

# Análises Iniciais - SRAG 2009 a 2019

15/06/2021

Neste relatório iremos analisar as variáveis “classi\_fin” e “evolução” da base SRAG dos anos de 2009 a 2019.

## Filtros

Primeiro vamos selecionar os casos em que o sexo seja “F”(Feminino) e o paciente seja gestante ou puérpera. Vamos criar uma variável que vai indicar se a pessoa é gestante ou puérpera nos casos onde a variável “Puerpera” existe.

```
dados2009 <- filter(dados_2009, CS_SEXO == "F")
dados2010 <- filter(dados_2010, CS_SEXO == "F")
dados2011 <- filter(dados_2011, CS_SEXO == "F")
dados2012 <- filter(dados_2012, CS_SEXO == "F")
dados2013 <- filter(dados_2013, CS_SEXO == "F")
dados2014 <- filter(dados_2014, CS_SEXO == "F")
dados2015 <- filter(dados_2015, CS_SEXO == "F")
dados2016 <- filter(dados_2016, CS_SEXO == "F")
dados2017 <- filter(dados_2017, CS_SEXO == "F")
dados2018 <- filter(dados_2018, CS_SEXO == "F")
dados2019 <- filter(dados_2019, CS_SEXO == "F")
```

```
dados2009 <- dados2009 %>%
  mutate(
    classi_gesta = case_when(
      CS_GESTANT == 1 ~ "1tri",
      CS_GESTANT == 2 ~ "2tri",
      CS_GESTANT == 3 ~ "3tri",
      CS_GESTANT == 4 ~ "IG_ig",
      CS_GESTANT == 5 ~ "não",
      TRUE ~ NA_character_
    )
  )
```

```
dados2009 <- dados2009 %>%
  filter(!is.na(classi_gesta))
```

```
dados2010 <- dados2010 %>%
  mutate(
    classi_gesta = case_when(
      CS_GESTANT == 1 ~ "1tri",
      CS_GESTANT == 2 ~ "2tri",
      CS_GESTANT == 3 ~ "3tri",
      CS_GESTANT == 4 ~ "IG_ig",
      CS_GESTANT == 5 ~ "não",
```

```

    TRUE ~ NA_character_
  )
)

dados2010 <- dados2010 %>%
  filter(!is.na(classi_gesta))

dados2011 <- dados2011 %>%
  mutate(
    classi_gesta = case_when(
      CS_GESTANT == 1 ~ "1tri",
      CS_GESTANT == 2 ~ "2tri",
      CS_GESTANT == 3 ~ "3tri",
      CS_GESTANT == 4 ~ "IG_ig",
      CS_GESTANT == 5 ~ "não",
      TRUE ~ NA_character_
    )
  )
dados2011 <- dados2011 %>%
  filter(!is.na(classi_gesta))

# Criando a variável gestante_SN
dados2009 <- dados2009 %>%
  mutate(gestante_SN = ifelse(CS_GESTANT == 5, "não", "sim"))
dados2010 <- dados2010 %>%
  mutate(gestante_SN = ifelse(CS_GESTANT == 5, "não", "sim"))
dados2011 <- dados2011 %>%
  mutate(gestante_SN = ifelse(CS_GESTANT == 5, "não", "sim"))

#CONSIDERAR CASOS PUERPERAS DE 2012 ? (22 CASOS APENAS)
dados2012<- dados2012 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                    is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2012 <- dados2012 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2013<- dados2013 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                    is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2013 <- dados2013 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2014<- dados2014 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",

```

```

                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2014 <- dados2014 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2015<- dados2015 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2015 <- dados2015 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2016<- dados2016 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2016 <- dados2016 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2017<- dados2017 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2017 <- dados2017 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2018<- dados2018 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2018 <- dados2018 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

dados2019<- dados2019 %>%
  mutate(gest_puerp = case_when(CS_GESTANT == 1 | CS_GESTANT == 2 |
                                CS_GESTANT == 3 | CS_GESTANT == 4 ~ "Gestante",
                                PUERPERA == 1 & (CS_GESTANT > 3 |
                                                is.na(CS_GESTANT)) ~ "Puerpera",
                                TRUE ~ NA_character_))

dados2019 <- dados2019 %>%
  filter(!is.na(gest_puerp))

```

Table 1: Tabela de frequências para o diagnostico final 2009

	n	%
Descartado	5151	45.1
H1N1	5400	47.3
Outro	290	2.5
Sem informação	11	0.1
NA	561	4.9
Total	11413	100.0

## 2009

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2009 <- dados2009 %>%
  filter(gestante_SN=="sim")
dados2009 <- dados2009 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "H1N1",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outro",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Descartado",
                                CLASSI_FIN == 4 | CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                                TRUE ~ NA_character_))

#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
questionr::freq(
  dados2009$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para o diagnostico final 2009", digits = 2)

#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados2009, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados2009
##
## -----
##          evolucao          cura          obito          Total
##   classi_fin
##   Descartado      4291 ( 98.3%)      75 (1.7%)    4366 (100.0%)
##       H1N1      4844 ( 96.1%)     199 (3.9%)    5043 (100.0%)
##       Outro       240 ( 94.5%)      14 (5.5%)     254 (100.0%)
## Sem informação       10 (100.0%)       0 (0.0%)      10 (100.0%)
##       Total      9385 ( 97.0%)     288 (3.0%)    9673 (100.0%)
## -----
```

Table 2: Tabela de frequências para o diagnostico final 2010

	n	%
Descartado	903	75.0
H1N1	197	16.4
Outro	36	3.0
NA	68	5.6
Total	1204	100.0

## 2010

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2010 <- dados2010 %>%
  filter(gestante_SN=="sim")
dados2010 <- dados2010 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "H1N1",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outro",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Descartado",
                                CLASSI_FIN == 4 | CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                                TRUE ~ NA_character_))

#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
questionr::freq(
  dados2010$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para o diagnostico final 2010", digits = 2)

#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados2010, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados2010
##
## -----
##          evolucao          cura          obito          Total
##  classi_fin
##  Descartado          770 (93.9%)    50 ( 6.1%)    820 (100.0%)
##      H1N1            161 (84.3%)    30 (15.7%)    191 (100.0%)
##      Outro             31 (91.2%)     3 ( 8.8%)     34 (100.0%)
##      Total            962 (92.1%)    83 ( 7.9%)   1045 (100.0%)
## -----
```

Table 3: Tabela de frequências para o diagnostico final 2011

	n	%
Descartado	195	74.4
H1N1	22	8.4
Outro	25	9.5
Sem informação	1	0.4
NA	19	7.3
Total	262	100.0

## 2011

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2011 <- dados2011 %>%
  filter(gestante_SN=="sim")
dados2011 <- dados2011 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "H1N1",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outro",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Descartado",
                                CLASSI_FIN == 4 | CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                                TRUE ~ NA_character_))

#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
questionr::freq(
  dados2011$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para o diagnostico final 2011", digits = 2)

#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados2011, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados2011
##
## -----
##          evolucao      cura      obito      Total
##   classi_fin
##   Descartado      159 ( 95.2%)      8 ( 4.8%)  167 (100.0%)
##           H1N1       19 ( 90.5%)      2 ( 9.5%)   21 (100.0%)
##           Outro      21 ( 91.3%)      2 ( 8.7%)   23 (100.0%)
##   Sem informação      1 (100.0%)      0 ( 0.0%)    1 (100.0%)
##           Total      200 ( 94.3%)     12 ( 5.7%)  212 (100.0%)
## -----
```

Table 4: Tabela de frequências para evolucao 2012 gestantes

	n	%
Influenza	230	25.8
Não especificado	119	13.4
Outros agentes	476	53.5
Outros virus	33	3.7
Sem informação	2	0.2
NA	30	3.4
Total	890	100.0

## 2012

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2012 <- dados2012 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
                                CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
                                CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                                TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2012 <- dados2012 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2012$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2012 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2012, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))

## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2012
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      208 ( 96.3%)      8 (3.7%)      216 (100.0%)
##      Não especificado      87 ( 95.6%)      4 (4.4%)      91 (100.0%)
```

Table 5: Tabela de frequências para evolucao 2012 puérperas

	n	%
Influenza	2	9.1
Não especificado	19	86.4
Outros virus	1	4.5
Total	22	100.0

```
##      Outros agentes      394 ( 93.6%)    27 (6.4%)    421 (100.0%)
##      Outros virus       30 ( 96.8%)     1 (3.2%)     31 (100.0%)
##      Sem informação      1 (100.0%)     0 (0.0%)     1 (100.0%)
##      Total              720 ( 94.7%)    40 (5.3%)    760 (100.0%)
## -----
```

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2012 <- dados2012 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2012$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2012 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2012, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2012
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza           0 ( 0.0%)    1 (100.0%)    1 (100.0%)
##      Não especificado    12 (80.0%)    3 ( 20.0%)   15 (100.0%)
##      Outros virus        0 ( 0.0%)    0 ( 0.0%)    0 ( 0.0%)
##      Total              12 (75.0%)    4 ( 25.0%)   16 (100.0%)
## -----
```

## 2013

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2013 <- dados2013 %>%
```



Table 6: Tabela de frequências para evolucao 2013 gestantes

	n	%
Influenza	327	26.5
Não especificado	808	65.5
Outros agentes	7	0.6
Outros virus	68	5.5
Sem informação	13	1.1
NA	10	0.8
Total	1233	100.0

```
mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
                              CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
                              CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
                              CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
                              CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                              TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2013 <- dados2013 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2013$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2013 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2013, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2013
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      290 ( 93.9%)    19 ( 6.1%)    309 (100.0%)
##      Não especificado    692 ( 95.2%)    35 ( 4.8%)    727 (100.0%)
##      Outros agentes      5 ( 83.3%)     1 (16.7%)     6 (100.0%)
##      Outros virus      63 ( 96.9%)     2 ( 3.1%)    65 (100.0%)
##      Sem informação     10 (100.0%)     0 ( 0.0%)    10 (100.0%)
##      Total      1060 ( 94.9%)    57 ( 5.1%)   1117 (100.0%)
## -----
```

Table 7: Tabela de frequências para evolucao 2013 puérperas

	n	%
Influenza	16	8.2
Não especificado	162	82.7
Outros agentes	1	0.5
Outros virus	12	6.1
Sem informação	3	1.5
NA	2	1.0
Total	196	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2013 <- dados2013 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2013$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2013 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2013, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))

## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2013
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza          12 ( 80.0%)      3 ( 20.0%)     15 (100.0%)
##      Não especificado    123 ( 84.8%)     22 ( 15.2%)    145 (100.0%)
##      Outros agentes        1 (100.0%)      0 (  0.0%)      1 (100.0%)
##      Outros virus        10 ( 90.9%)      1 (  9.1%)     11 (100.0%)
##      Sem informação        0 (  0.0%)      2 (100.0%)      2 (100.0%)
##      Total             146 ( 83.9%)     28 ( 16.1%)    174 (100.0%)
## -----
```

## 2014

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2014 <- dados2014 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
```

Table 8: Tabela de frequências para evolucao 2014 gestantes

	n	%
Influenza	112	20.0
Não especificado	409	73.0
Outros agentes	5	0.9
Outros virus	21	3.8
Sem informação	4	0.7
NA	9	1.6
Total	560	100.0

```
CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2014 <- dados2014 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2014$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2014 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2014, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2014
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      101 (93.5%)    7 ( 6.5%)    108 (100.0%)
##      Não especificado    357 (92.7%)    28 ( 7.3%)    385 (100.0%)
##      Outros agentes      4 (80.0%)    1 (20.0%)    5 (100.0%)
##      Outros virus      17 (89.5%)    2 (10.5%)    19 (100.0%)
##      Sem informação      2 (66.7%)    1 (33.3%)    3 (100.0%)
##      Total      481 (92.5%)    39 ( 7.5%)    520 (100.0%)
## -----
```

Table 9: Tabela de frequências para evolucao 2014 puérperas

	n	%
Influenza	8	6.6
Não especificado	98	81.0
Outros agentes	3	2.5
Outros virus	8	6.6
NA	4	3.3
Total	121	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2014 <- dados2014 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2014$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2014 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2014, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2014
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza           7 ( 87.5%)    1 (12.5%)    8 (100.0%)
##      Não especificado      73 ( 82.0%)   16 (18.0%)   89 (100.0%)
##      Outros agentes         3 (100.0%)    0 ( 0.0%)    3 (100.0%)
##      Outros virus           7 ( 87.5%)    1 (12.5%)    8 (100.0%)
##      Total                90 ( 83.3%)   18 (16.7%)  108 (100.0%)
## -----
```

## 2015

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2015 <- dados2015 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
```

Table 10: Tabela de frequências para evolucao 2015 gestantes

	n	%
Influenza	56	16.6
Não especificado	259	76.9
Outros agentes	2	0.6
Outros virus	14	4.2
Sem informação	1	0.3
NA	5	1.5
Total	337	100.0

```
CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2015 <- dados2015 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2015$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2015 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2015, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2015
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      45 ( 90.0%)      5 (10.0%)      50 (100.0%)
##      Não especificado      221 ( 92.9%)      17 ( 7.1%)      238 (100.0%)
##      Outros agentes      1 (100.0%)      0 ( 0.0%)      1 (100.0%)
##      Outros virus      11 ( 84.6%)      2 (15.4%)      13 (100.0%)
##      Sem informação      1 (100.0%)      0 ( 0.0%)      1 (100.0%)
##      Total      279 ( 92.1%)      24 ( 7.9%)      303 (100.0%)
## -----
```

Table 11: Tabela de frequências para evolucao 2015 puérperas

	n	%
Influenza	7	7.5
Não especificado	73	78.5
Outros agentes	3	3.2
Outros virus	6	6.5
Sem informação	1	1.1
NA	3	3.2
Total	93	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2015 <- dados2015 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2015$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2015 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2015, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2015
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza          1 ( 50.0%)      1 ( 50.0%)      2 (100.0%)
##      Não especificado    54 ( 80.6%)     13 ( 19.4%)     67 (100.0%)
##      Outros agentes       0 (  0.0%)      1 (100.0%)      1 (100.0%)
##      Outros virus         3 ( 60.0%)      2 ( 40.0%)      5 (100.0%)
##      Sem informação       1 (100.0%)      0 (  0.0%)      1 (100.0%)
##      Total              59 ( 77.6%)     17 ( 22.4%)     76 (100.0%)
## -----
```

## 2016

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2016 <- dados2016 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
```

Table 12: Tabela de frequências para evolucao 2016 gestantes

	n	%
Influenza	509	32.4
Não especificado	963	61.2
Outros agentes	9	0.6
Outros virus	67	4.3
Sem informação	10	0.6
NA	15	1.0
Total	1573	100.0

```
CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2016 <- dados2016 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2016$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2016 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2016, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2016
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      459 ( 93.3%)    33 ( 6.7%)    492 (100.0%)
##      Não especificado      845 ( 94.0%)    54 ( 6.0%)    899 (100.0%)
##      Outros agentes      8 ( 88.9%)     1 (11.1%)     9 (100.0%)
##      Outros virus      63 ( 96.9%)     2 ( 3.1%)    65 (100.0%)
##      Sem informação      3 (100.0%)     0 ( 0.0%)     3 (100.0%)
##      Total      1378 ( 93.9%)    90 ( 6.1%)   1468 (100.0%)
## -----
```

Table 13: Tabela de frequências para evolucao 2016 puérperas

	n	%
Influenza	41	19.4
Não especificado	157	74.4
Outros agentes	2	0.9
Outros virus	7	3.3
Sem informação	1	0.5
NA	3	1.4
Total	211	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2016 <- dados2016 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2016$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2016 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2016, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2016
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza          33 (82.5%)    7 (17.5%)    40 (100.0%)
##      Não especificado    131 (92.3%)   11 ( 7.7%)   142 (100.0%)
##      Outros agentes       1 (50.0%)    1 (50.0%)    2 (100.0%)
##      Outros virus         5 (83.3%)    1 (16.7%)    6 (100.0%)
##      Sem informação       0 ( 0.0%)    0 ( 0.0%)    0 ( 0.0%)
##      Total              170 (89.5%)   20 (10.5%)   190 (100.0%)
## -----
```

## 2017

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2017 <- dados2017 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
```



Table 14: Tabela de frequências para evolucao 2017 gestantes

	n	%
Influenza	156	20.7
Não especificado	537	71.4
Outros agentes	6	0.8
Outros virus	43	5.7
Sem informação	4	0.5
NA	6	0.8
Total	752	100.0

```
CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2017 <- dados2017 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2017$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2017 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2017, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2017
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      148 ( 96.7%)    5 ( 3.3%)    153 (100.0%)
##      Não especificado      480 ( 94.9%)    26 ( 5.1%)    506 (100.0%)
##      Outros agentes      4 ( 80.0%)    1 (20.0%)    5 (100.0%)
##      Outros virus      40 ( 95.2%)    2 ( 4.8%)    42 (100.0%)
##      Sem informação      4 (100.0%)    0 ( 0.0%)    4 (100.0%)
##      Total      676 ( 95.2%)    34 ( 4.8%)    710 (100.0%)
## -----
```

Table 15: Tabela de frequências para evolucao 2017 puérperas

	n	%
Influenza	10	6.4
Não especificado	137	87.8
Outros agentes	3	1.9
Outros virus	4	2.6
Sem informação	1	0.6
NA	1	0.6
Total	156	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2017 <- dados2017 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2017$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2017 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2017, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2017
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza           7 ( 77.8%)    2 (22.2%)    9 (100.0%)
##      Não especificado    111 ( 86.0%)   18 (14.0%)   129 (100.0%)
##      Outros agentes      3 (100.0%)    0 ( 0.0%)    3 (100.0%)
##      Outros virus        3 ( 75.0%)    1 (25.0%)    4 (100.0%)
##      Sem informação      1 (100.0%)    0 ( 0.0%)    1 (100.0%)
##      Total              125 ( 85.6%)   21 (14.4%)   146 (100.0%)
## -----
```

## 2018

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2018 <- dados2018 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
```

Table 16: Tabela de frequências para evolucao 2018 gestantes

	n	%
Influenza	368	31.3
Não especificado	693	59.0
Outros agentes	5	0.4
Outros virus	83	7.1
Sem informação	3	0.3
NA	23	2.0
Total	1175	100.0

```
CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
TRUE ~ NA_character_))
```

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2018 <- dados2018 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2018$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2018 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2018, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2018
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      337 ( 95.7%)    15 ( 4.3%)    352 (100.0%)
##      Não especificado    605 ( 94.1%)    38 ( 5.9%)    643 (100.0%)
##      Outros agentes      5 (100.0%)     0 ( 0.0%)     5 (100.0%)
##      Outros virus      81 ( 98.8%)     1 ( 1.2%)    82 (100.0%)
##      Sem informação      1 ( 50.0%)     1 (50.0%)     2 (100.0%)
##      Total      1029 ( 94.9%)    55 ( 5.1%)   1084 (100.0%)
## -----
```

Table 17: Tabela de frequências para evolucao 2018 puérperas

	n	%
Influenza	17	11.4
Não especificado	121	81.2
Outros virus	8	5.4
NA	3	2.0
Total	149	100.0

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2018 <- dados2018 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2018$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2018 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2018, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2018
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza          15 ( 88.2%)    2 (11.8%)    17 (100.0%)
##      Não especificado    101 ( 91.8%)    9 ( 8.2%)   110 (100.0%)
##      Outros virus         8 (100.0%)    0 ( 0.0%)    8 (100.0%)
##      Total             124 ( 91.9%)   11 ( 8.1%)   135 (100.0%)
## -----
```

## 2019

```
#nova variável com label de classi_fin
dados2019 <- dados2019 %>%
  mutate(classi_fin = case_when(CLASSI_FIN == 1 ~ "Influenza",
                                CLASSI_FIN == 2 ~ "Outros virus",
                                CLASSI_FIN == 3 ~ "Outros agentes",
                                CLASSI_FIN == 4 ~ "Não especificado",
                                CLASSI_FIN == 9 ~ "Sem informação",
                                TRUE ~ NA_character_))
```

Table 18: Tabela de frequências para evolucao 2019 gestantes

	n	%
Influenza	302	27.7
Não especificado	669	61.3
Outros agentes	4	0.4
Outros virus	82	7.5
NA	34	3.1
Total	1091	100.0

## Gestantes

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_gest2019 <- dados2019 %>%
  filter(gest_puerp == "Gestante")
questionr::freq(
  dados_gest2019$classi_fin,
  cum = FALSE,
  total = TRUE,
  na.last = FALSE,
  valid = FALSE
) %>%
  kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2019 gestantes", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_gest2019, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_gest2019
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza      279 ( 96.2%)    11 (3.8%)    290 (100.0%)
##      Não especificado    577 ( 93.2%)    42 (6.8%)    619 (100.0%)
##      Outros agentes      3 (100.0%)     0 (0.0%)     3 (100.0%)
##      Outros virus      73 ( 97.3%)     2 (2.7%)    75 (100.0%)
##      Total      932 ( 94.4%)    55 (5.6%)    987 (100.0%)
## -----
```

## Puerpera

```
#tabela de frequencia para CLASSI_FIN
dados_puerp2019 <- dados2019 %>%
  filter(gest_puerp == "Puerpera")
questionr::freq(
  dados_puerp2019$classi_fin,
```

Table 19: Tabela de frequências para evolucao 2019 puérperas

	n	%
Influenza	23	10.4
Não especificado	172	77.5
Outros agentes	1	0.5
Outros virus	20	9.0
NA	6	2.7
Total	222	100.0

```
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para evolucao 2019 puérperas", digits = 2)
```

```
#tabela cruzada classi_fin e evolucao
with(dados_puerp2019, ctable(classi_fin, evolucao, prop="r", useNA = "no"))
```

```
## Cross-Tabulation, Row Proportions
## classi_fin * evolucao
## Data Frame: dados_puerp2019
##
## -----
##              evolucao      cura      obito      Total
##      classi_fin
##      Influenza          18 ( 90.0%)    2 (10.0%)    20 (100.0%)
##      Não especificado    145 ( 90.1%)   16 ( 9.9%)   161 (100.0%)
##      Outros agentes         1 (100.0%)    0 ( 0.0%)    1 (100.0%)
##      Outros virus         15 ( 88.2%)    2 (11.8%)   17 (100.0%)
##      Total              179 ( 89.9%)   20 (10.1%)  199 (100.0%)
## -----
```