

Algoritmos

Programação Avançada
Universidade Federal de Pernambuco
Adrien Durand-Petiteville
`adrien.durandpetiteville@ufpe.br`

Análise de Algoritmos

Por que análise de desempenho?

- Há muitas coisas importantes que devem ser cuidadas, como facilidade de uso, modularidade, segurança, capacidade de manutenção, etc.
- Só podemos ter todas as coisas acima se tivermos desempenho.
- Portanto, o desempenho é como uma moeda através da qual podemos comprar todas as coisas acima.
- Para resumir, desempenho == escala.
- Imagine um editor de texto que possa carregar 1000 páginas, mas que consiga soletrar verificação 1 página por minuto.

Considerando dois algoritmos para uma tarefa, como descobrirmos qual é melhor?

- Uma maneira ingênua de fazer isso é:
Implementar os dois algoritmos e executar os dois programas em seu computador para diferentes entradas e ver qual deles leva menos tempo.
- Há muitos problemas com esta abordagem para a análise dos algoritmos.
 - 1) É possível que para algumas entradas, o primeiro algoritmo tenha um desempenho melhor do que o segundo. E para alguns inputs, o segundo tem melhor desempenho.
 - 2) Também pode ser possível que, para algumas entradas, o primeiro algoritmo tenha um melhor desempenho em uma máquina e o segundo funciona melhor em outra máquina para algumas outras entradas.

- A Análise Assintótica é a grande ideia que trata das questões acima na análise de algoritmos.
- Na Análise Assintótica, avaliamos o desempenho de um algoritmo **em termos de tamanho de entrada** (não medimos o tempo real de execução).
- Calculamos, como o tempo (ou espaço) tomado por um algoritmo aumenta com o tamanho da entrada.

O Problema da Busca

- Dada uma chave de busca e uma coleção de elementos, onde cada elemento possui um identificador único, desejamos encontrar o elemento da coleção que possui o identificador igual ao da chave de busca ou verificar que não existe nenhum elemento na coleção com a chave fornecida.

```
Input : arr[] = {10, 20, 80, 30, 60, 50,  
                110, 100, 130, 170}
```

```
        x = 110;
```

```
Output : 6
```

```
Element x is present at index 6
```

```
Input : arr[] = {10, 20, 80, 30, 60, 50,  
                110, 100, 130, 170}
```

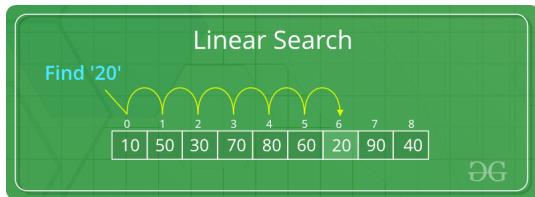
```
        x = 175;
```

```
Output : -1
```

```
Element x is not present in arr[].
```

Busca sequencial

- É o método de pesquisa mais simples que existe.
- Funcionamento:
 - a partir do primeiro registro, pesquise sequencialmente até encontrar o valor procurado ou até chegar ao fim do vetor;
 - então pare.



- Método de busca eficiente para um **conjunto ordenado**.
- Compare o elemento procurado com o elemento que está na posição do meio do vetor:
 - Se o elemento foi encontrado, termine a busca.
 - Se o elemento procurado é menor do que o elemento do meio, repita a busca para a primeira metade do vetor.
 - Se o elemento procurado é maior do que o elemento do meio, repita a busca para a segunda metade do vetor.
- Esse processo se repete até que o elemento seja encontrado ou até que todo vetor tenha sido consultado sem sucesso

Binary Search

	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
Search 23	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	L=0	1	2	3	M=4	5	6	7	8	H=9
23 > 16 take 2 nd half	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	0	1	2	3	4	L=5	6	M=7	8	H=9
23 > 56 take 1 st half	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	0	1	2	3	4	L=5, M=5	H=6	7	8	9
Found 23, Return 5	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91



A Análise Assintótica - Exemplo

- Por exemplo, consideremos o problema de busca em uma matriz ordenada.
- Uma maneira de pesquisar é Linear Search e a outra maneira é Binary Search.
- Para entender como a Análise Assintótica resolve os problemas acima mencionados na análise de algoritmos, digamos que executamos a Busca Linear em um computador rápido A e a Busca Binária em um computador lento B e escolhemos os valores constantes para os dois computadores de modo que nos diga exatamente quanto tempo leva para que a máquina em questão realize a busca em segundos.
- Digamos que a constante para A é 0,2 e a constante para B é 1000, o que significa que A é 5000 vezes mais potente que B.

A Análise Assintótica - Exemplo - 2

- Para valores pequenos de matriz de entrada tamanho n , o computador rápido pode levar menos tempo.
- Mas, após um certo valor do tamanho da matriz de entrada, a Busca Binária definitivamente começará a demorar menos tempo em comparação com a Busca Linear, embora a Busca Binária esteja sendo executada em uma máquina lenta.
- O motivo é a ordem de crescimento da Busca Binária em relação ao tamanho de entrada é **logarítmica** enquanto a ordem de crescimento da Busca Linear é **linear**.
- Assim, as constantes dependentes da máquina podem sempre ser ignoradas após um certo valor de tamanho de entrada.

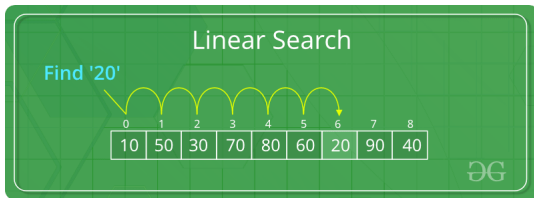
A Análise Assintótica - Exemplo - 3

- Tempo de execução de Busca Sequencial em segundos em A: $0.2 * n$
- Tempo de execução de Busca Binária em segundos em B: $1000 * \log n$

n	Running time on A	Running time on B
10	2 sec	~ 1 h
100	20 sec	~ 1.8 h
10 ⁶	~ 55.5 h	~ 5.5 h
10 ⁹	~ 6.3 years	~ 8.3 h

Casos da Análise Assintótica

- Há casos para analisar um algoritmo:
 - O pior caso
 - Caso médio
 - Melhor caso
- Usamos um exemplo de busca sequencial e analisá-lo usando a análise assintótica.



Análise de Melhor Caso (Bogus)

- Na melhor análise de casos, calculamos o menor limite no tempo de execução de um algoritmo.
- Devemos conhecer o caso que causa o número mínimo de operações a serem executadas.
- No problema da busca linear, o melhor caso ocorre quando o elemento está presente no primeiro local.
- O número de operações no melhor caso é constante (não depende de n).
- Portanto, a complexidade de tempo no melhor caso seria $\Theta(1)$

Análise média de casos (às vezes feita)

- Na análise de casos médios, tomamos todas as entradas possíveis e calculamos o tempo de computação para todas as entradas.
- Somar todos os valores calculados e dividir a soma pelo número total de entradas.
- Devemos conhecer (ou prever) a distribuição dos casos.
- Para o problema da busca sequencial, vamos supor que todos os casos estão uniformemente distribuídos (incluindo o caso do elemento não estar presente na matriz).
- Portanto, somamos todos os casos e dividimos a soma por $(n + 1)$. A seguir está o valor da complexidade média dos casos.

Análise dos piores casos (Normalmente Feito)

- Na análise dos piores casos, calculamos o limite superior no tempo de execução de um algoritmo.
- Devemos conhecer o caso que causa o número máximo de operações a serem executadas.
- Para a busca sequencial, o pior caso acontece quando o elemento a ser pesquisado não está presente na matriz.
- Quando o elemento não está presente, as funções de busca o comparam com todos os elementos do conjunto um por um.
- Portanto, o pior caso de complexidade temporal da busca linear seria $\theta(n)$.

- Na maioria das vezes, fazemos a análise dos piores caso para analisar algoritmos.
- Na análise dos piores casos, garantimos um limite superior no tempo de execução de um algoritmo que é uma boa informação.
- A análise média de casos não é fácil de fazer na maioria dos casos práticos e raramente é feita.
- Na análise de casos médios, devemos conhecer (ou prever) a distribuição matemática de todos os inputs possíveis.
- A análise dos melhores casos é falsa.
- Garantir um limite inferior em um algoritmo não fornece nenhuma informação, pois no pior caso, um algoritmo pode levar anos para ser executado.

- A ideia principal da análise assintótica é ter uma medida da eficiência dos algoritmos que não dependem de constantes específicas da máquina e não requerem que os algoritmos sejam implementados e o tempo gasto pelos programas para serem comparados.
- Notações assintóticas são ferramentas matemáticas para representar a complexidade do tempo dos algoritmos para análise assintótica.
- As 3 notações assintóticas a seguir são usadas principalmente para representar a complexidade de tempo dos algoritmos.

A notação Theta

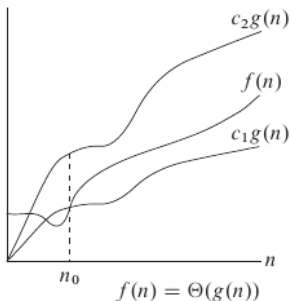
- A notação theta limita uma função por cima e por baixo, de modo que define um comportamento assintótico exato.
- Uma maneira simples de obter a notação Theta de uma expressão é deixar cair os termos de ordem baixa e ignorar as constantes principais.
- Por exemplo, considere a seguinte expressão.

$$3n^3 + 6n^2 + 6000 = \Theta(n^3)$$

- Abandonar termos de ordem inferior é sempre bom porque sempre haverá um número (n) após o qual $\Theta(n^3)$ tem valores mais altos que $\Theta(n^2)$, independentemente das constantes envolvidas.
- Se $f(n)$ é Theta de $g(n)$, então o valor $f(n)$ está sempre entre $c1 * g(n)$ e $c2 * g(n)$ para grandes valores de n ($n \geq n_0$).

A notação Theta - 2

- Se $f(n)$ é Theta de $g(n)$, então o valor $f(n)$ está sempre entre $c_1 * g(n)$ e $c_2 * g(n)$ para grandes valores de n ($n \geq n_0$).

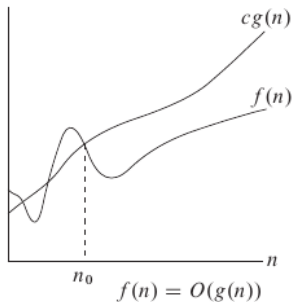


A notação Grande O

- A notação Grande O (Big O) define um limite superior de um algoritmo, ela limita uma função apenas de cima.
- Por exemplo, considere o caso de Insertion Sort: leva tempo linear na melhor das hipóteses e tempo quadrático na pior das hipóteses.
- Podemos dizer com segurança que a complexidade de tempo do tipo Inserção é $O(n^2)$.
- Note que $O(n^2)$ também cobre o tempo linear.
- Se usarmos a notação Theta para representar a complexidade de tempo de Insertion Sort, temos que usar duas afirmações para os melhores e os piores casos:
 - O pior caso de complexidade de tempo é $\Theta(n^2)$.
 - A melhor complexidade de tempo é $\Theta(n)$.
- A notação Grande O é útil quando temos apenas o limite superior de complexidade de tempo de um algoritmo.

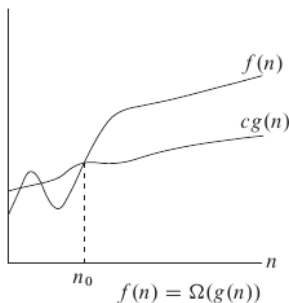
A notação Grande O - 2

- A notação Grande O (Big O) define um limite superior de um algoritmo, ela limita uma função apenas de cima.



A notação Ω

- Assim como a notação Grande O fornece um limite superior assintótico sobre uma função, a notação Ω fornece um limite inferior assintótico.
- A notação pode ser útil quando temos um limite inferior de complexidade temporal de um algoritmo.
- A notação Ω é a notação menos utilizada entre todas as três.



Análise de laços: $O(1)$

- A complexidade temporal de uma função (ou conjunto de declarações) é considerada como $O(1)$ se ela não contiver laço, recursividade e chamada para qualquer outra função temporal não constante.
- Um laço ou recursividade com um número constante de iterações também é considerado como $O(1)$.
- Por exemplo, o seguinte laço é $O(1)$.

```
// Here c is a constant
for (int i = 1; i <= c; i++) {
    // some  $O(1)$  expressions
}
```


Análise de laços: $O(n)$

- A complexidade temporal de um laço é considerada como $O(n)$ se as variáveis do laço forem incrementadas / decrescidas por uma quantidade constante.
- Por exemplo, as seguintes funções têm $O(n)$ complexidade de tempo.

```
// Here c is a positive integer constant
for (int i = 1; i <= n; i += c) {
    // some O(1) expressions
}

for (int i = n; i > 0; i -= c) {
    // some O(1) expressions
}
```

Análise de laços: $O(n^c)$

- A complexidade temporal dos laços aninhados é igual ao número de vezes que a declaração mais interna é executada.
- Por exemplo, as seguintes funções de laços têm $O(n^2)$ complexidade de tempo.

```
for (int i = 1; i <= n; i += c) {  
    for (int j = 1; j <= n; j += c) {  
        // some O(1) expressions  
    }  
}  
  
for (int i = n; i > 0; i -= c) {  
    for (int j = i+1; j <= n; j += c) {  
        // some O(1) expressions  
    }  
}
```

- A complexidade temporal de um laço é considerada como $O(\log n)$ se as variáveis do laço forem divididas / multiplicadas por uma quantidade constante.

```
for (int i = 1; i <= n; i *= c) {  
    // some  $O(1)$  expressions  
}  
for (int i = n; i > 0; i /= c) {  
    // some  $O(1)$  expressions  
}
```

Análise de laços: $O(\log \log n)$

- A complexidade temporal de um laço é considerada como $O(\log \log n)$ se as variáveis do laço forem reduzidas / aumentadas exponencialmente em uma quantidade constante.

```
// Here c is a constant greater than 1
for (int i = 2; i <= n; i = pow(i, c)) {
    // some O(1) expressions
}
// Here fun is sqrt or cuberoot or any other constant root
for (int i = n; i > 1; i = fun(i)) {
    // some O(1) expressions
}
```

Combinar as complexidades temporais de laços consecutivos

- Quando existem laços consecutivos, calculamos a complexidade do tempo como soma das complexidades de tempo de laços individuais.

```
for (int i = 1; i <=m; i += c) {  
    // some  $O(1)$  expressions  
}
```

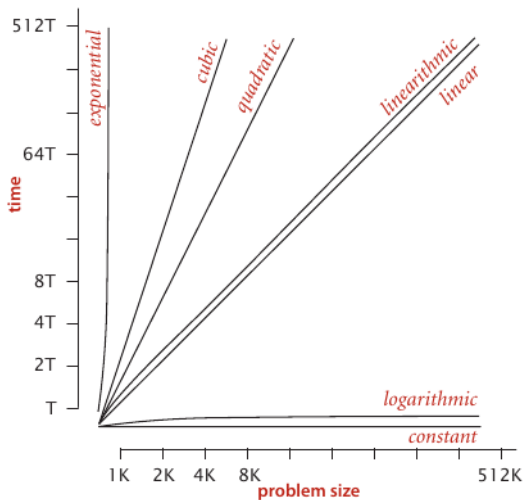
```
for (int i = 1; i <=n; i += c) {  
    // some  $O(1)$  expressions  
}
```

Time complexity of above code is $O(m) + O(n)$ which is $O(m+n)$
If $m == n$, the time complexity becomes $O(2n)$ which is $O(n)$.

Calcular a complexidade temporal quando há muitos if-else declarações dentro do laço

- A complexidade do pior caso é a mais útil entre as melhores, médias e piores.
- Portanto, temos que considerar o pior caso.
- Avaliamos a situação quando valores em condições de if-else causam o máximo número de declarações a serem executadas.
- Por exemplo, considere a função de busca sequencial onde consideramos o caso quando o elemento está presente no final ou não está presente de todo.
- Quando o código é complexo demais para considerar todos os casos de if-else, podemos obter um limite superior ignorando o if-else e outras afirmações de controle complexas.

Ordem de crescimento



Estrutura de dados: média de casos

Data structure	Access	Search	Insertion	Deletion
Array	$O(1)$	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$
Stack	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Queue	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Singly Linked list	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Doubly Linked List	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Hash Table	$O(1)$	$O(1)$	$O(1)$	$O(1)$
Binary Search Tree	$O(\log N)$	$O(\log N)$	$O(\log N)$	$O(\log N)$

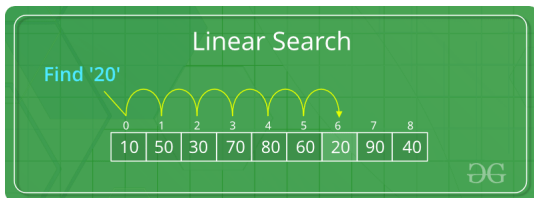
Estrutura de dados: piores casos

Data structure	Access	Search	Insertion	Deletion
Array	$O(1)$	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$
Stack	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Queue	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Singly Linked list	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Doubly Linked List	$O(N)$	$O(N)$	$O(1)$	$O(1)$
Hash Table	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$
Binary Search Tree	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$	$O(N)$

Algoritmos de busca

Busca sequencial

- É o método de pesquisa mais simples que existe.
- Funcionamento:
 - a partir do primeiro registro, pesquise sequencialmente até encontrar o valor procurado ou até chegar ao fim do vetor;
 - então pare.
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(n)$.



Implementação

```
include <iostream>
using namespace std;

int search(int arr[], int n, int x)
{
    int i;
    for (i = 0; i < n; i++)
        if (arr[i] == x)
            return i;
    return -1;
}
```

Implementação - 2

```
// Driver code
int main(void)
{
    int arr[] = { 2, 3, 4, 10, 40 };
    int x = 10;
    int n = sizeof(arr) / sizeof(arr[0]);

    // Function call
    int result = search(arr, n, x);
    (result == -1)
        ? cout << "Element is not present in array"
        : cout << "Element is present at index " << result;
    return 0;
}
```

- Método de busca eficiente para um **conjunto ordenado**.
- Compare o elemento procurado com o elemento que está na posição do meio do vetor:
 - Se o elemento foi encontrado, termine a busca.
 - Se o elemento procurado é menor do que o elemento do meio, repita a busca para a primeira metade do vetor.
 - Se o elemento procurado é maior do que o elemento do meio, repita a busca para a segunda metade do vetor.
- Esse processo se repete até que o elemento seja encontrado ou até que todo vetor tenha sido consultado sem sucesso
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(\log n)$.

Binary Search

	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
Search 23	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	L=0	1	2	3	M=4	5	6	7	8	H=9
23 > 16 take 2 nd half	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	0	1	2	3	4	L=5	6	M=7	8	H=9
23 > 56 take 1 st half	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91
	0	1	2	3	4	L=5, M=5	H=6	7	8	9
Found 23, Return 5	2	5	8	12	16	23	38	56	72	91



Implementação

```
#include <bits/stdc++.h>
using namespace std;

int binarySearch(int arr[], int l, int r, int x)
{
    if (r >= l) {
        int mid = l + (r - l) / 2;

        // If the element is present at the middle itself
        if (arr[mid] == x)
            return mid;

        // If element is smaller than mid, then it can only be present
        // in the left subarray
        if (arr[mid] > x)
            return binarySearch(arr, l, mid - 1, x);

        // Else the element can only be present in right subarray
        return binarySearch(arr, mid + 1, r, x);
    }
    // We reach here when element is not present in array
    return -1;
}
```


Implementação - 2

```
int main(void)
{
    int arr[] = { 2, 3, 4, 10, 40 };
    int x = 10;
    int n = sizeof(arr) / sizeof(arr[0]);
    int result = binarySearch(arr, 0, n - 1, x);
    (result == -1) ? cout << "Element is not present in array"
                  : cout << "Element is present at index " << result;
    return 0;
}
```

Busca por Salto

- Como a Busca Binária, a Busca por Salto é um algoritmo de busca por conjuntos ordenados.
- A ideia básica é verificar menos elementos (do que a busca sequencial) saltando à frente por passos fixos.
- Por exemplo, suponha que tenhamos um arranjo $\text{arr}[]$ de tamanho n e bloco (a ser pulado) de tamanho m .
- Depois pesquisamos nos índices $\text{arr}[0]$, $\text{arr}[m]$, $\text{arr}[2m]$, ..., $\text{arr}[km]$ e assim por diante.
- Uma vez encontrado o intervalo ($\text{arr}[km] < x < \text{arr}[(k+1)m]$), realizamos uma operação de busca sequencial a partir do km índice para encontrar o elemento x .

Exemplo

- Consideramos o seguinte conjunto:
(0, 1, 1, 2, 3, 5, 8, 13, 21, 34, 55, 89, 144, 233, 377, 610)
- O comprimento do arranjo é 16.
- A busca por salto encontrará o valor de 55 com os seguintes passos, assumindo que o tamanho do bloco a ser pulado é 4.
 - PASSO 1: Saltar do índice 0 para o índice 4;
 - PASSO 2: Saltar do índice 4 para o índice 8;
 - PASSO 3: Saltar do índice 8 para o índice 12;
 - PASSO 4: Como o elemento no índice 12 é maior que 55, daremos um salto para trás para chegar ao índice 8.
 - PASSO 5: Faça uma busca linear do índice 8 para obter o elemento 55.

Qual é o tamanho ideal do bloco a ser pulado?

- No pior caso, temos que fazer n/m saltos e se o último valor verificado for maior do que o elemento a ser procurado, fazemos comparações $m - 1$ mais para a busca sequencial.
- Portanto, o número total de comparações no pior caso será $((n/m) + m - 1)$.
- O valor da função $((n/m) + m - 1)$ será mínimo quando $m = \sqrt{n}$.
- Portanto, o melhor tamanho do passo é $m = \sqrt{n}$.
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(\sqrt{n})$.

Implementação

```
#include <bits/stdc++.h>
using namespace std;

int jumpSearch(int arr[], int x, int n)
{
    // Finding block size to be jumped
    int step = sqrt(n);

    // Finding the block where element is present (if it is present)
    int prev = 0;
    while (arr[min(step, n)-1] < x)
    {
        prev = step;
        step += sqrt(n);
        if (prev >= n)
            return -1;
    }
}
```

Implementação - 2

```
// Doing a linear search for x in block beginning with prev.
while (arr[prev] < x)
{
    prev++;

    // If we reached next block or end of array, element is not present
    if (prev == min(step, n))
        return -1;
}
// If element is found
if (arr[prev] == x)
    return prev;

return -1;
}
```

Implementação - 3

```
// Driver program to test function
int main()
{
    int arr[] = { 0, 1, 1, 2, 3, 5, 8, 13, 21,
                  34, 55, 89, 144, 233, 377, 610 };
    int x = 55;
    int n = sizeof(arr) / sizeof(arr[0]);

    // Find the index of 'x' using Jump Search
    int index = jumpSearch(arr, x, n);

    // Print the index where 'x' is located
    cout << "\nNumber_" << x << "_is_at_index_" << index;
    return 0;
}
```

- Dado um arranjo ordenado `arr[]` de n valores distribuídos uniformemente.
- Busca sequencial encontra o elemento no tempo $O(n)$, Busca por salto leva o tempo $O(\sqrt{n})$ e Busca binária leva o tempo $O(\log n)$.
- A Busca Interpolada é uma melhoria em relação à Busca Binária para instâncias, onde os valores em um arranjo ordenado são uniformemente distribuídos.
- A Busca Binária sempre vai para o elemento central para verificar.
- Por outro lado, a Busca Interpolada pode ir para locais diferentes de acordo com o valor da chave que está sendo pesquisada.
- Por exemplo, se o valor da chave estiver mais próximo do último elemento, é provável que a Busca Interpolada inicie a busca no lado do fim.

- Para encontrar a posição a ser pesquisada, ela usa a seguinte fórmula:

```
pos = lo + [ (x-arr[lo))*(hi-lo) / (arr[hi]-arr[Lo]) ]
```

arr[] ==> Array where elements need to be searched

x ==> Element to be searched

lo ==> Starting index in arr[]

hi ==> Ending index in arr[]

- Passo1: Em um laço, calcular o valor de "pos" usando a fórmula da posição.
- Passo2: Se for igual, retornar o índice do item, e sair.
- Passo3: Se o item for menor que `arr[pos]`, calcular a posição da sonda da sub-arranjo esquerda.
Caso contrário, calcule o mesmo na subarranjo da direita.
- Passo4: Repita até encontrar uma correspondência ou até que a subarranjo se reduza a zero.

Implementação

```
#include<bits/stdc++.h>
using namespace std;

// If x is present in arr[0..n-1], then returns index of it,
// else returns -1.
int interpolationSearch(int arr[], int n, int x)
{
    // Find indexes of two corners
    int lo = 0, hi = (n - 1);

    // Since array is sorted, an element present in array
    // must be in range defined by corner
    while (lo <= hi && x >= arr[lo] && x <= arr[hi])
    {
        if (lo == hi)
        {
            if (arr[lo] == x) return lo;
            return -1;
        }
    }
```

Implementação - 2

```
// Probing the position with keeping
// uniform distribution in mind.
int pos = lo + (((double)(hi - lo) /
                (arr[hi] - arr[lo])) * (x - arr[lo]));

// Condition of target found
if (arr[pos] == x)
    return pos;

// If x is larger, x is in upper part
if (arr[pos] < x)
    lo = pos + 1;

// If x is smaller, x is in the lower part
else
    hi = pos - 1;
}
return -1;
}
```

Implementação - 3

```
// Driver Code
int main()
{
    // Array of items on which search will
    // be conducted.
    int arr[] = {10, 12, 13, 16, 18, 19, 20, 21,
                 22, 23, 24, 33, 35, 42, 47};
    int n = sizeof(arr)/sizeof(arr[0]);

    int x = 18; // Element to be searched
    int index = interpolationSearch(arr, n, x);

    // If element was found
    if (index != -1)
        cout << "Element found at index " << index;
    else
        cout << "Element not found.";
    return 0;
}
```

Busca Binária vs Busca Interpolada

- A Busca Binária vai até o elemento central para verificar independentemente da chave de busca.
- A Busca Interpolada pode ir para locais diferentes de acordo com a chave de pesquisa.
- Se o valor da chave de busca estiver próximo ao último elemento, a Busca Interpolada provavelmente iniciará a busca no lado final.
- Em média, a Busca Interpolada faz comparações de $\Theta(\log(\log(n)))$ (se os elementos estiverem uniformemente distribuídos).
- No pior caso (por exemplo, onde os valores numéricos das chaves aumentam exponencialmente), pode fazer até comparações $\mathbf{O}(n)$.

- A busca exponencial envolve duas etapas:
 - Encontrar a faixa onde o elemento está presente.
 - Faça a Busca Binária na faixa encontrada acima.
- Como encontrar a faixa onde o elemento pode estar presente:
 - A ideia é começar com o tamanho de subarranjo 1, comparar seu último elemento com x , depois tentar tamanho 2, depois 4 e assim por diante até que o último elemento de um subarranjo não seja maior.
 - Uma vez encontrado um índice i (depois de repetidas dobras de i), sabemos que o elemento deve estar presente entre $i/2$ e i
 - $i/2$: porque não conseguimos encontrar um valor maior na iteração anterior.



Implementação

```
#include <bits/stdc++.h>
using namespace std;

int binarySearch(int arr[], int, int, int);

// Returns position of first occurrence of x in array
int exponentialSearch(int arr[], int n, int x)
{
    // If x is present at first location itself
    if (arr[0] == x)
        return 0;

    // Find range for binary search by repeated doubling
    int i = 1;
    while (i < n && arr[i] <= x)
        i = i*2;

    // Call binary search for the found range.
    return binarySearch(arr, i/2,
                        min(i, n-1), x);
}
```


Implementação - 2

```
int binarySearch(int arr[], int l, int r, int x)
{
    if (r >= l)
    {
        int mid = l + (r - l)/2;

        // If the element is present at the middle itself
        if (arr[mid] == x)
            return mid;

        // If element is smaller than mid, then it
        // can only be present in left subarray
        if (arr[mid] > x)
            return binarySearch(arr, l, mid-1, x);

        // Else the element can only be present in right subarray
        return binarySearch(arr, mid+1, r, x);
    }

    // We reach here when element is not present in array
    return -1;
}
```

Implementação - 3

```
// Driver code
int main(void)
{
    int arr[] = {2, 3, 4, 10, 40};
    int n = sizeof(arr)/ sizeof(arr[0]);
    int x = 10;
    int result = exponentialSearch(arr, n, x);
    (result == -1)? printf("Element is not present in array")
                  : printf("Element is present at index %d", result);
    return 0;
}
```

Busca ternária

```
int ternarySearch(int arr[], int l, int r, int x)
{
    if (r >= l)
    {
        int mid1 = l + (r - l)/3;
        int mid2 = mid1 + (r - l)/3;

        // If x is present at the mid1
        if (arr[mid1] == x) return mid1;
        // If x is present at the mid2
        if (arr[mid2] == x) return mid2;
        // If x is present in left one-third
        if (arr[mid1] > x) return ternarySearch(arr, l, mid1-1, x);
        // If x is present in right one-third
        if (arr[mid2] < x) return ternarySearch(arr, mid2+1, r, x);
        // If x is present in middle one-third
        return ternarySearch(arr, mid1+1, mid2-1, x);
    }
    // We reach here when element is not present in array
    return -1;
}
```

Algoritmos de ordenação

Bubble Sort

- Bubble Sort é o algoritmo de ordenação mais simples que funciona trocando repetidamente os elementos adjacentes se eles estiverem em ordem errada.
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(n^2)$.
- Exemplo: (5 1 4 2 8)

Primeiro passo

(5 1 4 2 8) -> (1 5 4 2 8), troca porque $5 > 1$

(1 5 4 2 8) -> (1 4 5 2 8), troca porque $5 > 4$

(1 4 5 2 8) -> (1 4 2 5 8), troca porque $5 > 2$

(1 4 2 5 8) -> (1 4 2 5 8), não troca porque $5 < 8$

Bubble Sort - 2

Segundo passo

(1 4 2 5 8) -> (1 4 2 5 8)

(1 4 2 5 8) -> (1 2 4 5 8), troca porque $4 > 2$

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

O arranjo já está ordenado, mas nosso algoritmo não sabe se está completo.

O algoritmo precisa de um passe inteiro sem nenhuma troca para saber se está ordenado.

Terceiro passo

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

(1 2 4 5 8) -> (1 2 4 5 8)

Bubble Sort - 3

i = 0	j	0	1	2	3	4	5	6	7
	0	5	3	1	9	8	2	4	7
	1	3	5	1	9	8	2	4	7
	2	3	1	5	9	8	2	4	7
	3	3	1	5	9	8	2	4	7
	4	3	1	5	8	9	2	4	7
	5	3	1	5	8	2	9	4	7
	6	3	1	5	8	2	4	9	7
i = 1	0	3	1	5	8	2	4	7	9
	1	1	3	5	8	2	4	7	
	2	1	3	5	8	2	4	7	
	3	1	3	5	8	2	4	7	
	4	1	3	5	2	8	4	7	
	5	1	3	5	2	4	8	7	
i = 2	0	1	3	5	2	4	7	8	
	1	1	3	5	2	4	7		
	2	1	3	5	2	4	7		
	3	1	3	2	5	4	7		
	4	1	3	2	4	5	7		
i = 3	0	1	3	2	4	5	7		
	1	1	3	2	4	5			
	2	1	2	3	4	5			
	3	1	2	3	4	5			
i = 4	0	1	2	3	4	5			
	1	1	2	3	4				
	2	1	2	3	4				
i = 5	0	1	2	3	4				
	1	1	2	3					
i = 6	0	1	2	3					
	1	1	2						

- Selection Sort ordena um arranjo ao encontrar repetidamente o elemento mínimo (considerando ordem ascendente) da faixa não ordenada e colocá-lo no início.
- O algoritmo mantém dois sub-arranjos em um determinado arranjo.
 - 1/ O sub-arranjo que já está ordenado.
 - 2/ O sub-arranjo restante que não está ordenado.
- Em cada iteração, o elemento mínimo (considerando ordem ascendente) do sub-arranjo não ordenado é escolhido e movido para o sub-arranjo ordenado.
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(n^2)$.

Exemplo

```
arr[] = 64 25 12 22 11
```

Encontre o elemento mínimo em `arr[0...4]` e coloque-o no início

```
11 25 12 22 64
```

Encontre o elemento mínimo em `arr[1...4]` e coloque-o no início de `arr[1...4]`.

```
11 12 25 22 64
```

Encontre o elemento mínimo em `arr[2...4]` e coloque-o no início de `arr[2...4]`.

```
11 12 22 25 64
```

Encontre o elemento mínimo em `arr[3...4]` e coloque-o no início de `arr[3...4]`.

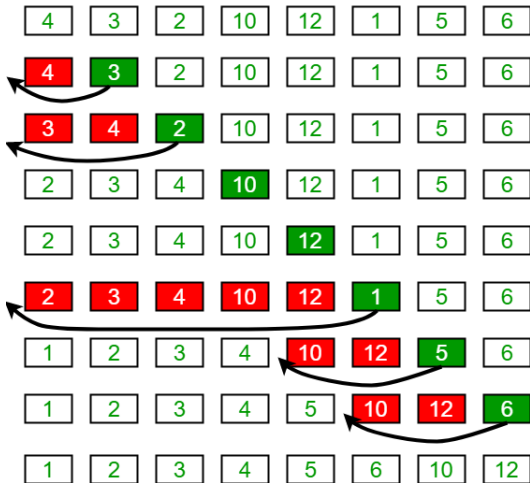
```
11 12 22 25 64
```

Insertion Sort

- Insertion Sort é um algoritmo de ordenação simples que funciona de forma semelhante à forma como você classifica as cartas de jogo em suas mãos.
- O conjunto é dividido em uma parte classificada e uma parte não classificada.
- Os valores da parte não classificada são escolhidos e colocados na posição correta na parte classificada.
- A complexidade temporal do algoritmo é $O(n^2)$.
- Algoritmo
 - 1: Iterar de `arr[1]` até `arr[n]`.
 - 2: Comparar o elemento atual (chave) com seu predecessor.
 - 3: Se o elemento chave for menor que seu predecessor, compará-lo com os elementos anteriores.
Mova os elementos maiores uma posição para cima para abrir espaço para o elemento trocado.

Insertion Sort

Insertion Sort Execution Example



A abordagem de divisão e conquista

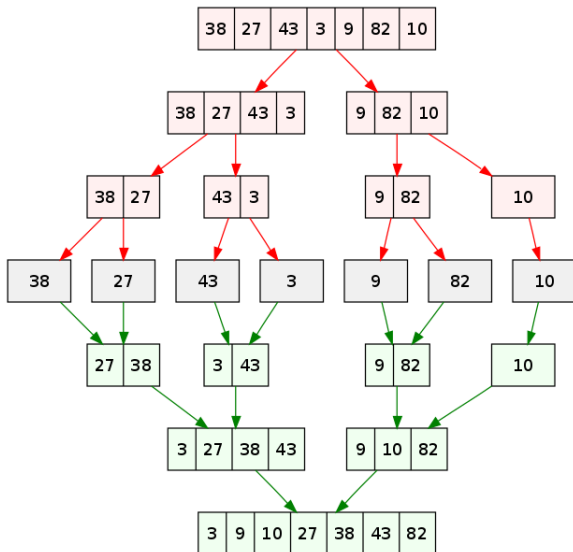
- Muitos algoritmos úteis são recursivos em sua estrutura: para resolver um dado problema, eles chamam a si mesmos recursivamente uma ou mais vezes para lidar com subproblemas intimamente relacionados.
- Em geral, esses algoritmos seguem uma abordagem de divisão e conquista: eles desmembram o problema em vários subproblemas que são semelhantes ao problema original, mas de menor tamanho, resolvem os subproblemas recursivamente e depois combinam essas soluções com o objetivo de criar uma solução para o problema original.

O paradigma de divisão e conquista envolve três passos em cada nível da recursão:

- **Divisão** do problema em determinado número de subproblemas que são instâncias menores do problema original.
- **Conquista** os subproblemas, resolvendo-os recursivamente. Porém, se os tamanhos dos sub-problemas forem pequenos o bastante, basta resolver os subproblemas de maneira direta.
- **Combinação** as soluções dadas aos subproblemas na solução para o problema original.

- O algoritmo de ordenação por intercalação obedece rigorosamente ao paradigma de divisão e conquista.
- Intuitivamente, ele funciona do modo ilustrado a seguir.
 - **Divisão:** Divide a sequência de n elementos que deve ser ordenada em duas subsequências de $n/2$ elementos cada uma.
 - **Conquista:** Ordena as duas subsequências recursivamente, utilizando a ordenação por intercalação.
 - **Combinação:** Intercala as duas subsequências ordenadas para produzir a resposta ordenada.
- A recursão “extingue-se” quando a sequência a ser ordenada tiver comprimento 1, visto que nesse caso não há nenhum trabalho a ser feito, já que toda sequência de comprimento 1 já está ordenada.

Exemplo

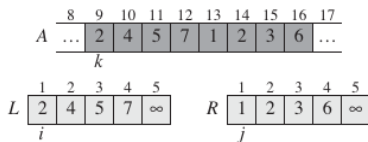


- A operação-chave do algoritmo de ordenação por intercalação é a intercalação de duas sequências ordenadas, no passo de “combinação”.
- Para executar a intercalação, chamamos um procedimento auxiliar Merge (A, p, q, r), onde
 - A é um arranjo;
 - p, q e r são índices de enumeração dos elementos do arranjo, tais que $p \leq q < r$.
- O procedimento considera que os subarranjos $A[p \dots q]$ e $A[q + 1 \dots r]$ estão em sequência ordenada.
- Ele os intercala (ou mescla) para formar um único subarranjo ordenado que substitui o subarranjo atual $A[p \dots r]$.

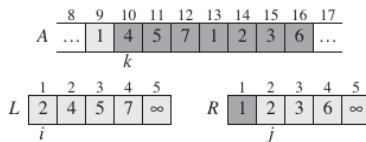
Exemplo do jogo de cartas

- Suponha que temos duas pilhas de cartas com a face para cima sobre uma mesa.
- Cada pilha está ordenada, com as cartas de menor valor em cima.
- Desejamos juntar as duas pilhas (fazendo a intercalação) em uma única pilha de saída ordenada, que ficará com a face para baixo na mesa.
- Nosso passo básico consiste em escolher a menor das duas cartas superiores nas duas pilhas viradas para cima, removê-la de sua pilha (o que exporá uma nova carta superior) e colocar essa carta com a face voltada para baixo sobre a pilha de saída.
- Repetimos esse passo até uma pilha de entrada se esvaziar e, então, simplesmente pegamos a pilha de entrada restante e a colocamos virada para baixo sobre a pilha de saída.

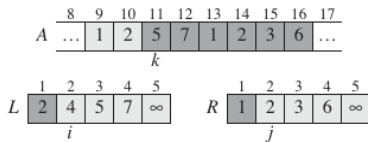
Exemplo



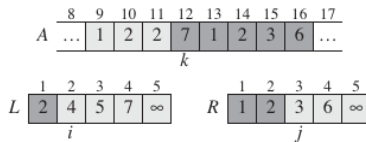
(a)



(b)



(c)



(d)

Exemplo - 2

	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	
A	...	1	2	2	3	1	2	3	6	...	
						k					
	1	2	3	4	5		1	2	3	4	5
L	2	4	5	7	∞		1	2	3	6	∞
		i						j			

(e)

	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	
A	...	1	2	2	3	4	2	3	6	...	
						k					
	1	2	3	4	5		1	2	3	4	5
L	2	4	5	7	∞		1	2	3	6	∞
		i						j			

(f)

	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	
A	...	1	2	2	3	4	5	3	6	...	
						k					
	1	2	3	4	5		1	2	3	4	5
L	2	4	5	7	∞		1	2	3	6	∞
		i						j			

(g)

	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	
A	...	1	2	2	3	4	5	6	6	...	
						k					
	1	2	3	4	5		1	2	3	4	5
L	2	4	5	7	∞		1	2	3	6	∞
		i						j			

(h)

	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	
A	...	1	2	2	3	4	5	6	7	...	
						k					
	1	2	3	4	5		1	2	3	4	5
L	2	4	5	7	∞		1	2	3	6	∞
		i						j			

(i)

Pseudo código: Merge

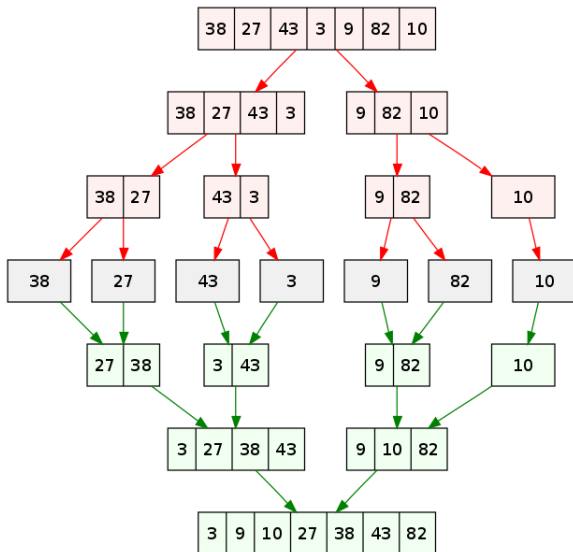
```
MERGE( $A, p, q, r$ )
1   $n_1 = q - p + 1$ 
2   $n_2 = r - q$ 
3  sejam  $L[1..n_1 + 1]$  e  $R[1..n_2 + 1]$  novos arranjos
4  for  $i = 1$  to  $n_1$ 
5       $L[i] = A[p + i - 1]$ 
6  for  $j = 1$  to  $n_2$ 
7       $R[j] = A[q + j]$ 
8   $L[n_1 + 1] = \infty$ 
9   $R[n_2 + 1] = \infty$ 
10  $i = 1$ 
11  $j = 1$ 
12 for  $k = p$  to  $r$ 
13     if  $L[i] \leq R[j]$ 
14         then  $A[k] = L[i]$ 
15              $i = i + 1$ 
16     else  $A[k] = R[j]$ 
17          $j = j + 1$ 
```

Pseudo código: Merge Sort

- Agora podemos usar o procedimento Merge como uma subrotina no algoritmo de ordenação por intercalação.
- O procedimento Merge-Sort(A, p, r) ordena os elementos do subarranjo $A[p \dots r]$.
- Se $p \geq r$, o subarranjo tem no máximo um elemento e, portanto, já está ordenado.
- Caso contrário, a etapa de divisão simplesmente calcula um índice q que subdivide $A[p \dots r]$ em dois subarranjos: $A[p \dots q]$, contendo $n/2$ elementos, e $A[q + 1 \dots r]$, contendo $n/2$ elementos.

```
MERGE-SORT( $A, p, r$ )  
1  if  $p < r$   
2    then  $q = \lfloor (p + r)/2 \rfloor$   
3         MERGE-SORT( $A, p, q$ )  
4         MERGE-SORT( $A, q + 1, r$ )  
5         MERGE( $A, p, q, r$ )
```

Exemplo

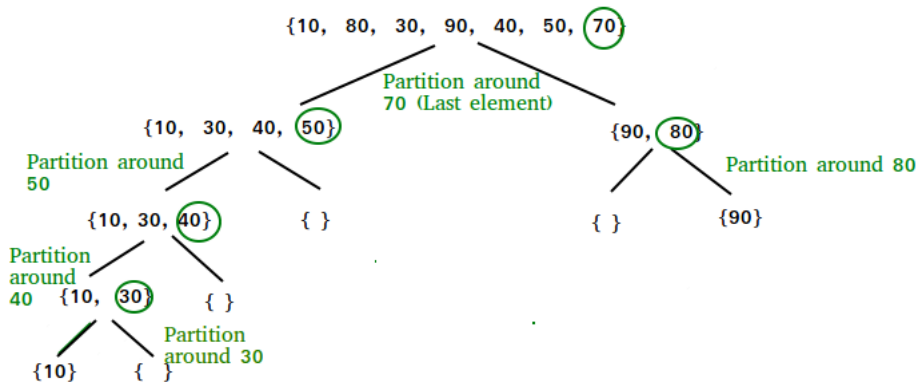


Merge Sort: complexidade temporal

- A complexidade temporal do algoritmo é $O(n \log n)$.
- Mais lento em comparação com outros algoritmos de ordenação para conjuntos menores.
- O algoritmo de ordenação por fusão requer um espaço de memória adicional para o arranjo temporário.
- Ele passa por todo o processo, mesmo que o arranjo seja classificado.

- O quicksort, como a ordenação por intercalação, aplica o paradigma de divisão e conquista.
- Ele escolhe um elemento como pivô e separa o conjunto dado em torno do pivô escolhido.
- Há muitas versões diferentes do QuickSort que escolhem o pivô de diferentes maneiras.
 - Sempre escolha o primeiro elemento como pivô.
 - Sempre escolha o último elemento como pivô (implementado abaixo)
 - Escolha um elemento aleatório como pivô.
 - Escolha a mediana como pivô.

Exemplo



- **Divisão:** Particionar (reorganizar) o arranjo $A[p \dots r]$ em dois subarranjos (possivelmente vazios) $A[p \dots q - 1]$ e $A[q + 1 \dots r]$ tais que, cada elemento de $A[p \dots q - 1]$ é menor ou igual a $A[q]$ que, por sua vez, é menor ou igual a cada elemento de $A[q + 1 \dots r]$.

Calcular o índice q como parte desse procedimento de particionamento.

- **Conquista:** Ordenar os dois subarranjos $A[p \dots q - 1]$ e $A[q + 1 \dots r]$ por chamadas recursivas a quicksort.
- **Combinação:** Como os subarranjos já estão ordenados, não é necessário nenhum trabalho para combiná-los: o arranjo $A[p \dots r]$ inteiro agora está ordenado.

```
QUICKSORT( $A, p, r$ )  
1  if  $p < r$   
2     $q = \text{PARTITION}(A, p, r)$   
3    QUICKSORT( $A, p, q - 1$ )  
4    QUICKSORT( $A, q + 1, r$ )
```

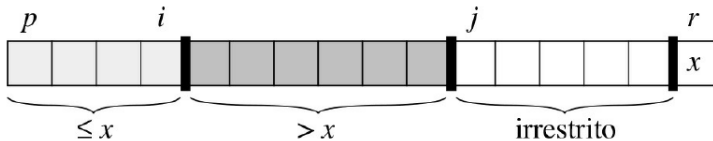
- Para ordenar um arranjo A inteiro, a chamada inicial é QUICKSORT($A, 1, A.\text{comprimento}$)

- A chave para o algoritmo é o procedimento PARTITION, que reorganiza o subarranjo $A[p \dots r]$ no lugar.
- PARTITION sempre seleciona um elemento $x = A[r]$ como um elemento pivô ao redor do qual particionar o subarranjo $A[p \dots r]$.

```
PARTITION( $A, p, r$ )  
1  $x = A[r]$   
2  $i = p - 1$   
3 for  $j = p$  to  $r - 1$   
4     if  $A[j] \leq x$   
5          $i = i + 1$   
6         trocar  $A[i]$  por  $A[j]$   
7 trocar  $A[i + 1]$  por  $A[r]$   
8 return  $i + 1$ 
```

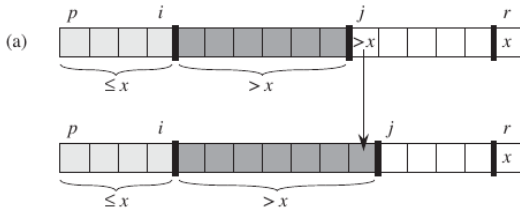
Pseudo código: análise

- À medida que é executado, o procedimento reparte o arranjo em quatro regiões (possivelmente vazias).
- No início de cada iteração do laço das linhas 3-6, para qualquer índice k do arranjo,
 - 1. Se $p \leq k \leq i$, então $A[k] \leq x$.
 - 2. Se $i + 1 \leq k \leq j - 1$, então $A[k] > x$.
 - 3. Se $k = r$, então $A[k] = x$.
- Os índices entre j e $r - 1$ não são abrangidos por nenhum dos três casos, e os valores nessas entradas não têm nenhuma relação particular com o pivô x .

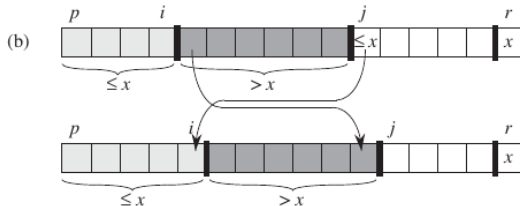


Pseudo código: análise - 2

- Se $A[j] > x$, a única ação é incrementar j .

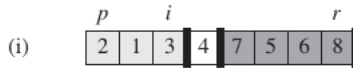
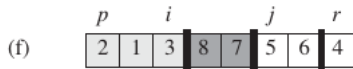
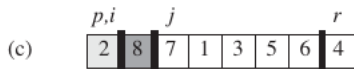
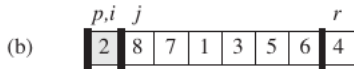
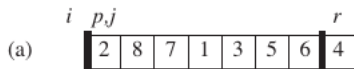


- Se $A[j] \leq x$, o índice i é incrementado, $A[i]$ e $A[j]$ são permutados e, então, j é incrementado.

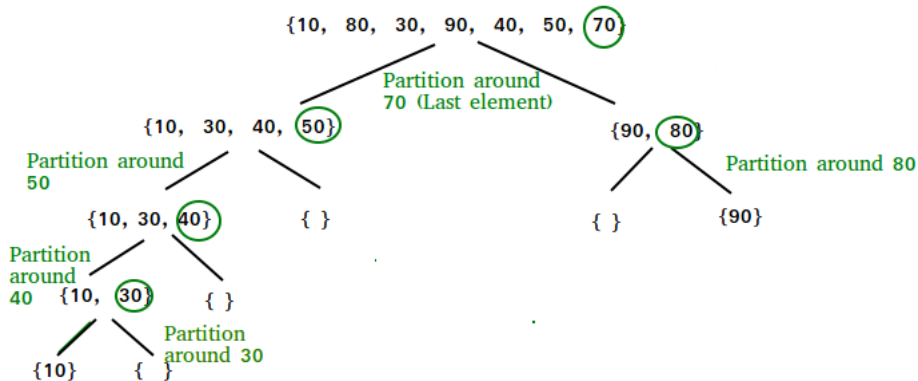


- As duas linhas finais de PARTITION terminam permutando o elemento pivô pelo elemento maior que x na extrema esquerda e, com isso, deslocam o pivô até seu lugar correto no arranjo particionado; em seguida, retornam o novo índice do pivô.

Exemplo: Partition



Exemplo: QuickSort



Complexidade temporal de QuickSort

- Pior caso: n^2

O pior caso ocorre quando o processo de partição sempre escolhe o maior ou menor elemento como pivô.

Se considerarmos acima a estratégia de partição onde o último elemento é sempre escolhido como pivô, o pior caso ocorreria quando o arranjo já está classificado em ordem crescente ou decrescente.

- Melhor caso: $n \log n$

O melhor caso ocorre quando o processo de partição sempre escolhe o elemento central como pivô.

- Caso médio: $n \log n$

Por que QuickSort é preferido ao MergeSort para arranjo?

- QuickSort em sua forma geral é uma classificação no local (ou seja, não requer nenhum armazenamento extra) enquanto que a MergeSort requer um armazenamento extra de N , N denotando o tamanho do arranjo.

A alocação e desalocação do espaço extra utilizado para MergeSort aumenta o tempo de execução do algoritmo.

- Comparando a complexidade média, descobrimos que ambos os tipos têm complexidade média de $O(N \log N)$, mas as constantes são diferentes.

Para os arranjos, MergeSort perde devido ao uso de espaço extra.

- A maioria das implementações práticas de QuickSort usam versões aleatórias.

A versão aleatória tem a complexidade temporal esperada de $O(N \log N)$.

O pior caso é possível na versão aleatória, mas não ocorre para um padrão em particular.

Por que o MergeSort é preferido ao QuickSort para listas ligadas?

- No caso de listas ligadas, o caso é diferente principalmente devido à diferença na alocação de memória das matrizes e listas vinculadas.
- Ao contrário dos arranjos, os nós das listas ligadas podem não estar adjacentes na memória.
- Ao contrário dos arranjos, na lista ligada, podemos inserir itens no meio em $O(1)$ tempo.
- Portanto, a operação de fusão do tipo MergeSort pode ser implementada sem espaço extra para listas vinculadas.