

# ENRIQUE PÉREZ NAVARRO

Bioinformático y Biólogo molecular

✉ enrique.perez2@um.es    ☎ +34 636923781  
✉ C. Campus Universitario, Edificio 32, 30100 Murcia  
☎ 0000-0003-1091-8926

📍 Murcia, España

🌐 enperez/



## EXPERIENCIA

Estudiante de doctorado

UMU

📅 Sep 2019 – Actualidad

📍 Murcia, Es

Bioinformático

Universidad Complutense

📅 Sep 2016 – Sep 2019

📍 Madrid, España

- Preparación de muestras biológicas para el análisis proteómico por MALDI-TOF/TOF y LC-MS/MS
- Análisis de datos LC-MS y MALDI-TOF-TOF y tratamiento estadístico.

Bioinformático

EMBL-EBI

📅 Sep 2015 – Sep 2016

📍 Cambridge, Reino Unido

- Desarrollo de un nuevo pipeline para mejorar la fiabilidad de PRIDE Cluster
- Análisis de los datos en PRIDE utilizando un enfoque de agrupación de espectros.

## PROYECTOS

Implicaciones clínicas de los perfiles de expresión génica en sangre periférica en el cáncer de próstata metastásico

ISCII

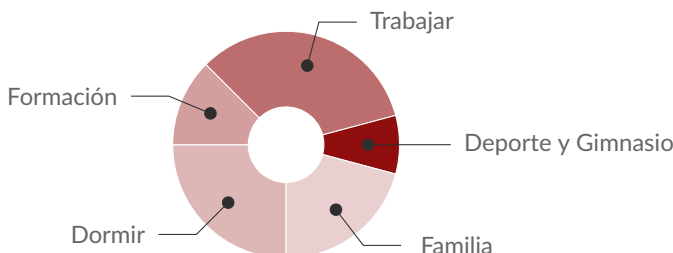
📅 2019-Actualmente

Predicción de pronóstico en pacientes de COVID-19 basado en Inteligencia Artificial

IMIB

📅 2021-Actualmente

## UN DÍA EN MI VIDA



## EDUCACIÓN

Ph.D. en Bioinformática

Universidad de Murcia

📅 Sept 2019 – Actualidad

Título de la tesis: Estudio genómico de pacientes con Cáncer de Próstata metastásico resistente a castración y su resistencia al tratamiento.

M.Sc. en Biología Molecular

Universidad de Murcia

📅 Sept 2016 – June 2017

B.Sc. en Bioquímica

Universidad de Murcia

📅 Sept 2009 – June 2014

## IDIOMAS

Español



Ingles



Italiano



## HABILIDADES

Emprendedor

Generador de Ideas

Liderazgo y motivación

Comunicación

Python

Genómica and Proteómica

Análisis estadístico

## +INFO

# PUBLICACIONES

---

## Books

- E. Pérez-Navarro and J. Díaz, *Quality Control in MALDI-TOF MS Techniques*. 2018, pp. 87–99.

---

## Journal Articles

- A. Cisterna-García, A. Guillén-Teruel, M. Caracena, *et al.*, “A predictive model for hospitalization and survival to COVID-19 in a retrospective population-based study,” Mar. 2022. DOI: 10.1101/2022.03.02.22271552.
  - M. P. Fernandez-Perez, E. Perez-Navarro, T. Alonso-Gordoa, *et al.*, “A correlative biomarker study and integrative prognostic model in chemotherapy-naïve metastatic castration-resistant prostate cancer treated with enzalutamide,” *The Prostate*, vol. 83, no. 4, pp. 376–384, Dec. 2022. DOI: 10.1002/pros.24469.
  - C. García-Durán, R. Martínez-López, I. Zapico, *et al.*, “Distinct human gut microbial taxonomic signatures uncovered with different sample processing and microbial cell disruption methods for metaproteomic analysis,” *Frontiers in Microbiology*, vol. 12, Jul. 2021. DOI: 10.3389/fmicb.2021.618566.
  - J. Reales-Calderón, Z. Sun, V. Mascaraque, *et al.*, “A wide-ranging pseudomonas aeruginosa peptideatlas build: A useful proteomic resource for a versatile pathogen,” *Journal of Proteomics*, vol. 239, 2021.
  - Y. Perez-Riverol, A. Csordas, J. Bai, *et al.*, “The pride database and related tools and resources in 2019: Improving support for quantification data,” *Nucleic acids research*, vol. 47, no. D1, pp. D442–D450, 2019.
  - A. Carrasco, E. Perez, A.-B. Cutillas, R. Martinez-Gutierrez, V. Tomas, and J. Tudela, “Origanum vulgare and thymbra capitata essential oils from spain: Determination of aromatic profile and bioactivities,” *Natural Product Communications*, vol. 11, no. 1, pp. 113–120, 2016.
-