

Spearman Correlation all

THP1_1e8_EukmRNADep_3_Probe_4A_10	0.73	0.28	0.7	0.8	0.31	0.5	0.77	0.33	0.21	0.98	0.98	0.97	0.97	0.97	0.87	0.97	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.47	0.97	0.96	0.98	0.98	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.73	0.96	0.97	0.99	0.99	1
THP1_1e8_EukmRNADep_2_Probe_4A_25	0.73	0.28	0.69	0.8	0.32	0.5	0.77	0.33	0.21	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.97	0.96	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.97	0.98	0.97	0.47	0.97	0.96	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.73	0.97	0.97	0.99	1	0.99
THP1_1e8_EukmRNADep_1_Probe_4A_50	0.72	0.28	0.7	0.8	0.31	0.51	0.77	0.33	0.21	0.97	0.97	0.97	0.98	0.97	0.87	0.96	0.96	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.47	0.96	0.95	0.98	0.99	0.98	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.73	0.96	0.96	1	0.99	0.99		
THP1_1e8_8_Probe_4A_50	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.48	0.78	0.32	0.22	0.97	0.97	0.97	0.97	0.98	0.87	0.98	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.99	0.99	0.98	0.98	0.98	0.46	0.99	0.98	0.94	0.95	0.94	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.98	1	0.96	0.97	0.97			
THP1_1e8_7_Probe_1	0.74	0.27	0.69	0.8	0.32	0.48	0.77	0.31	0.22	0.97	0.97	0.97	0.96	0.97	0.86	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.98	0.97	0.98	0.98	0.97	0.47	0.98	0.97	0.93	0.95	0.94	0.98	0.98	0.97	0.98	0.98	0.73	1	0.98	0.96	0.97	0.96				
THP1_1e8_6_Probe_None	0.56	0.24	0.53	0.6	0.27	0.41	0.56	0.27	0.19	0.73	0.73	0.73	0.73	0.73	0.66	0.72	0.72	0.73	0.73	0.73	0.73	0.73	0.74	0.74	0.73	0.73	0.73	0.4	0.73	0.72	0.71	0.72	0.71	0.74	0.73	0.73	0.73	0.73	0.74	1	0.73	0.73	0.73	0.73	0.73		
THP1_1e8_5_Probe_4A_10	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	1	0.99	0.99	1	0.74	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97				
THP1_1e8_4_Probe_4A_25	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.33	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.99	0.98	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.99	1	0.99	0.73	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97				
THP1_1e8_3_Probe_3A	0.74	0.27	0.69	0.81	0.32	0.49	0.78	0.35	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.97	0.97	0.98	0.98	0.98	0.99	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.47	0.98	0.97	0.94	0.95	0.94	0.99	0.99	1	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.97	0.97	0.97				
THP1_1e8_2_Probe_4A_10_16hr	0.75	0.27	0.7	0.82	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	1	1	0.99	0.99	1	0.73	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97				
THP1_1e8_1_Probe_4A_25_16hr	0.75	0.27	0.7	0.82	0.32	0.48	0.78	0.33	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.98	0.94	0.95	0.95	1	1	0.99	0.99	0.99	0.74	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97				
THP1_1e6_EukmRNADep_3_Probe_4A_10	0.71	0.28	0.69	0.78	0.3	0.51	0.75	0.33	0.21	0.96	0.96	0.96	0.96	0.95	0.85	0.95	0.95	0.95	0.95	0.96	0.96	0.96	0.95	0.95	0.95	0.95	0.46	0.94	0.93	0.97	0.97	1	0.95	0.95	0.94	0.95	0.95	0.71	0.94	0.94	0.98	0.98	0.97				
THP1_1e6_EukmRNADep_2_Probe_4A_25	0.72	0.28	0.7	0.79	0.31	0.51	0.76	0.34	0.21	0.96	0.96	0.96	0.96	0.96	0.86	0.96	0.95	0.96	0.96	0.96	0.96	0.96	0.96	0.96	0.96	0.95	0.46	0.95	0.94	0.98	1	0.97	0.95	0.96	0.95	0.96	0.96	0.72	0.95	0.95	0.99	0.98	0.98				
THP1_1e6_EukmRNADep_1_Probe_4A_50	0.71	0.28	0.7	0.78	0.31	0.51	0.75	0.33	0.21	0.96	0.96	0.96	0.96	0.95	0.86	0.95	0.94	0.95	0.95	0.95	0.96	0.95	0.95	0.95	0.95	0.95	0.46	0.94	0.93	1	0.98	0.97	0.94	0.95	0.94	0.95	0.95	0.71	0.93	0.94	0.98	0.98	0.98				
THP1_1e6_8_Probe_4A_50	0.74	0.27	0.7	0.8	0.32	0.48	0.77	0.32	0.22	0.97	0.97	0.96	0.96	0.97	0.86	0.97	0.96	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.46	0.97	1	0.93	0.94	0.93	0.98	0.97	0.97	0.98	0.97	0.72	0.97	0.98	0.95	0.96	0.96				
THP1_1e6_7_Probe_4A_100	0.75	0.27	0.71	0.81	0.32	0.48	0.78	0.33	0.22	0.98	0.98	0.97	0.97	0.98	0.87	0.98	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.47	1	0.97	0.94	0.95	0.94	0.98	0.98	0.98	0.99	0.98	0.73	0.98	0.99	0.96	0.97	0.97				
THP1_1e6_6_Probe_None	0.35	0.2	0.33	0.38	0.18	0.33	0.36	0.19	0.16	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.44	0.46	0.46	0.46	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	1	0.47	0.46	0.46	0.46	0.46	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.47	0.4	0.47	0.46	0.47	0.47	0.47		
THP1_1e6_5_Probe_1	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.35	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	1	0.47	0.98	0.97	0.95	0.95	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.97	0.97	0.97			
THP1_1e6_4_Probe_3D_10	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.35	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.98	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	1	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.98	0.98	0.97	0.98	0.97		
THP1_1e6_3_Probe_3D_25	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	1	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.98	0.98	0.97	0.97	0.97		
THP1_1e6_2_Probe_3D_50	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	1	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.74	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97			
THP1_1e6_1_Probe_3D_100	0.75	0.27	0.7	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.87	0.98	0.97	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	1	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.74	0.98	0.99	0.97	0.98	0.97				
Saliva_1e8_5_Probe_4A_10	0.74	0.27	0.69	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.21	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.88	0.98	0.97	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.96	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98			
Saliva_1e8_4_Probe_4A_25	0.74	0.27	0.69	0.81	0.32	0.49	0.78	0.34	0.22	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.88	0.98	0.97	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.96	0.96	0.96	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.73	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98			
Saliva_1e8_3_Probe_3A	0.74	0.27	0.69	0.82	0.32	0.49	0.78	0.35	0.21	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.88	0.98	0.97	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.96	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98			
Saliva_1e8_2_Probe_4A_10_16hr	0.74	0.27	0.69	0.81	0.32	0.49	0.77	0.34	0.21	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.88	0.98	0.97	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.99	0.99	0.47	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98			
Saliva_1e8_1_Probe_4A_25_16hr	0.74	0.27	0.69	0.81	0.32	0.48	0.77	0.34	0.21	0.98	0.98	0.98	0.99	0.99	0.87	0.97	0.96	1	1	1	1	1	1	0.99	0.99	0.98	0.98	0.46	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.99	0.99	0.98	0.99	0.99	0.73	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98			
Saliva_1e6_8_Probe_4A_10	0.74	0.28	0.7	0.79	0.32	0.5	0.77	0.34	0.23	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.88	0.99	1	0.96	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.46	0.97	0.96	0.94	0.95	0.95	0.97	0.97	0.97	0.97	0.97	0.72	0.97	0.97	0.96	0.96	0.97				
Saliva_1e6_7_Probe_4B_25	0.75	0.28	0.7	0.8	0.32	0.5	0.77	0.34	0.23	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.89	1	0.99	0.97	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.98	0.46	0.98	0.97	0.95	0.96	0.95	0.98	0.98	0.97	0.98	0.98	0.72	0.97	0.98	0.96	0.97	0.97				
Saliva_1e6_6_Probe_None	0.66	0.26	0.62	0.71	0.29	0.46	0.69	0.3	0.23	0.88	0.88	0.88	0.88	0.88	1	0.89	0.88	0.87	0.88	0.88	0.88	0.88	0.87	0.87	0.87	0.87	0.87	0.44	0.87	0.86	0.86	0.86</															