clustering across all parameters (parameters T i) SW837 0.01 0.04 0.13 0.02 0.01 0 0 0.01 0.16 0.04 0.02 0.01 0 0.02 0.09 0 0 0.04 0 0 0 0.01 0.01 0.47 0.09 0.17 0.02 0.13 0.34 0 0.11 0.09 0.02 0.1 0.14 0.12 0.02 0.14 0.01 0.01 0 0.03 0.02 0.01 0.01 0.01 SNUC5 DIFI SNUC2B 0 0.1 0.2 0.3 0.4 genomic alterations