8T(n-6)$$

...

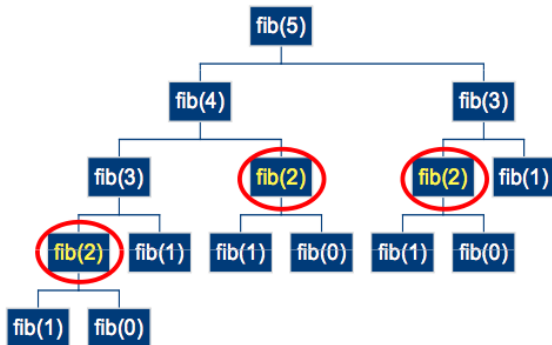
$$T(n) \geq 2^k T(n-2k)$$

- A expansão para quando $n - 2k = 1$, ou seja, $k = \frac{n-1}{2}$.

$$\text{Logo, } T(n) \geq 2^{\frac{n-1}{2}}$$

- Conclui-se que esse algoritmo recursivo é ineficiente, levando um tempo exponencial para calcular $\text{fib}(n)$.

Sequência de Fibonacci



- Por exemplo, para calcular $fib(5)$, chamamos 3 (três) vezes o subproblema do mesmo tipo $fib(2)$.
- Contudo, é possível desenvolver um algoritmo eficiente (em tempo linear) armazenando os valores das instâncias menores e não os recalculando.

Sequência de Fibonacci

- Programação dinâmica: Armazena os valores das entradas menores e não os recalcula.

Fibonacci(n)

1. se ($n = 0$ ou $n = 1$)
2. então retorna (n)
3. senão
4. $F1 = 0$
5. $F2 = 1$
6. para $i = 1$ até $n - 1$ faça
7. $F = F1 + F2$
8. $F1 = F2$
9. $F2 = F$
10. retorna (F)

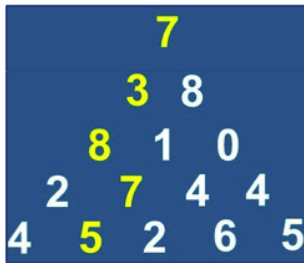
- O algoritmo mantém sempre em memória os dois últimos números da sequência e é executado em $O(n)$.

Pirâmide de números

- Pirâmide de números é um problema clássico das Olimpíadas Internacionais de Informática de 1994.
- Objetivo: Calcular a rota, que começa no topo da pirâmide e acaba na base, com **maior soma**. Em cada passo, podemos ir diagonalmente para baixo e para a esquerda ou para baixo e para a direita.



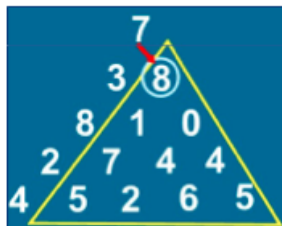
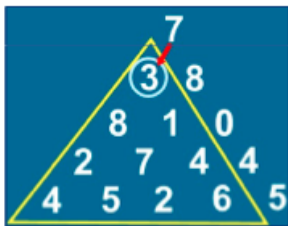
Soma = 21



Soma = 30

Pirâmide de números

- Quando estamos no topo da pirâmide, temos duas decisões possíveis (esquerda ou direita):



- Mas o que nos interessa saber sobre essas subpirâmides?
- Apenas interessa o valor da sua “melhor” rota interna, que é uma instância menor do mesmo problema.
- Para o exemplo, a solução é 7 mais o máximo entre o valor da melhor rota de cada uma das subpirâmides.

Pirâmide de números

- Então, o problema pode ser resolvido recursivamente.

Max(i,j)

% P[i,j] : j-ésimo número da i-ésima linha

% n : altura da pirâmide

1. se (i = n)

2. então soma = P[i,j]

3. senão

4. esq = Max(i+1,j)

5. dir = Max(i+1,j+1)

6. se (esq > dir)

7. então soma = P[i,j] + esq

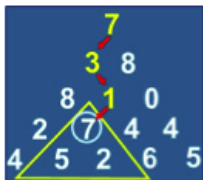
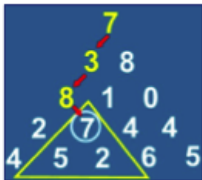
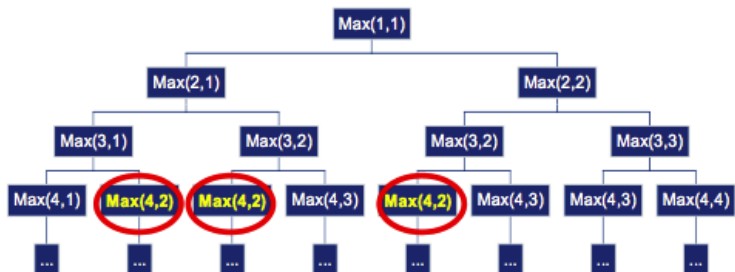
8. senão soma = P[i,j] + dir

9. retorna (soma)

- Para resolver o problema basta executar $Max(1,1)$.

Pirâmide de números

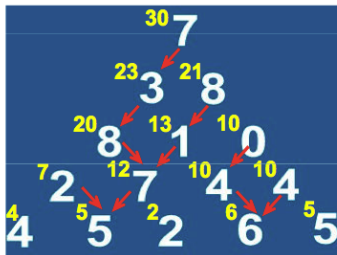
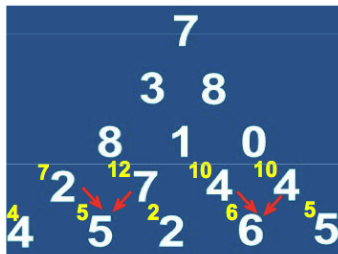
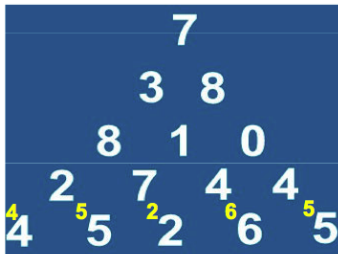
- O algoritmo recursivo tem crescimento exponencial: $O(2^n)$.
Note que o mesmo subproblema é calculado várias vezes.



- O problema das pirâmides apresenta as características para ser resolvido com PD: **subestrutura ótima** e **superposição de subproblemas**.
- A solução ótima contém nela própria os melhores percursos de subpirâmides, ou seja, soluções ótimas de subproblemas.
- Para uma dada instância do problema, muitos subproblemas que aparecem são coincidentes.
- A ideia é guardar o valor calculado para cada subproblema em uma tabela para, quando for o caso, reaproveitá-lo.

Pirâmide de números

- Começar a partir do fim!



Pirâmide de números

- Tendo em conta a maneira como preenchemos a tabela, é possível aproveitar a matriz P .

Calcular(n)

% n : altura da pirâmide

1. Para $i = n - 1$ até 1

2. Para $j = 1$ até i

3. $esq = P[i+1, j]$

4. $dir = P[i+1, j+1]$

5. se ($esq > dir$)

6. então $P[i, j] = P[i, j] + esq$

7. senão $P[i, j] = P[i, j] + dir$

- Assim, a solução fica em $P[1, 1]$, sendo $n > 1$.
- E o tempo necessário para resolver o problema cresce de forma quadrática: $O(n^2)$.

Pirâmide de números

- Para saber a constituição da melhor solução, basta usar a tabela já calculada.



- Quando o algoritmo recursivo tem complexidade exponencial, a técnica de PD pode levar a um algoritmo mais eficiente.
- Para resolver os problemas da pirâmide de números e da sequência de Fibonacci usamos PD.
- A PD calcula a solução para todos os subproblemas, partindo dos subproblemas menores para os maiores, armazenando os resultados em uma tabela.
- A vantagem é que uma vez que um subproblema é resolvido, sua resposta é guardada em uma tabela e ele nunca mais é recalculado.

- Problemas que podem ser resolvidos em tempo polinomial são considerados tratáveis, enquanto problemas que só podem ser resolvidos por algoritmos exponenciais são intratáveis.
- Problemas considerados intratáveis são comuns na natureza e nas diversas áreas do conhecimento.
- Um exemplo é o Problema do Caixeiro Viajante (PCV), cuja complexidade no tempo dos melhores algoritmos conhecidos para resolvê-lo é $O(n!)$.

- Diante de um problema considerado intratável é comum não exigir que o algoritmo sempre obtenha a solução ótima.
- Normalmente, procuramos por algoritmos **eficientes** que não garantem a solução ótima, mas tentam encontrar uma solução que seja a mais próxima possível do ótimo.
- Para isso, existem dois tipos de algoritmos: heurísticas e algoritmos aproximados.

- Uma **heurística** é um algoritmo que pode produzir um bom resultado, até mesmo a solução ótima, mas pode também não produzir solução alguma ou uma solução distante do ótimo.
- Na heurística não existe comprometimento com a qualidade dos resultados produzidos.
- Um **algoritmo aproximado** gera soluções aproximadas dentro de um limite para a razão entre a solução ótima e a produzida pelo algoritmo aproximado.
- O comportamento dos algoritmos aproximados é monitorado do ponto de vista da qualidade dos resultados.

- Seja I uma instância de um problema P e seja $S^*(I)$ o valor da solução ótima para I .
- Um algoritmo aproximado A gera uma solução possível para I cujo valor $S(I)$ é pior do que o valor ótimo $S^*(I)$.
- Dependendo do problema, o objetivo será por minimizar ou maximizar $S(I)$.
- Por exemplo, em um problema de minimização (p.e. PCV), $0 < S^*(I) \leq S(I)$ e a ideia do algoritmo aproximado é obter uma $S(I)$ o mais próximo possível de $S^*(I)$.

- O comportamento do algoritmo aproximado A é descrito pela razão de aproximação:

$$R_A(I) = \frac{S(I)}{S^*(I)},$$

que representa um problema de minimização (no caso de um problema de maximização, a razão é invertida). Em ambos os casos, $R(I) \geq 1$. Com $R(I) = 1$, tem-se uma solução ótima.

- Para muitos problemas, foram desenvolvidos algoritmos de aproximação de tempo polinomial com pequenas razões de aproximação constantes.
- Enquanto, para outros problemas, os melhores algoritmos de aproximação de tempo polinomial conhecidos têm razões de aproximação que crescem em função da entrada n .
- Em alguns casos, é possível alcançar razões de aproximação cada vez menores, usando mais tempo de computação.
- Isto é, existe um compromisso entre tempo de computação e qualidade de aproximação.