

ENRIQUE PÉREZ NAVARRO

Bioinformático y Biólogo molecular

✉ enrique.perez2@um.es ☎ +34 636923781
✉ C. Campus Universitario, Edificio 32, 30100 Murcia
📞 0000-0003-1091-8926

📍 Murcia, España

🌐 enperez/



EXPERIENCIA

Estudiante de doctorado

UMU

📅 Sep 2019 – Actualidad

📍 Murcia, Es

Bioinformático

Universidad Complutense

📅 Sep 2016 – Sep 2019

📍 Madrid, España

- Preparación de muestras biológicas para el análisis proteómico por MALDI-TOF/TOF y LC-MS/MS
- Análisis de datos LC-MS y MALDI-TOF-TOF y tratamiento estadístico.

Bioinformático

EMBL-EBI

📅 Sep 2015 – Sep 2016

📍 Cambridge, Reino Unido

- Desarrollo de un nuevo pipeline para mejorar la fiabilidad de PRIDE Cluster
- Análisis de los datos en PRIDE utilizando un enfoque de agrupación de espectros.

PROYECTOS

Implicaciones clínicas de los perfiles de expresión génica en sangre periférica en el cáncer de próstata metastásico

ISCII

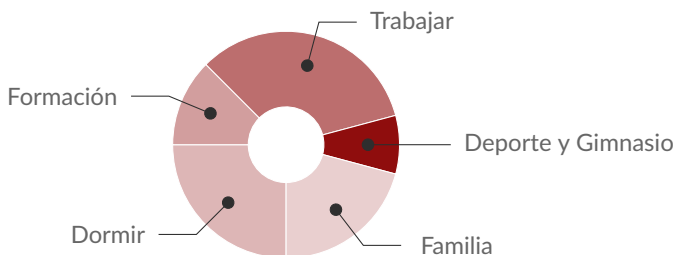
📅 2019-Actualmente

Predicción de pronóstico en pacientes de COVID-19 basado en Inteligencia Artificial

IMIB

📅 2021-Actualmente

UN DÍA EN MI VIDA



EDUCACIÓN

Ph.D. en Bioinformática

Universidad de Murcia

📅 Sept 2019 – Actualidad

Título de la tesis: Estudio genómico de pacientes con Cáncer de Próstata metastásico resistente a castración y su resistencia al tratamiento.

M.Sc. en Biología Molecular

Universidad de Murcia

📅 Sept 2016 – June 2017

B.Sc. en Bioquímica

Universidad de Murcia

📅 Sept 2009 – June 2014

IDIOMAS

Español ●●●●●

Ingles ●●●●●

Italiano ●●●●●

HABILIDADES

- Emprendedor
- Generador de Ideas
- Liderazgo y motivación
- Comunicación
- Python
- Genómica and Proteómica
- Análisis estadístico

+INFO



PUBLICACIONES

Books

- E. Pérez-Navarro and J. Díaz, *Quality Control in MALDI-TOF MS Techniques*. 2018, pp. 87–99.

Journal Articles

- A. Cisterna-García, A. Guillén-Teruel, M. Caracena, *et al.*, “A predictive model for hospitalization and survival to COVID-19 in a retrospective population-based study,” Mar. 2022. DOI: 10.1101/2022.03.02.22271552.
 - M. P. Fernandez-Perez, E. Perez-Navarro, T. Alonso-Gordoa, *et al.*, “A correlative biomarker study and integrative prognostic model in chemotherapy-naïve metastatic castration-resistant prostate cancer treated with enzalutamide,” *The Prostate*, vol. 83, no. 4, pp. 376–384, Dec. 2022. DOI: 10.1002/pros.24469.
 - C. García-Durán, R. Martínez-López, I. Zapico, *et al.*, “Distinct human gut microbial taxonomic signatures uncovered with different sample processing and microbial cell disruption methods for metaproteomic analysis,” *Frontiers in Microbiology*, vol. 12, Jul. 2021. DOI: 10.3389/fmicb.2021.618566.
 - J. Reales-Calderón, Z. Sun, V. Mascaraque, *et al.*, “A wide-ranging pseudomonas aeruginosa peptideatlas build: A useful proteomic resource for a versatile pathogen,” *Journal of Proteomics*, vol. 239, 2021.
 - Y. Perez-Riverol, A. Csordas, J. Bai, *et al.*, “The pride database and related tools and resources in 2019: Improving support for quantification data,” *Nucleic acids research*, vol. 47, no. D1, pp. D442–D450, 2019.
 - A. Carrasco, E. Perez, A.-B. Cutillas, R. Martínez-Gutierrez, V. Tomas, and J. Tudela, “*Origanum vulgare* and *thymbra capitata* essential oils from Spain: Determination of aromatic profile and bioactivities,” *Natural Product Communications*, vol. 11, no. 1, pp. 113–120, 2016.
-