## Complementi di Algoritmi e Strutture Dati

(III anno Laurea Triennale - a.a. 2016/17)

## Prova scritta 7 settembre 2017

NB: I punteggi sono indicativi.

Esercizio 1 - Analisi di algoritmi (punti 7) Consideriamo una versione dell'algoritmo di quicksort progettata per ordinare array dove gli elementi hanno *chiavi tutte distinte*. Questo significa che, scelto il pivot p, ogni altro elemento può essere solo < p oppure > p.

Sotto tale condizione, quando partizioniamo una porzione di array lunga n caselle, dove ci sono m elementi , alla fine del partizionamento gli elementi <math>< p dovranno occupare le prime m caselle.

In particolare, qui usiamo un algoritmo di partizionamento che prima conta quanti elementi sono < p (suppomiano siano m), e poi scorre le prime m caselle dell'array spostando avanti (mediante scambio) gli elementi che sono > p.

Lo pseudocodice che partiziona la porzione di array a[inf..sup] è il seguente:

```
p=a[inf] //scelta del pivot
//conto elementi
```

1. Assumendo che la conta sia giusta, si dimostri la correttezza del ciclo di scambi, ovvero che alla fine (prima di mettere a posto il pivot) vale la postcondizione

$$Post = a[\texttt{inf} + 1.. \texttt{inf} + m] p$$

A tale scopo, si dica quale precondizione Pre vale all'inizio del ciclo, si descriva un'opportuna invariante Inv (eventualmente anche a parole o graficamente), e si provi che vale all'inizio, che si preserva a ogni iterazione e che congiuntamente alla condizione di uscita dal ciclo implica la postcondizione.

2. Dimostrare che tutta la procedura di partizionamento ha complessità temporale nel caso peggiore in O(n) con  $n = \sup -\inf +1$  la lunghezza della porzione di array partizionata.

Esercizio 2 - Sorting (punti 5) Si consideri il seguente array:

| 12 | 30 | 10 | 13 | 40 | 13 | 40 | 3 | 20 | 17 |
|----|----|----|----|----|----|----|---|----|----|

Eseguire la prima fase dell'algoritmo heapsort, cioè quella che trasforma l'array in uno heap a massimo. Si chiede di eseguirla

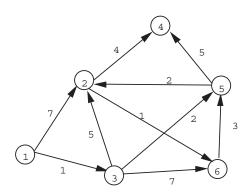
- PREFERIBILMENTE con la procedura *heapify*.

  Ad ogni passo disegnare tutto l'array come albero ed indicare quali sotto-parti sono già heap.
- IN ALTERNATIVA (ma allora l'esercizio vale un punto in meno) con una serie di chiamate a *insert*.

Per ogni chiamata indicare l'elemento che viene inserito e disegnare lo heap in cui viene inserito prima e dopo l'operazione (ovviamente il "dopo" di un inserimento è il "prima" dell'inserimento seguente e non occorre ripetere il disegno).

Ricordare che deve essere uno heap a massimo.

Esercizio 3 - Grafi (Punti 6) Si consideri il seguente grafo orientato e pesato.



Applicando l'algoritmo di Dijkstra, si determinino i pesi dei cammini minimi che collegano il vertice 1 con tutti gli altri vertici. Più precisamente, si completi la seguente tabella:

|   | 1 | 2        | 3        | 4        | 5        | 6        |
|---|---|----------|----------|----------|----------|----------|
|   | 0 | $\infty$ | $\infty$ | $\infty$ | $\infty$ | $\infty$ |
| _ |   |          |          |          |          |          |

dove ogni riga corrisponde a un'iterazione, e ogni casella contiene: per i nodi per i quali è già stata trovata la distanza definitiva, un simbolo speciale (per esempio -), per gli altri la distanza provvisoria corrente.

Esercizio 4 - NP-completezza (Punti 7) Si considerino i seguenti due problemi decisionali: dato in input un grafo non orientato G, in ODD-MAX-CLIQUE ci chiediamo se la dimensione massima di una clique in G è dispari, mentre in EVEN-MAX-CLIQUE ci chiediamo se la dimensione massima di una clique in G è pari.

- 1. Si dia una riduzione polinomiale da ODD-MAX-CLIQUE in EVEN-MAX-CLIQUE.
- 2. Si provi che se EVEN-MAX-CLIQUE è NP-completo allora lo è anche ODD-MAX-CLIQUE.

Esercizio 5 - Tecniche algoritmiche (Punti 8) Si consideri il problema di trovare, data una sequenza X[1..n], la lunghezza della massima sottosequenza palindroma di X, dove una sequenza è palindroma se resta la stessa letta da destra a sinistra. Per esempio, se X = [A, B, C, D, C, E, A], la massima lunghezza di una sottosequenza palindroma è 4, corrispondente alla sottosequenza [A, C, C, A]. Indichiamo con P[i, j], con  $1 \le i \le j \le n$ , il sottoproblema di trovare la la lunghezza della massima sottosequenza palindroma di X[i..j].

- 1. Si definisca induttivamente P[i,j] giustificando la correttezza della definizione.
- 2. Si descriva un algoritmo di programmazione dinamica basato sulla definizione data al punto precedente che calcoli P[1, n].
- 3. Si valuti la complessità di tale algoritmo.